

Supplementary S4.1.: Table with the number of sequences, Percentages of sequences and the number of resulting OTUs for the according taxonomy, calculated for each taxonomic level (a) Phylum, b) Class, c) Order, d) Family, e) Genus, f) Species). For this all OTUs/Sequences which were detected were used.

a) Phylum

Division	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota	104696	32.1353	1702	37.4560
Basidiomycota	202552	62.1712	2226	48.9877
Glomeromycota	58	0.0178	13	0.2861
unidentified	16825	5.1643	512	11.2676
Zygomycota	1666	0.5114	91	2.0026

b) Class

Class	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Archaeorhizomycetes	11	0.0034	3	0.0660
Ascomycota_Dothideomycetes	6829	2.0961	235	5.1717
Ascomycota_Eurotiomycetes	1056	0.3241	78	1.7165
Ascomycota_Incertae_sedis	2459	0.7548	50	1.1004
Ascomycota_Lecanoromycetes	279	0.0856	12	0.2641
Ascomycota_Leotiomycetes	57893	17.7697	862	18.9701
Ascomycota_Orbiliomycetes	11	0.0034	5	0.1100
Ascomycota_Pezizomycetes	28326	8.6944	228	5.0176
Ascomycota_Saccharomycetes	29	0.0089	5	0.1100
Ascomycota_Sordariomycetes	2336	0.7170	141	3.1030
Ascomycota_unidentified	5467	1.6780	83	1.8266
Basidiomycota_Agaricomycetes	201772	61.9318	2179	47.9533
Basidiomycota_Agaricostilbomycetes	6	0.0018	1	0.0220
Basidiomycota_Exobasidiomycetes	10	0.0031	1	0.0220

Basidiomycota_Incertae_sedis	39	0.0120	2	0.0440
Basidiomycota_Microbotryomycetes	71	0.0218	14	0.3081
Basidiomycota_Pucciniomycetes	39	0.0120	2	0.0440
Basidiomycota_Tremellomycetes	147	0.0451	15	0.3301
Basidiomycota_unidentified	446	0.1369	11	0.2421
Basidiomycota_Wallemyomycetes	22	0.0068	1	0.0220
Glomeromycota_Glomeromycetes	54	0.0166	11	0.2421
Glomeromycota_unidentified	4	0.0012	2	0.0440
unidentified_unidentified	16825	5.1643	512	11.2676
Zygomycota_Incertae_sedis	1666	0.5114	91	2.0026

c) Order

Order	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Archaeorhizomycetes_Archaeorhizomycetales	11	0.0034	3	0.0660
Ascomycota_Dothideomycetes_Botryosphaeriales	5	0.0015	2	0.0440
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales	55	0.0169	12	0.2641
Ascomycota_Dothideomycetes_Dothideales	20	0.0061	2	0.0440
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales	1972	0.6053	57	1.2544
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis	1922	0.5899	63	1.3864
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales	1299	0.3987	59	1.2984
Ascomycota_Dothideomycetes_unidentified	1404	0.4309	39	0.8583
Ascomycota_Dothideomycetes_Venturiales	152	0.0467	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales	262	0.0804	21	0.4621
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales	639	0.1961	48	1.0563
Ascomycota_Eurotiomycetes_Onygenales	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_unidentified	153	0.0470	8	0.1761
Ascomycota_Incertae_sedis_Incertae_sedis	2459	0.7548	50	1.1004
Ascomycota_Lecanoromycetes_Lecanorales	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Lecanoromycetes_Ostropales	7	0.0021	2	0.0440
Ascomycota_Lecanoromycetes_Teloschistales	5	0.0015	2	0.0440
Ascomycota_Lecanoromycetes_unidentified	265	0.0813	7	0.1540
Ascomycota_Leotiomycetes_Geoglossales	13	0.0040	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales	46911	14.3988	694	15.2729
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertae_sedis	1689	0.5184	64	1.4085
Ascomycota_Leotiomycetes_Leotiales	47	0.0144	4	0.0880
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales	257	0.0789	19	0.4181
Ascomycota_Leotiomycetes_Thelebolales	21	0.0064	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_unidentified	8955	2.7486	79	1.7386
Ascomycota_Orbiliomycetes_Orbiliales	7	0.0021	3	0.0660
Ascomycota_Orbiliomycetes_unidentified	4	0.0012	2	0.0440

Order	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales	28320	8.6925	226	4.9736
Ascomycota_Pezizomycetes_unidentified	6	0.0018	2	0.0440
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales	23	0.0071	4	0.0880
Ascomycota_Saccharomycetes_unidentified	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales	338	0.1037	11	0.2421
Ascomycota_Sordariomycetes_Coniochaetales	8	0.0025	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales	86	0.0264	10	0.2201
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales	799	0.2452	68	1.4965
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertae_sedis	261	0.0801	11	0.2421
Ascomycota_Sordariomycetes_Lulworthiales	22	0.0068	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales	14	0.0043	5	0.1100
Ascomycota_Sordariomycetes_Ophiostomatales	6	0.0018	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Phyllachorales	5	0.0015	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales	611	0.1875	10	0.2201
Ascomycota_Sordariomycetes_unidentified	78	0.0239	15	0.3301
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales	108	0.0331	6	0.1320
Ascomycota_unidentified_unidentified	5467	1.6780	83	1.8266
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales	46941	14.4081	664	14.6127
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales	8390	2.5752	163	3.5871
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales	200	0.0614	9	0.1981
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales	9693	2.9752	77	1.6945
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales	1891	0.5804	45	0.9903
Basidiomycota_Agaricomycetes_Geastrales	17	0.0052	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales	880	0.2701	17	0.3741
Basidiomycota_Agaricomycetes_Incertae_sedis	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Phallales	13	0.0040	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales	359	0.1102	18	0.3961
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales	106967	32.8324	733	16.1312
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales	6944	2.1314	126	2.7729
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales	13593	4.1722	242	5.3257
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales	4178	1.2824	48	1.0563

Order	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Basidiomycota_Agaricomycetes_unidentified	1703	0.5227	33	0.7262
Basidiomycota_Agaricostilbomycetes_Agaricostilbales	6	0.0018	1	0.0220
Basidiomycota_Exobasidiomycetes_Microstromatales	10	0.0031	1	0.0220
Basidiomycota_Incertae_sedis_Malasseziales	39	0.0120	2	0.0440
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Leucosporidiales	11	0.0034	1	0.0220
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales	42	0.0129	10	0.2201
Basidiomycota_Microbotryomycetes_unidentified	18	0.0055	3	0.0660
Basidiomycota_Pucciniomycetes_Pucciniales	37	0.0114	1	0.0220
Basidiomycota_Pucciniomycetes_unidentified	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Tremellomycetes_Cystofilobasidiales	6	0.0018	2	0.0440
Basidiomycota_Tremellomycetes_Filobasidiales	9	0.0028	3	0.0660
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales	34	0.0104	7	0.1540
Basidiomycota_Tremellomycetes_Trichosporonales	95	0.0292	2	0.0440
Basidiomycota_Tremellomycetes_unidentified	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_unidentified_unidentified	446	0.1369	11	0.2421
Basidiomycota_Walleliomycetes_Geminibasidiales	22	0.0068	1	0.0220
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales	22	0.0068	3	0.0660
Glomeromycota_Glomeromycetes_Diversisporales	2	0.0006	1	0.0220
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales	28	0.0086	6	0.1320
Glomeromycota_Glomeromycetes_Paraglomerales	2	0.0006	1	0.0220
Glomeromycota_unidentified_unidentified	4	0.0012	2	0.0440
unidentified_unidentified_unidentified	16825	5.1643	512	11.2676
Zygomycota_Incertae_sedis_Endogonales	2	0.0006	1	0.0220
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales	1415	0.4343	71	1.5625
Zygomycota_Incertae_sedis_Mucorales	249	0.0764	19	0.4181

d) Family

Family	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Archaeorhizomycetes_Archaeorhizomycetales_unidentified	11	0.0034	3	0.0660
Ascomycota_Dothideomycetes_Botryosphaeriales_Botryosphaeriaceae	5	0.0015	2	0.0440
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Antennulariaceae	10	0.0031	2	0.0440
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Davidiaceae	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae	25	0.0077	6	0.1320
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_unidentified	17	0.0052	3	0.0660
Ascomycota_Dothideomycetes_Dothideales_Dothioraceae	20	0.0061	2	0.0440
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales_Gloniaceae	1972	0.6053	57	1.2544
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Incertae_sedis	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Myxotrichaceae	1261	0.3871	39	0.8583
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Pseudeurotiaceae	257	0.0789	14	0.3081
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Roesleriaceae	400	0.1228	9	0.1981
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Corynesporascaceae	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertae_sedis	43	0.0132	9	0.1981
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Leptosphaeriaceae	174	0.0534	8	0.1761
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Lophiostomataceae	251	0.0770	5	0.1100
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Montagnulaceae	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Mytiliniaceae	8	0.0025	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Phaeosphaeriaceae	14	0.0043	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Pleosporaceae	37	0.0114	3	0.0660
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Tubeufiaceae	29	0.0089	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_unidentified	717	0.2201	24	0.5282
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Venturiaceae	21	0.0064	5	0.1100
Ascomycota_Dothideomycetes_unidentified_unidentified	1404	0.4309	39	0.8583
Ascomycota_Dothideomycetes_Venturiales_Venturiaceae	152	0.0467	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Chaetothyriaceae	15	0.0046	3	0.0660
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Herpotrichiaceae	101	0.0310	9	0.1981
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_unidentified	146	0.0448	9	0.1981
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Elaphomycetaceae	290	0.0890	18	0.3961

Family	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae	287	0.0881	26	0.5722
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_unidentified	62	0.0190	4	0.0880
Ascomycota_Eurotiomycetes_Onygenales_Onygenaceae	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_unidentified_unidentified	153	0.0470	8	0.1761
Ascomycota_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Incertae_sedis	2459	0.7548	50	1.1004
Ascomycota_Lecanoromycetes_Lecanorales_unidentified	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Lecanoromycetes_Ostropales_Stictidaceae	7	0.0021	2	0.0440
Ascomycota_Lecanoromycetes_Teloschistales_Teloschistaceae	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Lecanoromycetes_Teloschistales_unidentified	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Lecanoromycetes_unidentified_unidentified	265	0.0813	7	0.1540
Ascomycota_Leotiomycetes_Geoglossales_Geoglossaceae	13	0.0040	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae	3336	1.0240	52	1.1444
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae	13392	4.1105	131	2.8829
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae	3940	1.2093	42	0.9243
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertae_sedis	4584	1.4070	81	1.7826
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Rutstroemiaceae	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Sclerotiniaceae	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified	15623	4.7953	287	6.3160
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae	6031	1.8512	99	2.1787
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertae_sedis_Incertae_sedis	1689	0.5184	64	1.4085
Ascomycota_Leotiomycetes_Leotiales_Leotiaceae	47	0.0144	4	0.0880
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_Rhytismataceae	248	0.0761	18	0.3961
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_unidentified	9	0.0028	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Thelebolales_Thelebolaceae	21	0.0064	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_unidentified_unidentified	8955	2.7486	79	1.7386
Ascomycota_Orbiliomycetes_Orbiliales_Orbiliaceae	7	0.0021	3	0.0660
Ascomycota_Orbiliomycetes_unidentified_unidentified	4	0.0012	2	0.0440
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Discinaceae	1372	0.4211	20	0.4401
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae	60	0.0184	9	0.1981
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pezizaceae	66	0.0203	8	0.1761
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae	25047	7.6879	141	3.1030

Family	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Sarcosomataceae	161	0.0494	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae	1506	0.4623	36	0.7923
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_unidentified	108	0.0331	11	0.2421
Ascomycota_Pezizomycetes_unidentified_unidentified	6	0.0018	2	0.0440
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Dipodascaceae	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Incertae_sedis	7	0.0021	1	0.0220
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Saccharomycetaceae	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_unidentified	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Saccharomycetes_unidentified_unidentified	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae	338	0.1037	11	0.2421
Ascomycota_Sordariomycetes_Coniochaetales_Coniochaetaceae	8	0.0025	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Diaporthaceae	8	0.0025	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Melanconidaceae	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Togniniaceae	28	0.0086	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_unidentified	40	0.0123	5	0.1100
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Valsaceae	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Bionectriaceae	26	0.0080	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae	23	0.0071	6	0.1320
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae	11	0.0034	4	0.0880
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae	138	0.0424	15	0.3301
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertae_sedis	174	0.0534	18	0.3961
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae	408	0.1252	20	0.4401
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Ophiocordycipitaceae	16	0.0049	3	0.0660
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_unidentified	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertae_sedis_Annulatasceae	213	0.0654	4	0.0880
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertae_sedis_Glomerellaceae	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertae_sedis_Magnaporthaceae	37	0.0114	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertae_sedis_Plectosphaerellaceae	9	0.0028	4	0.0880
Ascomycota_Sordariomycetes_Lulworthiales_Lulworthiaceae	22	0.0068	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Ceratocystidaceae	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Halosphaeriaceae	2	0.0006	1	0.0220

Family	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Microascaceae	10	0.0031	3	0.0660
Ascomycota_Sordariomycetes_Ophiostomatales_Ophiostomataceae	6	0.0018	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Phyllachorales_Phyllachoraceae	5	0.0015	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Cephalothecaceae	17	0.0052	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Chaetomiaceae	576	0.1768	3	0.0660
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Lasiosphaeriaceae	11	0.0034	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_unidentified	7	0.0021	3	0.0660
Ascomycota_Sordariomycetes_unidentified_unidentified	78	0.0239	15	0.3301
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Amphisphaeriaceae	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Hyponectriaceae	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_unidentified	35	0.0107	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Xylariaceae	64	0.0196	2	0.0440
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified	5467	1.6780	83	1.8266
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae	128	0.0393	11	0.2421
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae	863	0.2649	21	0.4621
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Bolbitiaceae	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Clavariaceae	17	0.0052	5	0.1100
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae	4246	1.3033	98	2.1567
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Entolomataceae	194	0.0595	5	0.1100
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae	878	0.2695	16	0.3521
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae	14508	4.4531	74	1.6285
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae	3275	1.0052	126	2.7729
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae	242	0.0743	10	0.2201
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae	16458	5.0516	141	3.1030
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Niaceae	23	0.0071	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae	986	0.3026	10	0.2201
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Psathyrellaceae	25	0.0077	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae	695	0.2133	35	0.7702
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae	4248	1.3039	96	2.1127
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_unidentified	152	0.0467	10	0.2201
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae	8135	2.4970	145	3.1910

Family	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_unidentified	255	0.0783	18	0.3961
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_Incertae_sedis	9	0.0028	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_unidentified	191	0.0586	6	0.1320
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae	8455	2.5952	56	1.2324
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Paxillaceae	1068	0.3278	11	0.2421
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Sclerodermataceae	38	0.0117	5	0.1100
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Serpulaceae	9	0.0028	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Suillaceae	39	0.0120	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_unidentified	84	0.0258	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Botryobasidiaceae	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Cantharellaceae	10	0.0031	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Ceratobasidiaceae	28	0.0086	5	0.1100
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae	1411	0.4331	27	0.5942
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Hydniaceae	440	0.1351	11	0.2421
Basidiomycota_Agaricomycetes_Geastrales_Geastraceae	17	0.0052	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Repetobasidiaceae	5	0.0015	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Schizoporaceae	145	0.0445	7	0.1540
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_unidentified	730	0.2241	9	0.1981
Basidiomycota_Agaricomycetes_Incertae_sedis_Incertae_sedis	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Phallales_Phallaceae	13	0.0040	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Ganodermataceae	13	0.0040	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meripilaceae	71	0.0218	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meruliaceae	152	0.0467	5	0.1100
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Polyporaceae	14	0.0043	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_unidentified	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Xenasmataceae	107	0.0328	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Bondarzewiaceae	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae	106960	32.8303	730	16.0651
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Stephanosporaceae	5	0.0015	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae	6944	2.1314	126	2.7729
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae	13584	4.1695	240	5.2817

Family	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_unidentified	9	0.0028	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_Hydnodontaceae	3660	1.1234	17	0.3741
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_unidentified	518	0.1590	31	0.6822
Basidiomycota_Agaricomycetes_unidentified_unidentified	1703	0.5227	33	0.7262
Basidiomycota_Agaricostilbomycetes_Agaricostilbales_unidentified	6	0.0018	1	0.0220
Basidiomycota_Exobasidiomycetes_Microstromatales_Microstromataceae	10	0.0031	1	0.0220
Basidiomycota_Incertae_sedis_Malasseziales_Incertae_sedis	36	0.0110	1	0.0220
Basidiomycota_Incertae_sedis_Malasseziales_unidentified	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Leucosporidiales_Leucosporidiaceae	11	0.0034	1	0.0220
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_Incertae_sedis	17	0.0052	4	0.0880
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_unidentified	25	0.0077	6	0.1320
Basidiomycota_Microbotryomycetes_unidentified_unidentified	18	0.0055	3	0.0660
Basidiomycota_Pucciniomycetes_Pucciniales_unidentified	37	0.0114	1	0.0220
Basidiomycota_Pucciniomycetes_unidentified_unidentified	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Tremellomycetes_Cystofilobasidiales_Cystofilobasidiaceae	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Tremellomycetes_Cystofilobasidiales_Incertae_sedis	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Tremellomycetes_Filobasidiales_Filobasidiaceae	9	0.0028	3	0.0660
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales_Incertae_sedis	27	0.0083	6	0.1320
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales_unidentified	7	0.0021	1	0.0220
Basidiomycota_Tremellomycetes_Trichosporonales_Trichosporonaceae	95	0.0292	2	0.0440
Basidiomycota_Tremellomycetes_unidentified_unidentified	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_unidentified_unidentified_unidentified	446	0.1369	11	0.2421
Basidiomycota_Walleliomycetes_Geminibasidiales_Geminibasidiaceae	22	0.0068	1	0.0220
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales_Archaeosporaceae	18	0.0055	2	0.0440
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales_unidentified	4	0.0012	1	0.0220
Glomeromycota_Glomeromycetes_Diversisporales_Acaulosporaceae	2	0.0006	1	0.0220
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales_Claroideoglomeraceae	20	0.0061	3	0.0660
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales_Glomeraceae	8	0.0025	3	0.0660
Glomeromycota_Glomeromycetes_Paraglomerales_unidentified	2	0.0006	1	0.0220
Glomeromycota_unidentified_unidentified_unidentified	4	0.0012	2	0.0440
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified	16825	5.1643	512	11.2676

Family	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Zygomycota_Incertae_sedis_Endogonales_Endogonaceae	2	0.0006	1	0.0220
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_Mortierellaceae	1366	0.4193	62	1.3644
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_unidentified	49	0.0150	9	0.1981
Zygomycota_Incertae_sedis_Mucorales_Cunninghamellaceae	12	0.0037	4	0.0880
Zygomycota_Incertae_sedis_Mucorales_Mucoraceae	10	0.0031	3	0.0660
Zygomycota_Incertae_sedis_Mucorales_Umbelopsidaceae	227	0.0697	12	0.2641

e) Genus

Genus	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Archaeorhizomycetes_Archaeorhizomycetales_unidentified_unidentified	11	0.0034	3	0.0660
Ascomycota_Dothideomycetes_Botryosphaerales_Botryosphaeriaceae_Botryosphaeria	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Botryosphaerales_Botryosphaeriaceae_Neofusicoccum	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Antennulariaceae_Heteroconium	10	0.0031	2	0.0440
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Davidiellaceae_Cladosporium	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae_Passalora	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae_Pseudocercospora	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae_Ramichloridium	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae_unidentified	14	0.0043	2	0.0440
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae_Xenostigmina	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_unidentified_unidentified	17	0.0052	3	0.0660
Ascomycota_Dothideomycetes_Dothideales_Dothioraceae_Aureobasidium	11	0.0034	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Dothideales_Dothioraceae_Sydowia	9	0.0028	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales_Gloniaceae_Cenococcum	1970	0.6047	56	1.2324
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales_Gloniaceae_unidentified	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Minutisphaera	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Myxotrichaceae_Gymnostellatospora	9	0.0028	3	0.0660
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Myxotrichaceae_Oidiodendron	1008	0.3094	28	0.6162
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Myxotrichaceae_unidentified	244	0.0749	8	0.1761
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Pseudeurotiaceae_Leuconeurospora	8	0.0025	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Pseudeurotiaceae_Pseudeurotium	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Pseudeurotiaceae_Pseudogymnoascus	237	0.0727	11	0.2421
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Pseudeurotiaceae_unidentified	9	0.0028	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Roesleriaceae_Roesleria	400	0.1228	9	0.1981
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Corynesporascaceae_Corynespora	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertae_sedis_Berkleasium	8	0.0025	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertae_sedis_Dictyosporium	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertae_sedis_Herpotrichia	10	0.0031	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertae_sedis_Leptosphaerulina	2	0.0006	1	0.0220

Genus	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertae_sedis_Phoma	10	0.0031	3	0.0660
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertae_sedis_Pyrenochaeta	11	0.0034	2	0.0440
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Leptosphaeriaceae_Leptosphaeria	9	0.0028	2	0.0440
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Leptosphaeriaceae_unidentified	165	0.0506	6	0.1320
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Lophiostomataceae_Lophiostoma	251	0.0770	5	0.1100
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Montagnulaceae_Paraconiothyrium	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Mytiliniaceae_Lophium	8	0.0025	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Phaeosphaeriaceae_unidentified	14	0.0043	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Pleosporaceae_Alternaria	5	0.0015	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Pleosporaceae_Cochliobolus	5	0.0015	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Pleosporaceae_unidentified	27	0.0083	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Tubeufiaceae_unidentified	29	0.0089	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_unidentified_unidentified	717	0.2201	24	0.5282
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Venturiaceae_Protoventuria	11	0.0034	2	0.0440
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Venturiaceae_Venturia	10	0.0031	3	0.0660
Ascomycota_Dothideomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	1404	0.4309	39	0.8583
Ascomycota_Dothideomycetes_Venturiales_Venturiaceae_unidentified	152	0.0467	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Chaetothyriaceae_Cyphellophora	15	0.0046	3	0.0660
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Herpotrichiellaceae_Cladophialophora	68	0.0209	5	0.1100
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Herpotrichiellaceae_Exophiala	22	0.0068	2	0.0440
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Herpotrichiellaceae_Phialophora	9	0.0028	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Herpotrichiellaceae_unidentified	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_unidentified_unidentified	146	0.0448	9	0.1981
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Elaphomycetaceae_Elaphomyces	34	0.0104	3	0.0660
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Elaphomycetaceae_unidentified	256	0.0786	15	0.3301
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Aspergillus	5	0.0015	2	0.0440
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Eladia	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium	191	0.0586	19	0.4181
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Sagenomella	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Talaromyces	80	0.0246	2	0.0440
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Thysanophora	6	0.0018	1	0.0220

Genus	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_unidentified_unidentified	62	0.0190	4	0.0880
Ascomycota_Eurotiomycetes_Onygenales_Onygenaceae_Amauroascus	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	153	0.0470	8	0.1761
Ascomycota_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Chalara	2407	0.7388	42	0.9243
Ascomycota_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Filospora	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Petrakia	7	0.0021	1	0.0220
Ascomycota_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Phialea	11	0.0034	1	0.0220
Ascomycota_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Phialemoniopsis	17	0.0052	1	0.0220
Ascomycota_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Pleurophragmium	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Pseudoclastrosphaerina	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Triscelophorus	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Tumularia	5	0.0015	1	0.0220
Ascomycota_Lecanoromycetes_Lecanorales_unidentified_unidentified	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Lecanoromycetes_Ostropales_Stictidaceae_Cryptodiscus	7	0.0021	2	0.0440
Ascomycota_Lecanoromycetes_Teloschistales_Teloschistaceae_Sirenophila	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Lecanoromycetes_Teloschistales_unidentified_unidentified	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Lecanoromycetes_unidentified_unidentified_unidentified	265	0.0813	7	0.1540
Ascomycota_Leotiomycetes_Geoglossales_Geoglossaceae_Geoglossum	13	0.0040	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_Cryptosporiopsis	911	0.2796	18	0.3961
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_Mollisia	56	0.0172	5	0.1100
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_Pezicula	5	0.0015	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_unidentified	2364	0.7256	28	0.6162
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Articulospora	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Cudoniella	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Hymenoscyphus	38	0.0117	4	0.0880
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Neobulgaria	80	0.0246	3	0.0660
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Rhizoscyphus	22	0.0068	5	0.1100
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_unidentified	11654	3.5771	108	2.3768
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Varicosporium	1591	0.4883	9	0.1981
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Arachnopeziza	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Belonidium	34	0.0104	1	0.0220

Genus	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Cistella	17	0.0052	3	0.0660
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Hamatocanthoscypha	13	0.0040	4	0.0880
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Lachnum	3573	1.0967	26	0.5722
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Hyaloscyphaceae_unidentified	299	0.0918	7	0.1540
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertae_sedis_Cadophora	451	0.1384	21	0.4621
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertae_sedis_Gloeotinia	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertae_sedis_Helicodendron	53	0.0163	3	0.0660
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertae_sedis_Infundichalara	144	0.0442	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertae_sedis_Leptodontidium	120	0.0368	8	0.1761
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertae_sedis_Naevala	18	0.0055	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertae_sedis_Scytalidium	206	0.0632	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertae_sedis_Tetracladium	3555	1.0912	39	0.8583
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertae_sedis_Xenopolyscytalum	34	0.0104	4	0.0880
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Rutstroemiaceae_Scleromitrua	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Sclerotiniaceae_Botrytis	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_unidentified_unidentified	15623	4.7953	287	6.3160
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Vibrissaceae_Acephala	1130	0.3468	28	0.6162
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala	4901	1.5043	71	1.5625
Ascomycota_Leotiomyces_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Geomyces	238	0.0731	13	0.2861
Ascomycota_Leotiomyces_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Leohumicola	44	0.0135	3	0.0660
Ascomycota_Leotiomyces_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Meliniomyces	1407	0.4319	48	1.0563
Ascomycota_Leotiomyces_Leotiales_Leotiaceae_Alatospora	7	0.0021	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomyces_Leotiales_Leotiaceae_Leotia	40	0.0123	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomyces_Rhytismatales_Rhytismataceae_Coccomyces	11	0.0034	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomyces_Rhytismatales_Rhytismataceae_Colpoma	153	0.0470	8	0.1761
Ascomycota_Leotiomyces_Rhytismatales_Rhytismataceae_Lophodermium	30	0.0092	6	0.1320
Ascomycota_Leotiomyces_Rhytismatales_Rhytismataceae_unidentified	54	0.0166	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomyces_Rhytismatales_unidentified_unidentified	9	0.0028	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Thelebolales_Thelebolaceae_Pezizella	21	0.0064	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_unidentified_unidentified_unidentified	8955	2.7486	79	1.7386
Ascomycota_Orbiliomyces_Orbiliales_Orbiliaceae_Dactylella	2	0.0006	1	0.0220

Genus	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Orbiliomycetes_Orbiliales_Orbiliaceae_Dactyloellina	5	0.0015	2	0.0440
Ascomycota_Orbiliomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	4	0.0012	2	0.0440
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Discinaceae_Hydnotrya	1372	0.4211	20	0.4401
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae_Balsamia	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae_Helvella	54	0.0166	7	0.1540
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae_unidentified	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pezizaceae_Terfezia	19	0.0058	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pezizaceae_unidentified	47	0.0144	7	0.1540
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Genea	312	0.0958	3	0.0660
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Geopyxis	19	0.0058	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Humaria	187	0.0574	7	0.1540
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Otidea	171	0.0525	5	0.1100
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Scutellinia	173	0.0531	5	0.1100
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Tarzettia	24	0.0074	2	0.0440
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Trichophaea	15	0.0046	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_unidentified	24134	7.4077	114	2.5088
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Wilcoxina	12	0.0037	3	0.0660
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Sarcosomataceae_Urnula	161	0.0494	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber	1501	0.4607	34	0.7482
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_unidentified	5	0.0015	2	0.0440
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_unidentified_unidentified	108	0.0331	11	0.2421
Ascomycota_Pezizomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	6	0.0018	2	0.0440
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Dipodascaceae_Galactomyces	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Incertae_sedis_Candida	7	0.0021	1	0.0220
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Saccharomycetaceae_Lachancea	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_unidentified_unidentified	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Saccharomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Chaetosphaeria	291	0.0893	5	0.1100
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Chloridium	5	0.0015	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Menispora	23	0.0071	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Thozetella	3	0.0009	1	0.0220

Genus	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Zignoella	16	0.0049	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Coniochaetales_Coniochaetaceae_Coniochaeta	8	0.0025	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Diaporthaceae_Phomopsis	8	0.0025	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Melanconidaceae_Melanconium	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Togniniaceae_Phaeoacremonium	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Togniniaceae_Togninia	24	0.0074	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_unidentified_unidentified	40	0.0123	5	0.1100
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Valsaceae_Valsa	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Bionectriaceae_Bionectria	26	0.0080	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Aschersonia	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Metacordyceps	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Metarhizium	11	0.0034	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Pochonia	6	0.0018	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae_Akanthomyces	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae_Beauveria	5	0.0015	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae_Cordyceps	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae_Lecanicillium	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Hypocrea	49	0.0150	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Trichoderma	64	0.0196	12	0.2641
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_unidentified	25	0.0077	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertae_sedis_Acremonium	9	0.0028	3	0.0660
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertae_sedis_Cephalosporium	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertae_sedis_Ilyonectria	140	0.0430	8	0.1761
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertae_sedis_Sarocladium	7	0.0021	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertae_sedis_Stachybotrys	14	0.0043	3	0.0660
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertae_sedis_Trichothecium	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Cosmospora	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Flagellospora	15	0.0046	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Geejayessia	5	0.0015	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Neonectria	29	0.0089	6	0.1320
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_unidentified	337	0.1034	6	0.1320

Genus	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Volutella	19	0.0058	3	0.0660
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Ophiocordycipitaceae_Elaphocordyceps	11	0.0034	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Ophiocordycipitaceae_Ophiocordyceps	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Ophiocordycipitaceae_Tolypocladium	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_unidentified_unidentified	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertae_sedis_Annulatascaceae_Conlarium	213	0.0654	4	0.0880
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertae_sedis_Glomerellaceae_Colletotrichum	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertae_sedis_Magnaporthaceae_Mycoleptodiscus	37	0.0114	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertae_sedis_Plectosphaerellaceae_unidentified	4	0.0012	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertae_sedis_Plectosphaerellaceae_Verticillium	5	0.0015	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Lulworthiales_Lulworthiaceae_Zalerion	22	0.0068	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Ceratocystidaceae_Ceratocystis	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Halosphaeriaceae_Tirisporea	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Microascaceae_Cephalotrichum	5	0.0015	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Microascaceae_Graphium	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Microascaceae_Wardomyces	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Ophiostomatales_Ophiostomataceae_Sporothrix	6	0.0018	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Phyllachorales_Phyllachoraceae_unidentified	5	0.0015	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Cephalothecaceae_Cephalotheca	17	0.0052	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Chaetomiaceae_Humicola	20	0.0061	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Chaetomiaceae_Trichocladium	541	0.1661	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Chaetomiaceae_unidentified	15	0.0046	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Lasiosphaeriaceae_Podospora	7	0.0021	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Lasiosphaeriaceae_unidentified	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_unidentified_unidentified	7	0.0021	3	0.0660
Ascomycota_Sordariomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	78	0.0239	15	0.3301
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Amphisphaeriaceae_Pestalotiopsis	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Hyponectriaceae_unidentified	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_unidentified_unidentified	35	0.0107	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Xylariaceae_Obolarina	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Xylariaceae_Xylaria	62	0.0190	1	0.0220

Genus	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified	5467	1.6780	83	1.8266
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Agaricus	22	0.0068	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Cystoderma	5	0.0015	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Cystolepiota	14	0.0043	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Lepiota	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Lycoperdon	80	0.0246	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Macrolepiota	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Melanophyllum	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita	475	0.1458	16	0.3521
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_unidentified	388	0.1191	5	0.1100
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Bolbitiaceae_Conocybe	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Clavariaceae_Clavaria	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Clavariaceae_unidentified	14	0.0043	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius	1273	0.3907	32	0.7042
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Phaeocollybia	8	0.0025	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Protoglossum	24	0.0074	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_unidentified	2941	0.9027	63	1.3864
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Entolomataceae_Entoloma	194	0.0595	5	0.1100
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae_Laccaria	813	0.2495	11	0.2421
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae_unidentified	65	0.0200	5	0.1100
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrocybe	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrophorus	14157	4.3453	61	1.3424
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_unidentified	349	0.1071	12	0.2641
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe	2892	0.8877	95	2.0907
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_unidentified	383	0.1176	31	0.6822
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Gymnopus	4	0.0012	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Hydropus	160	0.0491	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Marasmiellus	28	0.0086	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Marasmius	43	0.0132	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Megacollybia	7	0.0021	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Hemimycena	4	0.0012	2	0.0440

Genus	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena	7537	2.3134	94	2.0687
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_unidentified	8917	2.7370	45	0.9903
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Niaceae_Flagelloscypha	23	0.0071	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae_Armillaria	975	0.2993	8	0.1761
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae_Hymenopellis	8	0.0025	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae_unidentified	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Psathyrellaceae_Coprinellus	17	0.0052	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Psathyrellaceae_Coprinopsis	8	0.0025	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Agrocybe	337	0.1034	14	0.3081
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Galerina	15	0.0046	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hebeloma	18	0.0055	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hymenogaster	29	0.0089	7	0.1540
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hypholoma	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Naucoria	275	0.0844	6	0.1320
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Pholiota	18	0.0055	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Clitocybe	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Delicatula	47	0.0144	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Lepista	6	0.0018	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Mycenella	136	0.0417	11	0.2421
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Pseudoomphalina	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Tricholoma	483	0.1483	11	0.2421
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_unidentified	3572	1.0964	69	1.5185
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_unidentified_unidentified	152	0.0467	10	0.2201
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Amphinema	300	0.0921	6	0.1320
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Athelopsis	181	0.0556	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Byssocorticium	49	0.0150	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Piloderma	260	0.0798	19	0.4181
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Tylospora	1816	0.5574	13	0.2861
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_unidentified	5529	1.6971	103	2.2667
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_unidentified_unidentified	255	0.0783	18	0.3961
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_Incertae_sedis_Auricularia	7	0.0021	2	0.0440

Genus	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_Incertae_sedis_Oliveonia	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_unidentified_unidentified	191	0.0586	6	0.1320
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Boletus	296	0.0909	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Tylopilus	11	0.0034	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_unidentified	1810	0.5556	30	0.6602
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Xerocomellus	68	0.0209	5	0.1100
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Xerocomus	6270	1.9245	17	0.3741
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Paxillaceae_Melanogaster	1047	0.3214	8	0.1761
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Paxillaceae_Paxillus	12	0.0037	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Paxillaceae_unidentified	9	0.0028	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Sclerodermataceae_Scleroderma	38	0.0117	5	0.1100
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Serpulaceae_Serpula	9	0.0028	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Suillaceae_Suillus	39	0.0120	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_unidentified_unidentified	84	0.0258	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Botryobasidiaceae_Botryobasidium	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Cantharellaceae_Craterellus	10	0.0031	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Ceratobasidiaceae_Ceratobasidium	19	0.0058	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Ceratobasidiaceae_unidentified	9	0.0028	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae_Clavulina	764	0.2345	11	0.2421
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae_Membranomyces	14	0.0043	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae_unidentified	633	0.1943	15	0.3301
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Hydniaceae_Hydnum	408	0.1252	8	0.1761
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Hydniaceae_Sistotrema	20	0.0061	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Hydniaceae_unidentified	12	0.0037	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Geastrales_Geastraceae_Geastrum	17	0.0052	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Repetobasidiaceae_Rickenella	5	0.0015	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Schizoporaceae_Hyphodontia	106	0.0325	6	0.1320
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Schizoporaceae_Xylodon	39	0.0120	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_unidentified_unidentified	730	0.2241	9	0.1981
Basidiomycota_Agaricomycetes_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Cotylicia	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Phallales_Phallaceae_Phallus	13	0.0040	1	0.0220

Genus	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Ganodermataceae_Ganoderma	13	0.0040	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meripilaceae_HydNOPOLYPORUS	20	0.0061	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meripilaceae_Physisporinus	51	0.0157	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meruliaceae_Hypochnicium	5	0.0015	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meruliaceae_Phlebia	20	0.0061	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meruliaceae_Scopuloides	127	0.0390	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Polyporaceae_Daedaleopsis	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Polyporaceae_Diplomitoporus	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Polyporaceae_Skeletocutis	9	0.0028	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_unidentified_unidentified	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Xenasmataceae_Xenasmatella	107	0.0328	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Bondarzewiaceae_Heterobasidion	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Arcangeliella	63	0.0193	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius	15088	4.6311	116	2.5528
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactifluus	443	0.1360	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula	30838	9.4654	285	6.2720
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_unidentified	60528	18.5784	323	7.1083
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Stephanosporaceae_unidentified	5	0.0015	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Sebacina	5978	1.8349	79	1.7386
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_unidentified	966	0.2965	47	1.0343
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Amaurodon	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Pseudotomentella	172	0.0528	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Thelephora	1959	0.6013	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella	995	0.3054	32	0.7042
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_unidentified	10456	3.2094	200	4.4014
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_unidentified_unidentified	9	0.0028	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_HydNodontaceae_Trechispora	3660	1.1234	17	0.3741
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_unidentified_unidentified	518	0.1590	31	0.6822
Basidiomycota_Agaricomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	1703	0.5227	33	0.7262
Basidiomycota_Agaricostilbomycetes_Agaricostilbales_unidentified_unidentified	6	0.0018	1	0.0220
Basidiomycota_Exobasidiomycetes_Microstromatales_Microstromataceae_Sympodiomyces	10	0.0031	1	0.0220

Genus	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Basidiomycota_Incertae_sedis_Malasseziales_Incertae_sedis_Malassezia	36	0.0110	1	0.0220
Basidiomycota_Incertae_sedis_Malasseziales_unidentified_unidentified	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Leucosporidiales_Leucosporidiaceae_Leucosporidiella	11	0.0034	1	0.0220
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_Incertae_sedis_Rhodotorula	13	0.0040	3	0.0660
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_Incertae_sedis_Sporobolomyces	4	0.0012	1	0.0220
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_unidentified_unidentified	25	0.0077	6	0.1320
Basidiomycota_Microbotryomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	18	0.0055	3	0.0660
Basidiomycota_Pucciniomycetes_Pucciniales_unidentified_unidentified	37	0.0114	1	0.0220
Basidiomycota_Pucciniomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Tremellomycetes_Cystofilobasidiales_Cystofilobasidiaceae_unidentified	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Tremellomycetes_Cystofilobasidiales_Incertae_sedis_Mrakiella	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Tremellomycetes_Filobasidiales_Filobasidiaceae_Cryptococcus	9	0.0028	3	0.0660
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales_Incertae_sedis_Cryptococcus	18	0.0055	3	0.0660
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales_Incertae_sedis_Dioszegia	9	0.0028	3	0.0660
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales_unidentified_unidentified	7	0.0021	1	0.0220
Basidiomycota_Tremellomycetes_Trichosporonales_Trichosporonaceae_Trichosporon	95	0.0292	2	0.0440
Basidiomycota_Tremellomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified	446	0.1369	11	0.2421
Basidiomycota_Walleiomycetes_Geminibasidiales_Geminibasidiaceae_Geminibasidium	22	0.0068	1	0.0220
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales_Archaeosporaceae_Archaeospora	16	0.0049	1	0.0220
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales_Archaeosporaceae_unidentified	2	0.0006	1	0.0220
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales_unidentified_unidentified	4	0.0012	1	0.0220
Glomeromycota_Glomeromycetes_Diversisporales_Acaulosporaceae_unidentified	2	0.0006	1	0.0220
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales_Claroideoglomeraceae_Claroideoglomerus	15	0.0046	2	0.0440
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales_Claroideoglomeraceae_unidentified	5	0.0015	1	0.0220
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales_Glomeraceae_unidentified	8	0.0025	3	0.0660
Glomeromycota_Glomeromycetes_Paraglomerales_unidentified_unidentified	2	0.0006	1	0.0220
Glomeromycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified	4	0.0012	2	0.0440
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified	16825	5.1643	512	11.2676
Zygomycota_Incertae_sedis_Endogonales_Endogonaceae_Endogone	2	0.0006	1	0.0220
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Dissophora	19	0.0058	1	0.0220

Genus	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella	933	0.2864	55	1.2104
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_Mortierellaceae_unidentified	414	0.1271	6	0.1320
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_unidentified_unidentified	49	0.0150	9	0.1981
Zygomycota_Incertae_sedis_Mucorales_Cunninghamellaceae_Absidia	12	0.0037	4	0.0880
Zygomycota_Incertae_sedis_Mucorales_Mucoraceae_Mucor	8	0.0025	2	0.0440
Zygomycota_Incertae_sedis_Mucorales_Mucoraceae_unidentified	2	0.0006	1	0.0220
Zygomycota_Incertae_sedis_Mucorales_Umbelopsidaceae_Umbelopsis	227	0.0697	12	0.2641

f) Species

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Archaeorhizomycetes_Archaeorhizomycetales_unidentified_unidentified_Archaeorhizomycetales_sp	11	0.0034	3	0.0660
Ascomycota_Dothideomycetes_Botryosphaeriales_Botryosphaeriaceae_Botryosphaeria_Botryosphaeria_dothidea	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Botryosphaeriales_Botryosphaeriaceae_Neofusicoccum_Neofusicoccum_australe	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Antennulariaceae_Heteroconium_Heteroconium_sp_115_114E	10	0.0031	2	0.0440
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Davidiellaceae_Cladosporium_Cladosporium_sp_UFMGCB_3569	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae_Passalora_Passalora_sp_CPC_11147	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae_Pseudocercospora_Pseudocercospora_griseola_f_mesoa mericana	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae_Ramichloridium_Ramichloridium_anceps	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae_unidentified_Mycosphaerellaceae_sp_SD_01	14	0.0043	2	0.0440
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae_Xenostigmina_Xenostigmina_zilleri	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_unidentified_unidentified_Capnodiales_sp	4	0.0012	2	0.0440
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_unidentified_unidentified_uncultured_Devriesia	13	0.0040	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Dothideales_Dothioraceae_Aureobasidium_Aureobasidium_pullulans	11	0.0034	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Dothideales_Dothioraceae_Sydowia_Sydowia_sp	9	0.0028	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales_Gloniaceae_Cenococcum_Cenococcum_geophilum	94	0.0289	9	0.1981
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales_Gloniaceae_Cenococcum_Cenococcum_sp	28	0.0086	5	0.1100
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales_Gloniaceae_Cenococcum_Cenococcum_sp_Ceno_OI	29	0.0089	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales_Gloniaceae_Cenococcum_uncultured_Cenococcum	1819	0.5583	41	0.9023
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales_Gloniaceae_unidentified_Gloniaceae_sp	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Minutisphaera_Minutisphaera_sp_G156_2	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Myxotrichaceae_Gymnostellatospora_Gymnostellatospora_sp	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Myxotrichaceae_Gymnostellatospora_Gymnostellatospora_sp_SL0219	7	0.0021	2	0.0440
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Myxotrichaceae_Oidiodendron_Oidiodendron_flavum	77	0.0236	2	0.0440
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Myxotrichaceae_Oidiodendron_Oidiodendron_maius	617	0.1894	8	0.1761
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Myxotrichaceae_Oidiodendron_Oidiodendron_muniellensis	5	0.0015	2	0.0440
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Myxotrichaceae_Oidiodendron_Oidiodendron_sp	117	0.0359	10	0.2201
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Myxotrichaceae_Oidiodendron_Oidiodendron_sp_shylm118	143	0.0439	1	0.0220

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Myxotrichaceae_Oidiodendron_Oidiodendron_tenuissimum	44	0.0135	4	0.0880
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Myxotrichaceae_Oidiodendron_Oidiodendron_truncatum	5	0.0015	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Myxotrichaceae_unidentified_uncultured_Oidiodendron	244	0.0749	8	0.1761
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Pseudeurotiaceae_Leuconeurospora_Leuconeurospora_sp	8	0.0025	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Pseudeurotiaceae_Pseudeurotium_Pseudeurotium_sp	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Pseudeurotiaceae_Pseudogymnoascus_Pseudogymnoascus_pannorum	229	0.0703	8	0.1761
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Pseudeurotiaceae_Pseudogymnoascus_Pseudogymnoascus_sp	6	0.0018	2	0.0440
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Pseudeurotiaceae_Pseudogymnoascus_Pseudogymnoascus_sp_BL549	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Pseudeurotiaceae_unidentified_Pseudeurotiaceae_sp	9	0.0028	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertae_sedis_Roesleriaceae_Roesleria_Roesleria_sp	400	0.1228	9	0.1981
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Corynesporascaceae_Corynespora_Corynespora_smithii	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertae_sedis_Berkleasium_Berkleasium_sp_X18	8	0.0025	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertae_sedis_Dictyosporium_Dictyosporium_toruloides	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertae_sedis_Herpotrichia_Herpotrichia_sp	10	0.0031	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertae_sedis_Leptosphaerulina_Leptosphaerulina_chartarum	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertae_sedis_Phoma_Phoma_sp	10	0.0031	3	0.0660
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertae_sedis_Pyrenochaeta_Pyrenochaeta_sp	8	0.0025	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertae_sedis_Pyrenochaeta_Pyrenochaeta_sp_AU/DBT238	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Leptosphaeriaceae_Leptosphaeria_Leptosphaeria_sp	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Leptosphaeriaceae_Leptosphaeria_Leptosphaeria_sp_F101	7	0.0021	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Leptosphaeriaceae_unidentified_Leptosphaeriaceae_sp	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Leptosphaeriaceae_unidentified_uncultured_Epicoccum	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Leptosphaeriaceae_unidentified_uncultured_Leptosphaeria	161	0.0494	4	0.0880
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Lophiostomataceae_Lophiostoma_Lophiostoma_compressum	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Lophiostomataceae_Lophiostoma_Lophiostoma_corticola	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Lophiostomataceae_Lophiostoma_Lophiostoma_sp	247	0.0758	3	0.0660
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Montagnulaceae_Paraconiothyrium_Paraconiothyrium_fuckelii	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Mytiliniaceae_Lophium_Lophium_sp	8	0.0025	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Phaeosphaeriaceae_unidentified_Phaeosphaeriaceae_sp	14	0.0043	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Pleosporaceae_Alternaria_Alternaria_triticina	5	0.0015	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Pleosporaceae_Cochliobolus_Cochliobolus_sativus	5	0.0015	1	0.0220

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Pleosporaceae_unidentified_Pleosporaceae_sp	27	0.0083	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Tubeufiaceae_unidentified_Tubeufiaceae_sp_MFLUCC10_0120	29	0.0089	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_unidentified_unidentified_Pleosporales_sp	705	0.2164	21	0.4621
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_unidentified_unidentified_Pleosporales_sp_F277808	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_unidentified_unidentified_uncultured_Pleosporales	10	0.0031	2	0.0440
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Venturiaceae_Protoventuria_uncultured_Protoventuria	11	0.0034	2	0.0440
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Venturiaceae_Venturia_Venturia_sp	10	0.0031	3	0.0660
Ascomycota_Dothideomycetes_unidentified_unidentified_unidentified_Dothideomycetes_sp	1155	0.3545	31	0.6822
Ascomycota_Dothideomycetes_unidentified_unidentified_unidentified_Dothideomycetes_sp_AS1_1	22	0.0068	1	0.0220
Ascomycota_Dothideomycetes_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_Dothideomycetes	227	0.0697	7	0.1540
Ascomycota_Dothideomycetes_Venturiales_Venturiaceae_unidentified_uncultured_Venturiaceae	152	0.0467	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Chaetothyriaceae_Cyphellophora_Cyphellophora_pluriseptata	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Chaetothyriaceae_Cyphellophora_Cyphellophora_sp	13	0.0040	2	0.0440
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Herpotrichiellaceae_Cladophialophora_Cladophialophora_sp	68	0.0209	5	0.1100
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Herpotrichiellaceae_Exophiala_Exophiala_sp	22	0.0068	2	0.0440
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Herpotrichiellaceae_Phialophora_Phialophora_mustea	9	0.0028	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Herpotrichiellaceae_unidentified_uncultured_Cladophialophora	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_unidentified_unidentified_Chaetothyriales_sp	146	0.0448	9	0.1981
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Elaphomycetaceae_Elaphomyces_Elaphomyces_decipiens	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Elaphomycetaceae_Elaphomyces_Elaphomyces_muricatus	31	0.0095	2	0.0440
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Elaphomycetaceae_unidentified_Elaphomycetaceae_sp	236	0.0724	12	0.2641
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Elaphomycetaceae_unidentified_uncultured_Elaphomyces	20	0.0061	3	0.0660
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Aspergillus_Aspergillus_kanagawaensis	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Aspergillus_Aspergillus_sp	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Eladia_Eladia_saccula	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_Penicillium_adametzii	19	0.0058	2	0.0440
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_Penicillium_daleae	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_Penicillium_godlewskii	7	0.0021	2	0.0440
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_Penicillium_inflatum	29	0.0089	2	0.0440
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_Penicillium_manginii	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_Penicillium_nodositatum	2	0.0006	1	0.0220

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_Penicillium_raistrickii	28	0.0086	2	0.0440
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_Penicillium_sp_30_BRO_2013	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_Penicillium_sp_CCF3781	64	0.0196	2	0.0440
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_Penicillium_sp_CMV_2013m	21	0.0064	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_Penicillium_sp_FF28	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_Penicillium_sp_FF52	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_Penicillium_spinulosum	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_Penicillium_thomii	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Sagenomella_Sagenomella_humicola	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Talaromyces_Talaromyces_sp	7	0.0021	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Talaromyces_Talaromyces_sp_2_CMV_2012	73	0.0224	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Thysanophora_Thysanophora_penicillioides	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_unidentified_unidentified_Eurotiales_sp	47	0.0144	2	0.0440
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_unidentified_unidentified_uncultured_Penicillium	15	0.0046	2	0.0440
Ascomycota_Eurotiomycetes_Onygenales_Onygenaceae_Amauroascus_Amauroascus_albicans	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Eurotiomycetes_unidentified_unidentified_unidentified_Eurotiomycetes_sp	25	0.0077	4	0.0880
Ascomycota_Eurotiomycetes_unidentified_unidentified_unidentified_Eurotiomycetes_sp_1_KO_2013	128	0.0393	4	0.0880
Ascomycota_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Chalara_Chalara_hyalocuspica	13	0.0040	2	0.0440
Ascomycota_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Chalara_Chalara_microchona	45	0.0138	3	0.0660
Ascomycota_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Chalara_Chalara_piceae_abietis	11	0.0034	2	0.0440
Ascomycota_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Chalara_Chalara_pseudoaffinis	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Chalara_Chalara_sp	2330	0.7152	32	0.7042
Ascomycota_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Chalara_Chalara_sp_YTH_2012b	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Chalara_Chalara_vaccinii	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Filospora_Filospora_fistucella	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Petrakia_Petrakia_sp	7	0.0021	1	0.0220
Ascomycota_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Phialea_Phialea_sp	11	0.0034	1	0.0220
Ascomycota_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Phialemonopsis_Phialemonopsis_curvata	17	0.0052	1	0.0220
Ascomycota_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Pleurophragmium_Pleurophragmium_sp_J530	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Pseudoclathrosphaerina_Pseudoclathrosphaerina_sp	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Triscelophorus_Triscelophorus_monosporus	2	0.0006	1	0.0220

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Tumularia_Tumularia_sp_Rr27	5	0.0015	1	0.0220
Ascomycota_Lecanoromycetes_Lecanorales_unidentified_unidentified_Lecanorales_sp	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Lecanoromycetes_Ostropales_Stictidaceae_Cryptodiscus_Cryptodiscus_tabularum	7	0.0021	2	0.0440
Ascomycota_Lecanoromycetes_Teloschistales_Teloschistaceae_Sirenophila_Sirenophila_sp_45_UA_2013	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Lecanoromycetes_Teloschistales_unidentified_unidentified_Teloschistales_sp	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Lecanoromycetes_unidentified_unidentified_unidentified_Lecanoromycetes_sp	265	0.0813	7	0.1540
Ascomycota_Leotiomyces_Geoglossales_Geoglossaceae_Geoglossum_Geoglossum_fallax	13	0.0040	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Dermateaceae_Cryptosporiopsis_Cryptosporiopsis_ericae	475	0.1458	7	0.1540
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Dermateaceae_Cryptosporiopsis_Cryptosporiopsis_rhizophila	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Dermateaceae_Cryptosporiopsis_Cryptosporiopsis_sp	307	0.0942	8	0.1761
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Dermateaceae_Cryptosporiopsis_Cryptosporiopsis_sp_1_KO_2013	126	0.0387	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Dermateaceae_Mollisia_Mollisia_sp	56	0.0172	5	0.1100
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Dermateaceae_Pezicula_Pezicula_sp_3_ICMP_18931	5	0.0015	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Dermateaceae_unidentified_Dermateaceae_sp	51	0.0157	7	0.1540
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Dermateaceae_unidentified_Dermateaceae_sp_KO_2013	2266	0.6955	18	0.3961
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Dermateaceae_unidentified_uncultured_Dermateaceae	44	0.0135	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Dermateaceae_unidentified_uncultured_Mollisia	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Helotiaceae_Articulospora_Articulospora_sp	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Helotiaceae_Cudoniella_Cudoniella_clavus	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Helotiaceae_Hymenoscyphus_Hymenoscyphus_pseudoalbidus	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Helotiaceae_Hymenoscyphus_Hymenoscyphus_sp	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Helotiaceae_Hymenoscyphus_Hymenoscyphus_sp_UBCtra1439C	29	0.0089	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Helotiaceae_Neobulgaria_Neobulgaria_sp	80	0.0246	3	0.0660
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Helotiaceae_Rhizoscyphus_Rhizoscyphus_ericae	15	0.0046	3	0.0660
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Helotiaceae_Rhizoscyphus_Rhizoscyphus_sp	7	0.0021	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Helotiaceae_unidentified_Helotiaceae_3_RB_2011	55	0.0169	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Helotiaceae_unidentified_Helotiaceae_sp	54	0.0166	4	0.0880
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Helotiaceae_unidentified_Helotiaceae_sp_II_GK_2010	8	0.0025	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Helotiaceae_unidentified_Helotiaceae_sp_IV_GK_2010	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Helotiaceae_unidentified_Helotiaceae_sp_VII_GK_2010	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Helotiaceae_unidentified_Helotiales_sp_3_BB_2010	9111	2.7965	64	1.4085

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Helotiaceae_unidentified_uncultured_Chlorencoelia	147	0.0451	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Helotiaceae_unidentified_uncultured_Helotiaceae	1817	0.5577	15	0.3301
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Helotiaceae_unidentified_uncultured_Meliniomyces	452	0.1387	19	0.4181
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Helotiaceae_Varicosporium_Varicosporium_elodeae	445	0.1366	5	0.1100
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Helotiaceae_Varicosporium_Varicosporium_sp	1146	0.3518	4	0.0880
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Arachnopeziza_Arachnopeziza_sp	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Belonidium_Belonidium_sulphureum	34	0.0104	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Cistella_Cistella_sp_EF_8	17	0.0052	3	0.0660
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Hamatocanthoscypha_Hamatocanthoscypha_laricionis	13	0.0040	4	0.0880
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Lachnum_Lachnum_pygmaeum	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Lachnum_Lachnum_sp	1159	0.3557	20	0.4401
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Lachnum_Lachnum_sp_2_KO_2013	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Lachnum_Lachnum_sp_ECHh	2405	0.7382	3	0.0660
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Lachnum_Lachnum_sp_FR_F3	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Hyaloscyphaceae_unidentified_Hyaloscyphaceae_sp	297	0.0912	6	0.1320
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Hyaloscyphaceae_unidentified_uncultured_Lachnum	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertae_sedis_Cadophora_Cadophora_finlandica	191	0.0586	8	0.1761
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertae_sedis_Cadophora_Cadophora_luteo_olivacea	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertae_sedis_Cadophora_Cadophora_malorum	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertae_sedis_Cadophora_Cadophora_sp	8	0.0025	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertae_sedis_Cadophora_Cadophora_sp_29d	64	0.0196	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertae_sedis_Cadophora_Cadophora_sp_6e51_2	120	0.0368	3	0.0660
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertae_sedis_Cadophora_Cadophora_sp_JZ_30	48	0.0147	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertae_sedis_Cadophora_Cadophora_sp_REF033	9	0.0028	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertae_sedis_Cadophora_Cadophora_sp_REF039	6	0.0018	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertae_sedis_Gloeotinia_Gloeotinia_temulenta	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertae_sedis_Helicodendron_Helicodendron_sp	46	0.0141	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertae_sedis_Helicodendron_Helicodendron_westerdijkae	7	0.0021	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertae_sedis_Infundichalara_Infundichalara_microchona	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertae_sedis_Infundichalara_Infundichalara_sp	142	0.0436	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertae_sedis_Leptodontidium_Leptodontidium_elatus	17	0.0052	3	0.0660

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertae_sedis_Leptodontidium_Leptodontidium_orchidicola	4	0.0012	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertae_sedis_Leptodontidium_Leptodontidium_sp	99	0.0304	3	0.0660
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertae_sedis_Naevala_Naevala_sp	18	0.0055	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertae_sedis_Scytalidium_Scytalidium_lignicola	206	0.0632	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertae_sedis_Tetracladium_Tetracladium_breve	5	0.0015	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertae_sedis_Tetracladium_Tetracladium_furcatum	169	0.0519	6	0.1320
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertae_sedis_Tetracladium_Tetracladium_maxilliforme	108	0.0331	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertae_sedis_Tetracladium_Tetracladium_sp	3249	0.9972	23	0.5062
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertae_sedis_Tetracladium_Tetracladium_sp_1_MV_2011	16	0.0049	4	0.0880
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertae_sedis_Tetracladium_Tetracladium_sp_GMU_LL_02_C2	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertae_sedis_Tetracladium_Tetracladium_sp_GPO_CO_01_C1	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertae_sedis_Tetracladium_Tetracladium_sp_WMM_2012d	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertae_sedis_Xenopolyscytalum_Xenopolyscytalum_sp	28	0.0086	3	0.0660
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertae_sedis_Xenopolyscytalum_Xenopolyscytalum_sp_CCF_4156	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Rutstroemiaceae_Scleromitrua_Scleromitrua_candolleana	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Sclerotiniaceae_Botrytis_Botrytis_cinerea	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_unidentified_ericoid_mycorrhizal_sp_PPO_9	135	0.0414	7	0.1540
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_unidentified_grass_root_mycorrhizal_sp_PPO_2	622	0.1909	11	0.2421
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_unidentified_Helotiales_sp	4349	1.3349	92	2.0246
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_unidentified_Helotiales_sp_1_KO_2013	411	0.1262	8	0.1761
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_unidentified_Helotiales_sp_1_MV_2011	2564	0.7870	15	0.3301
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_unidentified_Helotiales_sp_4_KO_2013	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_unidentified_Helotiales_sp_73_OA_2013	78	0.0239	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_unidentified_Helotiales_sp_90_OA_2013	16	0.0049	4	0.0880
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_unidentified_Helotiales_sp_B54J3	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_unidentified_Helotiales_sp_BH5	19	0.0058	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_unidentified_Helotiales_sp_GMU_LL_02_B4	274	0.0841	6	0.1320
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_unidentified_Helotiales_sp_WMM_2012f	18	0.0055	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_unidentified_Helotiales_sp_X19	5	0.0015	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_unidentified_uncultured_Helotiales	979	0.3005	51	1.1224
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_unidentified_uncultured_Hyaloscyphaceae	5758	1.7674	56	1.2324

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_unidentified_uncultured_Phialocephala	99	0.0304	22	0.4842
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_unidentified_uncultured_Phialocephala_fortinii	290	0.0890	7	0.1540
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Acephala_Acephala_macrosclerotiorum	1101	0.3379	18	0.3961
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Acephala_Acephala_sp	20	0.0061	7	0.1540
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Acephala_Acephala_sp_4_MV_2011	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Acephala_Acephala_sp_7_MV_2011	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Acephala_Acephala_sp_WGS11780	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_Phialocephala_cf_fortinii_CSP08	181	0.0556	9	0.1981
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_Phialocephala_cf_fortinii_GK_2010	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_Phialocephala_europaea	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_Phialocephala_fortinii	21	0.0064	5	0.1100
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_Phialocephala_helvetica	11	0.0034	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_Phialocephala_sp	1260	0.3867	22	0.4842
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_Phialocephala_sp_KO_2013	3349	1.0279	20	0.4401
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_Phialocephala_sp_PDKA10	4	0.0012	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_Phialocephala_sp_Ph4_4F09	65	0.0200	7	0.1540
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_Phialocephala_sp_V3	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_Phialocephala_turiciensis	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Geomyces_Geomyces_auratus	202	0.0620	8	0.1761
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Geomyces_Geomyces_pannorum	28	0.0086	3	0.0660
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Geomyces_Geomyces_pannorum_var_asperulatus	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Geomyces_Geomyces_sp_17WV09	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Leohumicola_Leohumicola_minima	42	0.0129	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Leohumicola_Leohumicola_sp_KO_2013	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Meliniomyces_Meliniomyces_bicolor	794	0.2437	17	0.3741
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Meliniomyces_Meliniomyces_sp	577	0.1771	23	0.5062
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Meliniomyces_Meliniomyces_sp_2_RT_2012	10	0.0031	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Meliniomyces_Meliniomyces_sp_GK_2010	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Meliniomyces_Meliniomyces_variabilis	22	0.0068	5	0.1100
Ascomycota_Leotiomycetes_Leotiales_Leotiaceae_Alatospora_Alatospora_acuminata	5	0.0015	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Leotiales_Leotiaceae_Alatospora_Alatospora_sp	2	0.0006	1	0.0220

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Leotiomycetes_Leotiales_Leotiaceae_Leotia_Leotia_lubrica	40	0.0123	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_Rhytismataceae_Coccomyces_Coccomyces_sp	11	0.0034	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_Rhytismataceae_Colpoma_Colpoma_sp	118	0.0362	3	0.0660
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_Rhytismataceae_Colpoma_Colpoma_sp_PDD_91607	35	0.0107	5	0.1100
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_Rhytismataceae_Lophodermium_Lophodermium_piceae	5	0.0015	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_Rhytismataceae_Lophodermium_Lophodermium_pinastri	18	0.0055	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_Rhytismataceae_Lophodermium_Lophodermium_sp	7	0.0021	3	0.0660
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_Rhytismataceae_unidentified_Rhytismataceae_sp_RB_2011	54	0.0166	2	0.0440
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_unidentified_unidentified_Rhytismatales_sp_5552	9	0.0028	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_Thelebolales_Thelebolaceae_Pezizella_Pezizella_discreta	21	0.0064	1	0.0220
Ascomycota_Leotiomycetes_unidentified_unidentified_unidentified_Leotiomycetes_sp	2287	0.7020	25	0.5502
Ascomycota_Leotiomycetes_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_Leotiomycetes	6668	2.0467	54	1.1884
Ascomycota_Orbiliomycetes_Orbiliales_Orbiliaceae_Dactylella_Dactylella_mammillata	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Orbiliomycetes_Orbiliales_Orbiliaceae_Dactylellina_Dactylellina_drechsleri	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Orbiliomycetes_Orbiliales_Orbiliaceae_Dactylellina_Dactylellina_ellipsospora	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Orbiliomycetes_unidentified_unidentified_unidentified_Orbiliomycetes_sp	4	0.0012	2	0.0440
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Discinaceae_Hydnotrya_Hydnotrya_sp	693	0.2127	11	0.2421
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Discinaceae_Hydnotrya_Hydnotrya_tulasnei	679	0.2084	9	0.1981
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae_Balsamia_Balsamia_sp	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae_Helvella_Helvella_lacunosa	12	0.0037	3	0.0660
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae_Helvella_Helvella_sp	36	0.0110	2	0.0440
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae_Helvella_Helvella_sp_UC_1999221	6	0.0018	2	0.0440
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae_unidentified_uncultured_Helvella	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pezizaceae_Terfezia_Terfezia_sp	19	0.0058	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pezizaceae_unidentified_Pezizaceae_sp	11	0.0034	3	0.0660
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pezizaceae_unidentified_uncultured_Hydnobolites	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pezizaceae_unidentified_uncultured_Peziza	32	0.0098	3	0.0660
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Genea_Genea_hispidula	305	0.0936	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Genea_Genea_sp	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Genea_Genea_sp_P020	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Geopyxis_Geopyxis_sp	19	0.0058	1	0.0220

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Humaria_Humaria_hemisphaerica	16	0.0049	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Humaria_Humaria_sp	171	0.0525	6	0.1320
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Otidea_Otidea_alutacea	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Otidea_Otidea_mirabilis	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Otidea_Otidea_onotica	75	0.0230	2	0.0440
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Otidea_Otidea_sp	89	0.0273	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Scutellinia_Scutellinia_sp	173	0.0531	5	0.1100
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Tarzetia_Tarzetia_catinus	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Tarzetia_Tarzetia_sp_P9	22	0.0068	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Trichophaea_Trichophaea_hybrida	15	0.0046	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_unidentified_Pyronemataceae_sp	22140	6.7956	73	1.6065
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_unidentified_uncultured_Humaria	11	0.0034	2	0.0440
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_unidentified_uncultured_Otidea	28	0.0086	3	0.0660
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_unidentified_uncultured_Pyronemataceae	11	0.0034	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_unidentified_uncultured_Tarzetia	84	0.0258	6	0.1320
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_unidentified_uncultured_Wilcoxina	1860	0.5709	29	0.6382
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Wilcoxina_Wilcoxina_mikolae	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Wilcoxina_Wilcoxina_sp	6	0.0018	2	0.0440
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Sarcosomataceae_Urnula_Urnula_helvelloides	161	0.0494	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_Tuber_aestivum	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_Tuber_anniae	30	0.0092	3	0.0660
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_Tuber_excavatum	28	0.0086	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_Tuber_fulgens	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_Tuber_puberulum	1127	0.3459	13	0.2861
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_Tuber_rapaeodorum	141	0.0433	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_Tuber_rufum	18	0.0055	2	0.0440
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_Tuber_sp	147	0.0451	11	0.2421
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_Tuber_sp_M_11_43_36	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_unidentified_uncultured_Tuber	5	0.0015	2	0.0440
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_unidentified_unidentified_Pezizales_sp	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_unidentified_unidentified_Pezizales_sp_MS8	16	0.0049	1	0.0220

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_unidentified_unidentified_uncultured_Pezizales	20	0.0061	3	0.0660
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_unidentified_unidentified_uncultured_Phialea	69	0.0212	6	0.1320
Ascomycota_Pezizomycetes_unidentified_unidentified_unidentified_Pezizomycetes_sp	6	0.0018	2	0.0440
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Dipodascaceae_Galactomyces_Galactomyces_candidum	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Incertae_sedis_Candida_Candida_palmiroleophila	7	0.0021	1	0.0220
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Saccharomycetaceae_Lachancea_Lachancea_kluyveri	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_unidentified_unidentified_Saccharomycetales_sp	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Saccharomycetes_unidentified_unidentified_unidentified_Saccharomycetes_sp	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Chaetosphaeria_Chaetosphaeria_chloroconia	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Chaetosphaeria_Chaetosphaeria_hebetiseta	255	0.0783	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Chaetosphaeria_Chaetosphaeria_sp	4	0.0012	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Chaetosphaeria_Chaetosphaeria_sp_235_OA_2013	26	0.0080	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Chloridium_Chloridium_sp	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Chloridium_Chloridium_virescens_var_chlamydosporum	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Menispora_Menispora_sp	23	0.0071	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Thozetella_Thozetella_havanensis	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Zignoella_Zignoella_pulviscula	16	0.0049	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Coniochaetales_Coniochaetaceae_Coniochaeta_Coniochaeta_mutabilis	8	0.0025	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Diaporthaceae_Phomopsis_Phomopsis_sp_BESC803g	8	0.0025	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Melanconidaceae_Melanconium_Melanconium_sp_MAFF_237111	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Togniniaceae_Phaeoacremonium_Phaeoacremonium_sp	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Togniniaceae_Togninia_Togninia_vibratilis	24	0.0074	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_unidentified_unidentified_Diaporthales_sp	40	0.0123	5	0.1100
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Valsaceae_Valsa_Valsa_ambiens	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Bionectriaceae_Bionectria_Bionectria_sp	26	0.0080	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Aschersonia_Aschersonia_minutispora	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Metacordyceps_Metacordyceps_sp	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Metarhizium_Metarhizium_anisopliae	11	0.0034	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Pochonia_Pochonia_bulbillosa	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Pochonia_Pochonia_sp	4	0.0012	1	0.0220

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae_Akanthomyces_Akanthomyces_novoguineensis	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae_Beauveria_Beauveria_brongniartii	5	0.0015	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae_Cordyceps_Cordyceps_sp_A12116	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae_Lecanicillium_Lecanicillium_fusisporum	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Hypocrea_Hypocrea_sp	49	0.0150	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Trichoderma_Trichoderma_asperellum	30	0.0092	4	0.0880
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Trichoderma_Trichoderma_paraviridescens	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Trichoderma_Trichoderma_rossicum	5	0.0015	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Trichoderma_Trichoderma_sp_JZ_66	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Trichoderma_Trichoderma_spirale	11	0.0034	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Trichoderma_Trichoderma_viride	13	0.0040	3	0.0660
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_unidentified_Hypocreaceae_sp	25	0.0077	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertae_sedis_Acremonium_Acremonium_sp	9	0.0028	3	0.0660
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertae_sedis_Cephalosporium_Cephalosporium_gramineum	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertae_sedis_Ilyonectria_Ilyonectria_crassa	109	0.0335	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertae_sedis_Ilyonectria_Ilyonectria_pseudodestructans	10	0.0031	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertae_sedis_Ilyonectria_Ilyonectria_radicicola	4	0.0012	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertae_sedis_Ilyonectria_Ilyonectria_robusta	12	0.0037	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertae_sedis_Ilyonectria_Ilyonectria_sp_KO_2013	5	0.0015	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertae_sedis_Sarocladium_Sarocladium_oryzae	7	0.0021	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertae_sedis_Stachybotrys_Stachybotrys_sp	14	0.0043	3	0.0660
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertae_sedis_Trichothecium_Trichothecium_crotocinigenum	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Cosmospora_Cosmospora_viliuscula	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Flagellospora_Flagellospora_curvula	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Flagellospora_Flagellospora_leucorhynchos	12	0.0037	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Geejayessia_Geejayessia_cicatricum	5	0.0015	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Neonectria_Neonectria_hubeiensis	6	0.0018	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Neonectria_Neonectria_sp	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Neonectria_Neonectria_sp_C_1_BESC_294u	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Neonectria_uncultured_Neonectria	19	0.0058	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_unidentified_Nectriaceae_sp	2	0.0006	1	0.0220

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_unidentified_uncultured_Cylindrocarpon	47	0.0144	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_unidentified_uncultured_Ilyonectria	284	0.0872	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_unidentified_uncultured_Nectriaceae	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Volutella_Volutella_sp	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Volutella_Volutella_sp_167_OA_2013	16	0.0049	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Ophiocordycipitaceae_Elaphocordyceps_Elaphocordyceps_inegoensis	11	0.0034	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Ophiocordycipitaceae_Ophiocordyceps_Ophiocordyceps_sp_TW_2014	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Ophiocordycipitaceae_Tolypocladium_Tolypocladium_geodes	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_unidentified_unidentified_Hypocreales_sp	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertae_sedis_Annulatasceae_Conlarium_Conlarium_sp_KO_2013	213	0.0654	4	0.0880
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertae_sedis_Glomerellaceae_Colletotrichum_Colletotrichum_sp_S358	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertae_sedis_Magnaporthaceae_Mycoleptodiscus_Mycoleptodiscus_sp	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertae_sedis_Magnaporthaceae_Mycoleptodiscus_Mycoleptodiscus_terrestris	35	0.0107	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertae_sedis_Plectosphaerellaceae_unidentified_uncultured_Colletotrichum	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertae_sedis_Plectosphaerellaceae_unidentified_uncultured_Plectosphaerella	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertae_sedis_Plectosphaerellaceae_Verticillium_Verticillium_fungicola_var_fungicola	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertae_sedis_Plectosphaerellaceae_Verticillium_Verticillium_leptobactrum	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Lulworthiales_Lulworthiaceae_Zalerion_Zalerion_sp_KO_2013	22	0.0068	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Ceratocystidaceae_Ceratocystis_Ceratocystis_paradoxa	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Halosphaeriaceae_Tirispota_Tirispota_sp	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Microascaceae_Cephalotrichum_Cephalotrichum_nanum	5	0.0015	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Microascaceae_Graphium_Graphium_sp_UCR2159	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Microascaceae_Wardomyces_Wardomyces_inflatus	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Ophiostomatales_Ophiostomataceae_Sporothrix_Sporothrix_inflata	6	0.0018	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Phyllachorales_Phyllachoraceae_unidentified_uncultured_Phyllachoraceae	5	0.0015	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Cephalothecaceae_Cephalotheca_Cephalotheca_sp	17	0.0052	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Chaetomiaceae_Humicola_Humicola_fuscoatra_var_fuscoatra	20	0.0061	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Chaetomiaceae_Trichocladium_Trichocladium_opacum	541	0.1661	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Chaetomiaceae_unidentified_Chaetomiaceae_sp	15	0.0046	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Lasiosphaeriaceae_Podospora_Podospora_sp	7	0.0021	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Lasiosphaeriaceae_unidentified_uncultured_Immersiella	4	0.0012	1	0.0220

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_unidentified_unidentified_Sordariales_sp	5	0.0015	2	0.0440
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_unidentified_unidentified_uncultured_Sordariales	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_unidentified_unidentified_unidentified_Sordariomycetes_sp	78	0.0239	15	0.3301
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Amphisphaeriaceae_Pestalotiopsis_Pestalotiopsis_citrina	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Hyponectriaceae_unidentified_Hyponectriaceae_sp	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_unidentified_unidentified_uncultured_Microdochium	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_unidentified_unidentified_Xylariales_sp	32	0.0098	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Xylariaceae_Obolarina_Obolarina_dryophila	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Xylariaceae_Xylaria_Xylaria_sp_844	62	0.0190	1	0.0220
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_ascomycete_sp_DF31	16	0.0049	2	0.0440
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_ascomycete_sp_KS10210	2	0.0006	1	0.0220
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_ascomycete_sp_olrim79	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_Ascomycota_sp	127	0.0390	12	0.2641
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_Ascomycota_sp_6_RB_2011	4536	1.3923	21	0.4621
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_Ascomycota_sp_AR_2010	4	0.0012	2	0.0440
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_Ascomycota_sp_IBWF11_95A	46	0.0141	1	0.0220
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_Ascomycota_sp_N21	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_Ascomycota_sp_N32	3	0.0009	1	0.0220
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_Ascomycota_sp_SB9356c	31	0.0095	1	0.0220
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_salal_root_associated_fungus_UBCtra1061C	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_salal_root_associated_fungus_UBCtra1340C	4	0.0012	1	0.0220
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_Ascomycota	185	0.0568	16	0.3521
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_ectomycorrhiza_(Ascomycota)	49	0.0150	1	0.0220
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_Lemonniera	6	0.0018	1	0.0220
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_Pezizomycotina	436	0.1338	17	0.3741
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_sordariomyceta	5	0.0015	1	0.0220
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_Tetracladium	5	0.0015	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Agaricus_Agaricus_excellens	17	0.0052	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Agaricus_Agaricus_lanipes	5	0.0015	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Cystoderma_Cystoderma_jasonis_var._jasonis	5	0.0015	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Cystolepiota_Cystolepiota_bucknallii	14	0.0043	2	0.0440

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Lepiota_Lepiota_clypeolaria	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Lycoperdon_Lycoperdon_nigrescens	41	0.0126	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Lycoperdon_Lycoperdon_pyriforme	39	0.0120	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Macrolepiota_Macrolepiota_mastoidea	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Melanophyllum_Melanophyllum_haematospermum	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_Amanita_battarrae	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_Amanita_fulva	24	0.0074	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_Amanita_nivalis	4	0.0012	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_Amanita_pantherina	27	0.0083	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_Amanita_phalloides	6	0.0018	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_Amanita_rubescens	267	0.0820	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_Amanita_sp	114	0.0350	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_Amanita_sp_Kew_29799	8	0.0025	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_Amanita_submembranacea	22	0.0068	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_unidentified_Amanitaceae_sp	377	0.1157	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_unidentified_uncultured_Amanita	11	0.0034	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Bolbitiaceae_Conocybe_Conocybe_juniana_var_sordescens	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Clavariaceae_Clavaria_Clavaria_sp	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Clavariaceae_unidentified_Clavariaceae_sp	14	0.0043	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_Cortinarius_aureocalceolatus	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_Cortinarius_casimiri	5	0.0015	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_Cortinarius_delibutus	5	0.0015	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_Cortinarius_hercynicus	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_Cortinarius_hinnuleoarmillatus	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_Cortinarius_hinnuleus	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_Cortinarius_largus	20	0.0061	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_Cortinarius_obsoletus	6	0.0018	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_Cortinarius_obtusus	16	0.0049	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_Cortinarius_olivaceofuscus	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_Cortinarius_sp	1194	0.3665	17	0.3741
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_Cortinarius_sp_BB_2010	16	0.0049	5	0.1100

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Phaeocollybia_Phaeocollybia_graveolens	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Phaeocollybia_Phaeocollybia_gregaria	6	0.0018	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Protoglossum_Protoglossum_niveum	24	0.0074	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_unidentified_Cortinariaceae_sp_AT4_3OI	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_unidentified_uncultured_Alnicola	4	0.0012	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_unidentified_uncultured_Cortinariaceae	20	0.0061	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_unidentified_uncultured_Cortinarius	374	0.1148	15	0.3301
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_unidentified_uncultured_Galerina	16	0.0049	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_unidentified_uncultured_Hebeloma	4	0.0012	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_unidentified_uncultured_Inocybe	2496	0.7661	39	0.8583
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_unidentified_uncultured_Naucoria	24	0.0074	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Entolomataceae_Entoloma_Entoloma_araneosum	18	0.0055	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Entolomataceae_Entoloma_Entoloma_dysthaloides	109	0.0335	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Entolomataceae_Entoloma_Entoloma_proterum	13	0.0040	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Entolomataceae_Entoloma_Entoloma_strigosissimum	14	0.0043	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Entolomataceae_Entoloma_Entoloma_subaraneosum	40	0.0123	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae_Laccaria_Laccaria_amethystina	324	0.0994	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae_Laccaria_Laccaria_bicolor	4	0.0012	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae_Laccaria_Laccaria_sp	481	0.1476	6	0.1320
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae_Laccaria_Laccaria_sp_GMM7601	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae_Laccaria_Laccaria_sp_HKAS53725	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae_unidentified_Hydangiaceae_sp	65	0.0200	5	0.1100
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrocybe_Hygrocybe_conica	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrophorus_Hygrophorus_discoideus	329	0.1010	6	0.1320
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrophorus_Hygrophorus_discoxanthus	86	0.0264	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrophorus_Hygrophorus_eburneus	87	0.0267	6	0.1320
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrophorus_Hygrophorus_hypothejus	88	0.0270	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrophorus_Hygrophorus_pustulatus	12745	3.9119	31	0.6822
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrophorus_Hygrophorus_sp_HyG1_X_09	134	0.0411	8	0.1761
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrophorus_Hygrophorus_unicolor	688	0.2112	5	0.1100
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_unidentified_uncultured_Hygrophorus	349	0.1071	12	0.2641

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_ajuncta	8	0.0025	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_albomarginata	57	0.0175	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_angulatosquamulosa	8	0.0025	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_bongardii	32	0.0098	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_cf_asterospora_EL14305	356	0.1093	5	0.1100
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_cf_pseudoreducta_EL24B07	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_cincinnata	61	0.0187	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_erinaceomorpha	40	0.0123	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_fibrosoides	5	0.0015	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_geophylla	158	0.0485	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_geophylla_var._geophylla	4	0.0012	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_hirtella	8	0.0025	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_lanuginosa_var_ovatocystis	11	0.0034	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_lilacina	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_maculata	480	0.1473	6	0.1320
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_petiginosa	216	0.0663	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_pseudoreducta	71	0.0218	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_rhodiola	4	0.0012	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_rimosa	22	0.0068	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_sindonia	233	0.0715	6	0.1320
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_sp	864	0.2652	35	0.7702
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_sp_MHOB1_01	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_sp_SB60	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_sp_SB78	7	0.0021	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_sp_TO_2011	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_subnudipes	210	0.0645	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_transitoria	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_Inocybe_umbratica	23	0.0071	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_unidentified_Inocybaceae_sp	383	0.1176	31	0.6822
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Gymnopus_Gymnopus_peronatus	4	0.0012	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Hydropus_Hydropus_sp	160	0.0491	2	0.0440

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Marasmiellus_Marasmiellus_ramealis	28	0.0086	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Marasmius_Marasmius_rotula	5	0.0015	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Marasmius_Marasmius_scorodoni	35	0.0107	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Marasmius_Marasmius_tricolor	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Megacollybia_Megacollybia_platyphylla	7	0.0021	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Hemimycena_Hemimycena_cucullata	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Hemimycena_Hemimycena_pseudolactea	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_Mycena_aff_murina_D11c	12	0.0037	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_Mycena_albidolilacea	399	0.1225	6	0.1320
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_Mycena_algeriensis	7	0.0021	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_Mycena_alnetorum	6	0.0018	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_Mycena_angusta	9	0.0028	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_Mycena_arcangeliana	441	0.1354	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_Mycena_aurantiomarginata	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_Mycena_capillaripes	92	0.0282	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_Mycena_eipterygia	28	0.0086	6	0.1320
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_Mycena_filopes	5	0.0015	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_Mycena_flavoalba	188	0.0577	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_Mycena_leptocephala	6	0.0018	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_Mycena_maurella	25	0.0077	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_Mycena_plumbea	5	0.0015	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_Mycena_pura	6	0.0018	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_Mycena_purpureofusca	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_Mycena_simia	44	0.0135	6	0.1320
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_Mycena_sp	2918	0.8956	29	0.6382
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_Mycena_sp_1_KO_2013	3294	1.0111	14	0.3081
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_Mycena_sp_H05	7	0.0021	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_Mycena_sp_MCVE_997	7	0.0021	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_Mycena_sp_MKACC51882	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_Mycena_zephirus	31	0.0095	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_unidentified_Mycenaceae_sp	8917	2.7370	45	0.9903

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Niaceae_Flagelloscypha_Flagelloscypha_minutissima	23	0.0071	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae_Armillaria_Armillaria_cepistipes	915	0.2808	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae_Armillaria_Armillaria_gallica	9	0.0028	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae_Armillaria_Armillaria_ostoyae	51	0.0157	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae_Hymenopellis_Hymenopellis_radicata	8	0.0025	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae_unidentified_Cibaomyces_glutinis	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Psathyrellaceae_Coprinellus_Coprinellus_micaceus	17	0.0052	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Psathyrellaceae_Coprinopsis_Coprinopsis_jonesii	8	0.0025	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Agrocybe_Agrocybe_erebia	235	0.0721	10	0.2201
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Agrocybe_Agrocybe_praecox	102	0.0313	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Galerina_Galerina_fallax	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Galerina_Galerina_nana	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Galerina_Galerina_pseudocamerina	10	0.0031	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hebeloma_Hebeloma_leucosarx	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hebeloma_Hebeloma_sinapizans	16	0.0049	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hymenogaster_Hymenogaster_citrinus	6	0.0018	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hymenogaster_Hymenogaster_huthii	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hymenogaster_Hymenogaster_sp_1_SGT_2012	5	0.0015	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hymenogaster_Hymenogaster_sp_2_SGT_2012	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hymenogaster_Hymenogaster_vulgaris	12	0.0037	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hypholoma_Hypholoma_fasciculare	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Naucoria_Naucoria_bohemica	268	0.0823	5	0.1100
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Naucoria_Naucoria_striatula	7	0.0021	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Pholiota_Pholiota_squarrosa	18	0.0055	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Clitocybe_Clitocybe_sp	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Delicatula_Delicatula_integrella	47	0.0144	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Lepista_Lepista_sordida	6	0.0018	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Mycenella_Mycenella_bryophila	5	0.0015	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Mycenella_Mycenella_lasiosperma	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Mycenella_Mycenella_sp	105	0.0322	6	0.1320
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Mycenella_Mycenella_trachyspora	24	0.0074	3	0.0660

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Pseudoomphalina_Pseudoomphalina_pachyphylla	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Tricholoma_Tricholoma_lascivum	411	0.1262	8	0.1761
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Tricholoma_Tricholoma_sp	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Tricholoma_Tricholoma_sulphureum	19	0.0058	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Tricholoma_Tricholoma_ustale	51	0.0157	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_unidentified_uncultured_Laccaria	934	0.2867	8	0.1761
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_unidentified_uncultured_Mycena	2602	0.7987	56	1.2324
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_unidentified_uncultured_Pleurotopsis	26	0.0080	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_unidentified_uncultured_Tephrocyebe_sp	5	0.0015	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_unidentified_uncultured_Tricholoma	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_unidentified_uncultured_Tricholomataceae	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_unidentified_unidentified_Agaricales_sp	146	0.0448	9	0.1981
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_unidentified_unidentified_uncultured_Agaricales	6	0.0018	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Amphinema_Amphinema_sp_1_UK_2011	56	0.0172	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Amphinema_Amphinema_sp_5_UK_2011	205	0.0629	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Amphinema_Amphinema_sp_T1PK3	39	0.0120	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Athelopsis_Athelopsis_lembospora	181	0.0556	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Byssocorticium_Byssocorticium_sp	49	0.0150	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Piloderma_Piloderma_lanatum	239	0.0734	14	0.3081
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Piloderma_Piloderma_sp	5	0.0015	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Piloderma_Piloderma_sp_B328	16	0.0049	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Tylospora_Tylospora_asterophora	1792	0.5500	9	0.1981
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Tylospora_Tylospora_sp	24	0.0074	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_unidentified_Atheliaceae_sp	1321	0.4055	33	0.7262
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_unidentified_uncultured_Amphinema	1516	0.4653	41	0.9023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_unidentified_uncultured_Atheliaceae	97	0.0298	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_unidentified_uncultured_Piloderma	6	0.0018	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_unidentified_uncultured_Tylospora	2589	0.7947	23	0.5062
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_unidentified_unidentified_Atheliales_sp	255	0.0783	18	0.3961
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_Incertae_sedis_Auricularia_Auricularia_auricula_judae	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_Incertae_sedis_Auricularia_Auricularia_sp	5	0.0015	1	0.0220

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_Incertae_sedis_Oliveonia_Oliveonia_pauxilla	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_unidentified_unidentified_Auriculariales_sp	176	0.0540	5	0.1100
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_unidentified_unidentified_uncultured_Auriculariales	15	0.0046	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Boletus_Boletus_badius	281	0.0863	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Boletus_Boletus_chrysenteron	15	0.0046	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Tylopilus_Tylopilus_felleus	11	0.0034	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_unidentified_uncultured_Boletus	95	0.0292	8	0.1761
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_unidentified_uncultured_Octaviania	37	0.0114	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_unidentified_uncultured_Xerocomus	1678	0.5150	21	0.4621
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Xerocomellus_Xerocomellus_cisalpinus	63	0.0193	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Xerocomellus_Xerocomellus_pruinatus	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Xerocomellus_Xerocomellus_rubellus	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Xerocomus_Xerocomus_sp	6270	1.9245	17	0.3741
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Paxillaceae_Melanogaster_Melanogaster_intermedius	1014	0.3112	5	0.1100
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Paxillaceae_Melanogaster_Melanogaster_sp	33	0.0101	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Paxillaceae_Paxillus_Paxillus_sp	12	0.0037	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Paxillaceae_unidentified_uncultured_Paxillus	9	0.0028	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Sclerodermataceae_Scleroderma_Scleroderma_citrinum	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Sclerodermataceae_Scleroderma_Scleroderma_sp	30	0.0092	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Sclerodermataceae_Scleroderma_Scleroderma_verrucosum	6	0.0018	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Serpulaceae_Serpula_Serpula_himantioides	9	0.0028	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Suillaceae_Suillus_Suillus_luteus	39	0.0120	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_unidentified_unidentified_Boletales_sp	84	0.0258	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Botryobasidiaceae_Botryobasidium_Botryobasidium_sp	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Cantharellaceae_Craterellus_Craterellus_sp	10	0.0031	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Ceratobasidiaceae_Ceratobasidium_Ceratobasidium_sp	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Ceratobasidiaceae_Ceratobasidium_Ceratobasidium_sp_AG_I	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Ceratobasidiaceae_Ceratobasidium_Ceratobasidium_sp_Rr82	14	0.0043	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Ceratobasidiaceae_unidentified_Ceratobasidiaceae_sp	5	0.0015	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Ceratobasidiaceae_unidentified_uncultured_Ceratobasidiaceae	4	0.0012	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae_Clavulina_Clavulina_sp	760	0.2333	10	0.2201

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae_Clavulina_Clavulina_sp_BZ24089	4	0.0012	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae_Membranomyces_Membranomyces_spurius	14	0.0043	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae_unidentified_Clavulinaceae_sp	554	0.1700	10	0.2201
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae_unidentified_uncultured_Clavulina	79	0.0242	5	0.1100
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Hydnum_Hydnum_elliposporum	408	0.1252	8	0.1761
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Hydnum_Hydnum_elliposporum	20	0.0061	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Hydnum_Hydnum_elliposporum	12	0.0037	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Geastrales_Geastraceae_Geastrum_Geastrum_fimbriatum	17	0.0052	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Repetobasidiaceae_Rickenella_Rickenella_fibula	5	0.0015	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Schizoporaceae_Hyphodontia_Hyphodontia_breviseta	33	0.0101	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Schizoporaceae_Hyphodontia_Hyphodontia_pallidula	71	0.0218	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Schizoporaceae_Hyphodontia_Hyphodontia_sp	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Schizoporaceae_Xylodon_Xylodon_sambuci	39	0.0120	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_unidentified_unidentified_Hymenochaetales_sp	7	0.0021	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_unidentified_unidentified_uncultured_Resinicium	723	0.2219	7	0.1540
Basidiomycota_Agaricomycetes_Incertae_sedis_Incertae_sedis_Cotylidia_Cotylidia_undulata	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Phallales_Phallaceae_Phallus_Phallus_impudicus	13	0.0040	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Ganodermataceae_Ganoderma_Ganoderma_applanatum	13	0.0040	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meripilaceae_Hydno-polyporus_Hydno-polyporus_fimbriatus	20	0.0061	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meripilaceae_Physisporinus_Physisporinus_sanguinolentus	51	0.0157	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meruliaceae_Hypochnicium_Hypochnicium_geogenium	5	0.0015	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meruliaceae_Phlebia_Phlebia_sp_DLL2011_1	18	0.0055	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meruliaceae_Phlebia_Phlebia_uda	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meruliaceae_Scopuloides_Scopuloides_hydnoideus	127	0.0390	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Polyporaceae_Daedaleopsis_Daedaleopsis_rubescens	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Polyporaceae_Diplomitoporus_Diplomitoporus_rimosus	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Polyporaceae_Skeletocutis_Skeletocutis_nivea	9	0.0028	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_unidentified_unidentified_Polyporales_sp	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Xenasmataceae_Xenasmatella_Xenasmatella_sp	107	0.0328	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Bondarzewiaceae_Heterobasidion_Heterobasidion_sp_Cui78	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Arcangeliella_Arcangeliella_sp	63	0.0193	2	0.0440

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_Lactarius_badiosanguineus	12	0.0037	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_Lactarius_blennius	445	0.1366	11	0.2421
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_Lactarius_deterrimus	68	0.0209	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_Lactarius_flexuosus_var._roseozonatus	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_Lactarius_fluens	10	0.0031	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_Lactarius_fulvissimus	190	0.0583	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_Lactarius_lanceolatus	4	0.0012	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_Lactarius_obscuratus	4	0.0012	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_Lactarius_olivinus	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_Lactarius_pallidus	5	0.0015	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_Lactarius_pterosporus	22	0.0068	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_Lactarius_quietus	11430	3.5083	60	1.3204
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_Lactarius_romagnesii	98	0.0301	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_Lactarius_ruginosus	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_Lactarius_scrobiculatus	2262	0.6943	12	0.2641
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_Lactarius_semisanguifluus	5	0.0015	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_Lactarius_sp	6	0.0018	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_Lactarius_sp_H12	504	0.1547	6	0.1320
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_Lactarius_subdulcis	16	0.0049	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactifluus_Lactifluus_bertillonii	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactifluus_Lactifluus_vellereus	441	0.1354	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_acrifolia	83	0.0255	7	0.1540
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_amethystina	27	0.0083	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_amoenolens	168	0.0516	6	0.1320
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_badia	58	0.0178	5	0.1100
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_brunneoviolacea	7	0.0021	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_cf_aeruginea_E00186067	2769	0.8499	16	0.3521
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_chloroides	22	0.0068	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_delica	32	0.0098	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_emetica	30	0.0092	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_faustiana	12	0.0037	1	0.0220

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_fellea	347	0.1065	9	0.1981
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_firmula	10175	3.1231	59	1.2984
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_foetens	17	0.0052	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_fragilis	136	0.0417	5	0.1100
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_grata	29	0.0089	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_heterophylla	4	0.0012	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_integra	2574	0.7901	27	0.5942
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_nigricans	91	0.0279	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_nobilis	24	0.0074	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_occidentalis	6	0.0018	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_ochroleuca	13332	4.0921	82	1.8046
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_olivacea	35	0.0107	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_paludosa	10	0.0031	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_pelargonica	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_puellaris	6	0.0018	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_queletii	124	0.0381	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_rosea	7	0.0021	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_sanguinea	39	0.0120	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_sapinea	175	0.0537	6	0.1320
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_sardonia	31	0.0095	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_sp	90	0.0276	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_sp_10_ZWG_2011	31	0.0095	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_sp_2371	58	0.0178	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_sp_BB_2010	35	0.0107	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_sp_CT3_3OI	8	0.0025	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_vesca	4	0.0012	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_veternosa	137	0.0421	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_viscida	46	0.0141	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_Russula_xerampelina	57	0.0175	5	0.1100
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_unidentified_Russulaceae_sp	1857	0.5700	41	0.9023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_unidentified_uncultured_Lactarius	54150	16.6208	148	3.2570

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_unidentified_uncultured_Russula	4494	1.3794	131	2.8829
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_unidentified_uncultured_Russulaceae	27	0.0083	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Stephanosporaceae_unidentified_Stephanosporaceae_sp_KO_2013	5	0.0015	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Sebacina_Sebacina_cystidiata	659	0.2023	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Sebacina_Sebacina_dimitica	12	0.0037	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Sebacina_Sebacina_epigaea	430	0.1320	15	0.3301
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Sebacina_Sebacina_helvelloides	9	0.0028	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Sebacina_Sebacina_incrustans	976	0.2996	8	0.1761
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Sebacina_Sebacina_sp	3803	1.1673	48	1.0563
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Sebacina_Sebacina_sp_151	89	0.0273	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_unidentified_Helvellosebacina_helvelloides	6	0.0018	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_unidentified_Sebacinaceae_sp	763	0.2342	27	0.5942
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_unidentified_uncultured_endomycorrhiza_of_Neottia_nidus_avis	13	0.0040	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_unidentified_uncultured_Sebacina	101	0.0310	14	0.3081
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_unidentified_uncultured_Sebacinaceae	83	0.0255	3	0.0660
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Amaurodon_Amaurodon_sp	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Pseudotomentella_Pseudotomentella_sp	172	0.0528	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Thelephora_Thelephora_castanea	1946	0.5973	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Thelephora_Thelephora_palmata	11	0.0034	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Thelephora_Thelephora_terrestris	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella_Tomentella_atroarenicolor	48	0.0147	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella_Tomentella_bryophila	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella_Tomentella_cinereoumbrina	5	0.0015	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella_Tomentella_ellisii	12	0.0037	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella_Tomentella_lilacinogrisea	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella_Tomentella_sp	276	0.0847	14	0.3081
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella_Tomentella_sp_2_BB_2010	521	0.1599	8	0.1761
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella_Tomentella_sp_O53	16	0.0049	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella_Tomentella_sublilacina	112	0.0344	4	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_unidentified_Thelephoraceae_sp	1218	0.3739	63	1.3864

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Theleporaceae_unidentified_Theleporaceae_sp_B110	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Theleporaceae_unidentified_Theleporaceae_sp_B275	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Theleporaceae_unidentified_Theleporaceae_sp_B326	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Theleporaceae_unidentified_Theleporaceae_sp_P104	181	0.0556	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Theleporaceae_unidentified_Theleporaceae_sp_P320	14	0.0043	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Theleporaceae_unidentified_uncultured_Pseudotomentella	154	0.0473	2	0.0440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Theleporaceae_unidentified_uncultured_Thelephora	182	0.0559	9	0.1981
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Theleporaceae_unidentified_uncultured_Theleporaceae	6185	1.8984	45	0.9903
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Theleporaceae_unidentified_uncultured_Tomentella	2515	0.7720	76	1.6725
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_unidentified_unidentified_Thelephorales_sp_MS20	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_unidentified_unidentified_uncultured_ectomycorrhiza_(Thelephorales)	7	0.0021	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_Hydnodontaceae_Trechispora_Trechispora_araneosa	17	0.0052	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_Hydnodontaceae_Trechispora_Trechispora_hymenocystis	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_Hydnodontaceae_Trechispora_Trechispora_sp	3641	1.1176	15	0.3301
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_unidentified_unidentified_Trechisporales_sp	331	0.1016	15	0.3301
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_unidentified_unidentified_uncultured_Trechisporales	187	0.0574	16	0.3521
Basidiomycota_Agaricomycetes_unidentified_unidentified_unidentified_Agaricomycetes_sp	143	0.0439	10	0.2201
Basidiomycota_Agaricomycetes_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_Agaricomycetes	1531	0.4699	22	0.4842
Basidiomycota_Agaricomycetes_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_Agaricomycetidae	29	0.0089	1	0.0220
Basidiomycota_Agaricostilbomycetes_Agaricostilbales_unidentified_unidentified_Agaricostilbales_sp	6	0.0018	1	0.0220
Basidiomycota_Exobasidiomycetes_Microstromatales_Microstromataceae_Sympodiomyopsis_Sympodiomyopsis_sp_8A1	10	0.0031	1	0.0220
Basidiomycota_Incertae_sedis_Malasseziales_Incertae_sedis_Malassezia_Malassezia_restricta	36	0.0110	1	0.0220
Basidiomycota_Incertae_sedis_Malasseziales_unidentified_unidentified_Malasseziales_sp	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Leucosporidiales_Leucosporidiaceae_Leucosporidiella_Leucosporidiella_creatinivora	11	0.0034	1	0.0220
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_Incertae_sedis_Rhodotorula_Rhodotorula_cresolica	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_Incertae_sedis_Rhodotorula_Rhodotorula_psychrophila	5	0.0015	1	0.0220
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_Incertae_sedis_Rhodotorula_Rhodotorula_sp	5	0.0015	1	0.0220
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_Incertae_sedis_Sporobolomyces_Sporobolomyces_inositophilus	4	0.0012	1	0.0220
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_unidentified_unidentified_Sporidiobolales_sp	25	0.0077	6	0.1320
Basidiomycota_Microbotryomycetes_unidentified_unidentified_unidentified_Microbotryomycetes_sp	18	0.0055	3	0.0660
Basidiomycota_Pucciniomycetes_Pucciniales_unidentified_unidentified_uncultured_Pucciniales	37	0.0114	1	0.0220

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Basidiomycota_Pucciniomycetes_unidentified_unidentified_unidentified_Pucciniomycetes_sp_PIMO_247	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Tremellomycetes_Cystofilobasidiales_Cystofilobasidiaceae_unidentified_Cystofilobasidiaceae_sp	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Tremellomycetes_Cystofilobasidiales_Incertae_sedis_Mrakiella_Mrakiella_aquatica	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Tremellomycetes_Filobasidiales_Filobasidiaceae_Cryptococcus_Cryptococcus_fuscescens	4	0.0012	1	0.0220
Basidiomycota_Tremellomycetes_Filobasidiales_Filobasidiaceae_Cryptococcus_Cryptococcus_terricola	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_Tremellomycetes_Filobasidiales_Filobasidiaceae_Cryptococcus_Cryptococcus_wieringae	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales_Incertae_sedis_Cryptococcus_Cryptococcus_sp	18	0.0055	3	0.0660
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales_Incertae_sedis_Dioszegia_Dioszegia_hungarica	7	0.0021	2	0.0440
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales_Incertae_sedis_Dioszegia_Dioszegia_sp_DBVPG_10049	2	0.0006	1	0.0220
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales_unidentified_unidentified_uncultured_Tremellales	7	0.0021	1	0.0220
Basidiomycota_Tremellomycetes_Trichosporonales_Trichosporonaceae_Trichosporon_Trichosporon_sp	95	0.0292	2	0.0440
Basidiomycota_Tremellomycetes_unidentified_unidentified_unidentified_Tremellomycetes_sp	3	0.0009	1	0.0220
Basidiomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_Basidiomycota_sp	15	0.0046	2	0.0440
Basidiomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_Agaricomycotina	421	0.1292	7	0.1540
Basidiomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_Basidiomycota	10	0.0031	2	0.0440
Basidiomycota_Walleliomycetes_Geminibasidiales_Geminibasidiaceae_Geminibasidium_Geminibasidium_sp	22	0.0068	1	0.0220
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales_Archaeosporaceae_Archaeospora_Archaeospora_trappei	16	0.0049	1	0.0220
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales_Archaeosporaceae_unidentified_uncultured_Archaeospora	2	0.0006	1	0.0220
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales_unidentified_unidentified_uncultured_Archaeosporales	4	0.0012	1	0.0220
Glomeromycota_Glomeromycetes_Diversisporales_Acaulosporaceae_unidentified_uncultured_Acaulosporaceae	2	0.0006	1	0.0220
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales_Claroideoglomeraceae_Claroideoglomus_Claroideoglomus_claroideum	15	0.0046	2	0.0440
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales_Claroideoglomeraceae_unidentified_uncultured_Claroideoglomus	5	0.0015	1	0.0220
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales_Glomeraceae_unidentified_uncultured_Rhizophagus	8	0.0025	3	0.0660
Glomeromycota_Glomeromycetes_Paraglomerales_unidentified_unidentified_uncultured_Paraglomus	2	0.0006	1	0.0220
Glomeromycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_Glomeromycota	4	0.0012	2	0.0440
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_Epacris_microphylla_root_associated_fungus_12	2	0.0006	1	0.0220
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_Epacris_microphylla_root_associated_fungus_19	14	0.0043	2	0.0440
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_endophyte_sp_AP466	2	0.0006	1	0.0220
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_31_AM_2013	33	0.0101	1	0.0220
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_75_AM_2013	11	0.0034	2	0.0440
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_APA_2013	19	0.0058	1	0.0220

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_E13415E	14	0.0043	1	0.0220
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_EXP0528F	2	0.0006	1	0.0220
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_FR_F9	136	0.0417	3	0.0660
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_GQGC1	3	0.0009	1	0.0220
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_MT0838	2	0.0006	1	0.0220
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_NLR_2013	9	0.0028	2	0.0440
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_R1	7	0.0021	2	0.0440
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_SLZ14	2	0.0006	1	0.0220
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_Fungi_sp	49	0.0150	7	0.1540
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_ectomycorrhizal_fungus	26	0.0080	6	0.1320
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_endophytic_fungus	9	0.0028	2	0.0440
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_fungus	16082	4.9362	457	10.0572
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_mycorrhizal_fungus	3	0.0009	1	0.0220
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_root_fungus	152	0.0467	6	0.1320
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_soil_fungus	248	0.0761	13	0.2861
Zygomycota_Incertae_sedis_Endogonales_Endogonaceae_Endogone_Endogone_lactiflua	2	0.0006	1	0.0220
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Dissophora_Dissophora_sp	19	0.0058	1	0.0220
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_Mortierella_alpina	11	0.0034	2	0.0440
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_Mortierella_amoeboida	8	0.0025	1	0.0220
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_Mortierella_cystojenkini	4	0.0012	1	0.0220
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_Mortierella_exigua	4	0.0012	1	0.0220
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_Mortierella_macrocytis	266	0.0816	4	0.0880
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_Mortierella_minutissima	46	0.0141	1	0.0220
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_Mortierella_parvispora	31	0.0095	2	0.0440
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_Mortierella_simplex	9	0.0028	2	0.0440
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_Mortierella_sossauensis	2	0.0006	1	0.0220
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_Mortierella_sp	217	0.0666	23	0.5062
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_Mortierella_sp_09CT01	123	0.0378	1	0.0220
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_Mortierella_sp_12NJ01	29	0.0089	1	0.0220
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_Mortierella_sp_6807_R1	78	0.0239	2	0.0440
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_Mortierella_sp_FSU_10533	63	0.0193	3	0.0660

Species	Sum of all Seq	% of all Seq	Number of OTUs	% of all OTUs
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_Mortierella_sp_FSU_10700	2	0.0006	1	0.0220
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_Mortierella_verticillata	2	0.0006	1	0.0220
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_Mortierella_zonata	38	0.0117	8	0.1761
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_Mortierellaceae_unidentified_Mortierellaceae_sp	32	0.0098	1	0.0220
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_Mortierellaceae_unidentified_uncultured_Mortierella	353	0.1083	4	0.0880
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_Mortierellaceae_unidentified_uncultured_Mortierellaceae	29	0.0089	1	0.0220
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_unidentified_unidentified_Mortierellales_sp	38	0.0117	7	0.1540
Zygomycota_Incertae_sedis_Mortierellales_unidentified_unidentified_Mortierellales_sp_03VT04	11	0.0034	2	0.0440
Zygomycota_Incertae_sedis_Mucorales_Cunninghamellaceae_Absidia_Absidia_cylindrospora	4	0.0012	1	0.0220
Zygomycota_Incertae_sedis_Mucorales_Cunninghamellaceae_Absidia_Absidia_cylindrospora_var._cylindrospora	6	0.0018	2	0.0440
Zygomycota_Incertae_sedis_Mucorales_Cunninghamellaceae_Absidia_Absidia_glauca	2	0.0006	1	0.0220
Zygomycota_Incertae_sedis_Mucorales_Mucoraceae_Mucor_Mucor_genevensis	4	0.0012	1	0.0220
Zygomycota_Incertae_sedis_Mucorales_Mucoraceae_Mucor_Mucor_sp_XSCG02	4	0.0012	1	0.0220
Zygomycota_Incertae_sedis_Mucorales_Mucoraceae_unidentified_uncultured_Mucor	2	0.0006	1	0.0220
Zygomycota_Incertae_sedis_Mucorales_Umbelopsidaceae_Umbelopsis_Umbelopsis_angularis	3	0.0009	1	0.0220
Zygomycota_Incertae_sedis_Mucorales_Umbelopsidaceae_Umbelopsis_Umbelopsis_ramanniana	3	0.0009	1	0.0220
Zygomycota_Incertae_sedis_Mucorales_Umbelopsidaceae_Umbelopsis_Umbelopsis_sp	27	0.0083	4	0.0880
Zygomycota_Incertae_sedis_Mucorales_Umbelopsidaceae_Umbelopsis_Umbelopsis_sp_II_GK_2010	5	0.0015	1	0.0220
Zygomycota_Incertae_sedis_Mucorales_Umbelopsidaceae_Umbelopsis_Umbelopsis_sp_XYL_2013	182	0.0559	3	0.0660
Zygomycota_Incertae_sedis_Mucorales_Umbelopsidaceae_Umbelopsis_Umbelopsis_vinacea	7	0.0021	2	0.0440

Supplementary S4.2.: Mean number of sequences and OTUs per plot (based on standardized abundance matrix with 494 sequences per plot) according to different taxonomic levels: a) Phylum, b) Class, c) Order, d) Family, e) Genus, f) Species.

S 4.2.1.: splitted by Exploratory

a) Phylum

Mean number of sequences from each Taxon per Plot

Mean number of OTUs from each Taxon per Plot

	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Basidiomycota	365.7	314.7	334.9	68.5	89.4	62.1	69.1	47.9
Ascomycota	86.6	145.7	141.0	25.2	52.1	62.9	63.7	38.8
unidentified	36.8	28.0	15.9	5.4	17.9	15.9	14.7	10.5
Zygomycota	4.8	4.9	2.2	0.8	4.3	4.6	3.5	2.7
Glomeromycota	0.0	0.6	0.0	0.0	0.1	0.2	0.1	0.1

b) Class

	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Basidiomycota_Agaricomycetes	363.8032	313.5676	332.4000	68.1357	87.5484	61.0000	67.9783	47.0343
Ascomycota_Leotiomycetes	49.1968	75.6353	93.4761	14.7306	25.1935	33.7941	37.6304	20.9876
unidentified_unidentified	36.7935	28.0382	15.8913	5.4469	17.8710	15.9118	14.6739	10.5258
Ascomycota_Pezizomycetes	14.8710	51.5559	21.2935	5.9191	7.0000	8.8529	6.1957	4.7894
Ascomycota_Dothideomycetes	12.9032	8.3824	9.4348	2.0729	10.0645	8.5588	8.5870	5.9107
Ascomycota_Sordariomycetes	5.6387	5.8176	2.8913	0.9681	5.4516	6.7353	3.7391	3.4595
Zygomycota_Incertaesedis	4.8452	4.9382	2.2326	0.8108	4.2581	4.5882	3.4783	2.6772
Ascomycota_unidentified	1.9355	1.4029	10.0348	0.9024	1.8065	2.2353	3.2609	1.5863
Ascomycota_Eurotiomycetes	1.2581	0.7441	3.1522	0.3478	1.5484	1.2941	3.1522	1.3022
Ascomycota_Incertaesedis	0.4484	1.9765	0.1739	0.1754	0.9032	1.1471	0.1522	0.4784
Basidiomycota_Tremellomycetes	0.5871	0.9000	0.0413	0.1031	0.7097	0.7647	0.1957	0.3628
Basidiomycota_unidentified	0.3129	0.0265	2.0043	0.1581	0.2903	0.0294	0.5217	0.1828
Ascomycota_Lecanoromycetes	0.0226	0.2118	0.4413	0.0456	0.0323	0.2941	0.7174	0.2267
Basidiomycota_Microbotryomycetes	0.4968	0.1559	0.1022	0.0509	0.4839	0.1765	0.1739	0.1812
Glomeromycota_Glomeromycetes	0.0387	0.5618	0.0304	0.0426	0.0645	0.2059	0.0435	0.0682
Basidiomycota_Incertaesedis	0.1774	0.0765	0.2500	0.0340	0.1290	0.0882	0.0652	0.0614
Ascomycota_Saccharomycetes	0.3161	0.0059	0.0217	0.0232	0.0968	0.0294	0.0652	0.0416
Basidiomycota_Pucciniomycetes	0.1484	-	-	0.0100	0.1613	-	-	0.0350
Basidiomycota_Walleliomycetes	0.2065	-	0.0500	0.0173	0.0323	-	0.0870	0.0259
Ascomycota_Orbiliomycetes	-	-	0.0391	0.0026	-	-	0.1087	0.0236
Ascomycota_Archaeorhizomycetes	-	-	0.0239	0.0016	-	-	0.0870	0.0189
Glomeromycota_unidentified	-	0.0029	0.0022	0.0003	-	0.0294	0.0217	0.0111
Basidiomycota_Exobasidiomycetes	-	-	0.0087	0.0006	-	-	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricostilbomycetes	-	-	0.0043	0.0003	-	-	0.0217	0.0047

c) Order

Order	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales	158.658	204.644	186.172	37.077	26.677	24.147	30.978	17.769
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales	107.413	59.238	72.011	16.104	28.903	17.824	17.478	13.947
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales	43.803	62.188	76.078	12.285	21.258	25.265	28.609	16.320
unidentified_unidentified_unidentified	36.794	28.038	15.891	5.447	17.871	15.912	14.674	10.526
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales	14.871	51.556	21.276	5.918	7.000	8.853	6.130	4.775
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales	22.165	21.150	19.537	4.241	9.935	6.824	5.065	4.741
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales	35.597	13.094	1.457	3.384	7.032	3.735	0.696	2.490
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales	24.168	8.068	6.180	2.592	8.710	3.882	1.978	3.165
Ascomycota_Leotiomycetes_unidentified	1.300	8.076	15.435	1.674	0.774	4.618	6.435	2.569
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales	2.097	2.162	30.187	2.324	0.677	1.059	5.630	1.600
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales	4.681	3.729	1.737	0.685	4.129	4.206	2.543	2.363
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertaesedis	3.619	4.921	1.328	0.666	2.935	3.618	2.022	1.863
Ascomycota_unidentified_unidentified	1.935	1.403	10.035	0.902	1.806	2.235	3.261	1.586
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis	2.648	1.238	3.665	0.510	2.484	2.235	3.609	1.809
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales	4.513	1.485	3.935	0.670	2.806	1.412	3.348	1.644
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales	2.023	3.559	0.315	0.398	2.903	3.529	1.283	1.676
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales	2.277	0.279	8.965	0.777	1.258	0.647	2.935	1.051
Ascomycota_Dothideomycetes_unidentified	3.335	2.153	0.741	0.420	2.806	2.147	0.826	1.255
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales	4.065	4.038	0.704	0.594	1.645	1.529	0.609	0.822
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales	1.661	3.203	1.061	0.400	1.355	2.294	0.739	0.953
Basidiomycota_Agaricomycetes_unidentified	0.590	0.232	4.778	0.378	0.968	0.441	1.717	0.679
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales	0.290	0.212	2.698	0.216	0.613	0.471	2.739	0.830
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales	0.948	0.656	1.500	0.209	0.871	1.176	0.500	0.553
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis	0.448	1.976	0.174	0.175	0.903	1.147	0.152	0.478
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales	3.313	0.335	0.239	0.262	0.871	0.529	0.239	0.356
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales	3.184	0.150	1.415	0.320	0.645	0.206	0.457	0.284
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales	0.890	0.512	0.083	0.100	0.839	0.794	0.196	0.397
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales	0.155	1.206	0.496	0.125	0.097	0.353	0.935	0.301
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales	1.497	0.756	0.230	0.168	0.355	0.441	0.391	0.258

Order	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Basidiomycota_unidentified_unidentified	0.313	0.026	2.004	0.158	0.290	0.029	0.522	0.183
Ascomycota_Sordariomycetes_unidentified	0.142	0.400	0.013	0.037	0.226	0.794	0.065	0.236
Basidiomycota_Tremellomycetes_Trichosporonales	0.387	0.741	0.009	0.077	0.419	0.441	0.043	0.196
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales	0.297	0.094	0.139	0.036	0.387	0.206	0.435	0.223
Ascomycota_Lecanoromycetes_unidentified	0.000	0.200	0.422	0.042	0.000	0.265	0.587	0.185
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis	0.029	0.085	0.489	0.041	0.129	0.088	0.565	0.170
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales	0.494	0.147	0.100	0.050	0.194	0.176	0.304	0.146
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales	0.026	0.015	0.635	0.046	0.032	0.029	0.565	0.136
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales	0.123	0.176	0.728	0.069	0.129	0.176	0.174	0.104
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales	0.123	0.144	0.043	0.021	0.323	0.147	0.109	0.126
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales	0.190	0.238	0.007	0.029	0.161	0.235	0.043	0.096
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales	0.058	0.132	0.013	0.014	0.129	0.265	0.065	0.100
Ascomycota_Leotiomycetes_Leotiales	0.106	0.256	0.000	0.024	0.161	0.235	0.000	0.086
Ascomycota_Dothideomycetes_Venturiales	0.474	0.012	0.000	0.033	0.290	0.059	0.000	0.076
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales	0.116	0.076	0.000	0.013	0.258	0.147	0.000	0.088
Ascomycota_Eurotiomycetes_unidentified	0.023	0.021	0.372	0.028	0.065	0.029	0.217	0.068
Basidiomycota_Incertaesedis_Malasseziales	0.177	0.076	0.250	0.034	0.129	0.088	0.065	0.061
Ascomycota_Dothideomycetes_Dothideales	0.071	0.038	0.026	0.009	0.129	0.118	0.022	0.058
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales	0.039	0.294	0.000	0.022	0.065	0.118	0.000	0.040
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales	0.316	0.000	0.022	0.023	0.097	0.000	0.065	0.035
Basidiomycota_Microbotryomycetes_unidentified	0.226	0.000	0.017	0.016	0.097	0.000	0.043	0.030
Basidiomycota_Pucciniomycetes_Pucciniales	0.148	0.000	0.000	0.010	0.161	0.000	0.000	0.035
Basidiomycota_Walleliomycetes_Geminibasidiales	0.206	0.000	0.050	0.017	0.032	0.000	0.087	0.026
Basidiomycota_Tremellomycetes_Filobasidiales	0.061	0.018	0.011	0.006	0.065	0.029	0.065	0.035
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales	0.000	0.235	0.030	0.018	0.000	0.059	0.043	0.022
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Leucosporidiales	0.148	0.012	0.041	0.014	0.065	0.029	0.022	0.025
Ascomycota_Sordariomycetes_Lulworthiales	0.000	0.009	0.072	0.005	0.000	0.088	0.043	0.029
Basidiomycota_Tremellomycetes_Cystofilobasidiales	0.081	0.009	0.000	0.006	0.097	0.029	0.000	0.027
Ascomycota_Sordariomycetes_Phyllachorales	0.042	0.032	0.000	0.005	0.065	0.059	0.000	0.027
Ascomycota_Sordariomycetes_Ophiostomatales	0.000	0.000	0.028	0.002	0.000	0.000	0.130	0.028
Ascomycota_Leotiomycetes_Thelebolales	0.342	0.000	0.000	0.023	0.032	0.000	0.000	0.007

Order	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Sordariomycetes_Coniochaetales	0.052	0.003	0.004	0.004	0.065	0.029	0.022	0.025
Ascomycota_Lecanoromycetes_Ostropales	0.000	0.000	0.015	0.001	0.000	0.000	0.109	0.024
Basidiomycota_Agaricomycetes_Geastrales	0.145	0.000	0.000	0.010	0.065	0.000	0.000	0.014
Ascomycota_Dothideomycetes_Botryosphaeriales	0.010	0.015	0.000	0.002	0.032	0.059	0.000	0.020
Ascomycota_Orbiliomycetes_Orbiliales	0.000	0.000	0.030	0.002	0.000	0.000	0.087	0.019
Ascomycota_Lecanoromycetes_Teloschistales	0.023	0.012	0.004	0.003	0.032	0.029	0.022	0.018
Ascomycota_Archaeorhizomycetes_Archaeorhizomycetales	0.000	0.000	0.024	0.002	0.000	0.000	0.087	0.019
Ascomycota_Leotiomycetes_Geoglossales	0.000	0.179	0.000	0.012	0.000	0.029	0.000	0.006
Ascomycota_Pezizomycetes_unidentified	0.000	0.000	0.017	0.001	0.000	0.000	0.065	0.014
Zygomycota_Incertaedis_Endogonales	0.010	0.003	0.000	0.001	0.032	0.029	0.000	0.013
Glomeromycota_unidentified_unidentified	0.000	0.003	0.002	0.000	0.000	0.029	0.022	0.011
Ascomycota_Eurotiomycetes_Onygenales	0.055	0.000	0.000	0.004	0.032	0.000	0.000	0.007
Glomeromycota_Glomeromycetes_Diversisporales	0.000	0.032	0.000	0.002	0.000	0.029	0.000	0.006
Basidiomycota_Agaricomycetes_Incertaedis	0.010	0.000	0.000	0.001	0.032	0.000	0.000	0.007
Ascomycota_Saccharomycetes_unidentified	0.000	0.006	0.000	0.000	0.000	0.029	0.000	0.006
Basidiomycota_Agaricomycetes_Phallales	0.000	0.000	0.026	0.002	0.000	0.000	0.022	0.005
Ascomycota_Orbiliomycetes_unidentified	0.000	0.000	0.009	0.001	0.000	0.000	0.022	0.005
Basidiomycota_Exobasidiomycetes_Microstromatales	0.000	0.000	0.009	0.001	0.000	0.000	0.022	0.005
Basidiomycota_Tremellomycetes_unidentified	0.000	0.000	0.009	0.001	0.000	0.000	0.022	0.005
Basidiomycota_Agaricostilbomycetes_Agaricostilbales	0.000	0.000	0.004	0.000	0.000	0.000	0.022	0.005

d) Family

Family	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae	158.6516	204.6206	186.1413	37.0724	26.6452	24.1176	30.9130	17.7418
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified	36.7935	28.0382	15.8913	5.4469	17.8710	15.9118	14.6739	10.5258
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae	28.4935	13.8618	54.2652	6.5196	5.1935	4.4118	8.9130	4.0226
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified	17.2613	18.6794	18.0304	3.6418	8.4194	9.7353	10.6957	6.2669
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae	22.1097	21.1500	19.5370	4.2373	9.8387	6.8235	5.0652	4.7197
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae	10.8355	47.6118	13.9935	4.8880	4.5484	7.0294	3.6522	3.3083
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae	7.5484	12.0147	33.1978	3.5601	2.9677	4.2059	8.8696	3.4849
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae	35.5968	13.0941	1.4565	3.3838	7.0323	3.7353	0.6957	2.4901
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae	22.8323	7.8029	6.1717	2.4836	7.4516	3.4706	1.9565	2.7975
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae	15.4677	6.4176	6.6587	1.9261	5.5806	3.3824	3.3696	2.6789
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis	6.7419	21.1382	1.0609	1.9528	3.1935	6.7647	1.5217	2.4937
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae	24.0355	12.2735	1.4239	2.5461	5.6129	1.8529	0.5217	1.7351
Ascomycota_Leotiomycetes_unidentified_unidentified	1.3000	8.0765	15.4348	1.6742	0.7742	4.6176	6.4348	2.5690
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae	1.9710	2.0176	26.7326	2.0730	0.6452	1.0000	4.9783	1.4388
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae	14.7710	7.6588	0.7478	1.5639	4.7097	2.5000	0.8043	1.7408
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae	13.1419	8.4941	2.0543	1.5985	3.9355	2.3529	1.0217	1.5879
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae	9.2774	1.2735	8.2761	1.2704	3.7419	1.0000	3.3261	1.7526
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae	4.5000	3.6676	1.5935	0.6586	3.9355	4.0588	2.3478	2.2465
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis	3.6194	4.9206	1.3283	0.6659	2.9355	3.6176	2.0217	1.8626
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified	1.9355	1.4029	10.0348	0.9024	1.8065	2.2353	3.2609	1.5863
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales_Gloniaceae	4.5129	1.4853	3.9348	0.6702	2.8065	1.4118	3.3478	1.6435
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae	1.8581	3.8559	5.4935	0.7562	2.3548	2.7059	2.1087	1.5574
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae	1.0935	5.2265	10.0174	1.1024	0.5484	0.8529	2.0652	0.7530
Ascomycota_Dothideomycetes_unidentified_unidentified	3.3355	2.1529	0.7413	0.4204	2.8065	2.1471	0.8261	1.2555
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae	0.7548	0.4824	3.3239	0.3078	1.0000	0.9118	3.1957	1.1094
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae	2.7194	3.9147	0.6109	0.4889	1.3226	1.2353	0.5000	0.6642
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae	1.9935	3.8853	0.8152	0.4517	0.9032	1.5882	0.3913	0.6262
Basidiomycota_Agaricomycetes_unidentified_unidentified	0.5903	0.2324	4.7783	0.3779	0.9677	0.4412	1.7174	0.6791
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_Hydodontaceae	1.1677	0.0412	8.0978	0.6280	0.2903	0.1176	1.4348	0.4003

Family	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae	2.3290	2.4471	1.5457	0.4266	1.3871	0.9412	0.4348	0.6002
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae	1.0935	2.2029	0.0783	0.2277	1.2903	1.7353	0.2609	0.7139
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Discinaceae	0.1903	0.3441	5.2652	0.3913	0.1290	0.1471	1.7174	0.4330
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_unidentified	1.1097	0.2382	0.8674	0.1495	0.9677	0.5294	1.5000	0.6510
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae	1.1065	1.0324	2.8522	0.3368	0.4194	0.3235	1.2826	0.4400
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae	3.8323	3.8706	0.1500	0.5299	0.6452	0.1765	0.1522	0.2115
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_unidentified	1.5032	2.0088	0.1761	0.2489	0.9677	1.0294	0.2174	0.4810
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis	0.4484	1.9765	0.1739	0.1754	0.9032	1.1471	0.1522	0.4784
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Chaetomiaceae	0.9000	0.5441	1.4761	0.1970	0.8065	0.7941	0.3913	0.4327
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Pseudeurotiaceae	0.7710	0.4676	0.1391	0.0930	1.0645	1.0294	0.3696	0.5351
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Elaphomycetaceae	0.0710	0.0735	2.1435	0.1544	0.2258	0.1471	1.3913	0.3832
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_unidentified	2.8484	0.1324	1.2652	0.2865	0.4839	0.1471	0.2826	0.1984
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis	0.4710	0.8206	0.0435	0.0901	0.6774	0.9412	0.1957	0.3941
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_unidentified	1.3355	0.2647	0.0087	0.1086	1.2581	0.4118	0.0217	0.3674
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae	0.1258	0.3000	2.5630	0.2017	0.2258	0.2941	0.7174	0.2688
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae	0.2194	0.0882	0.4804	0.0532	0.3871	0.2353	1.2174	0.3996
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae	1.4968	0.7559	0.2304	0.1676	0.3548	0.4412	0.3913	0.2579
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae	0.2323	0.3324	0.0848	0.0438	0.4839	0.5294	0.4348	0.3146
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Umbelopsidaceae	0.0290	1.0588	0.4696	0.1051	0.0323	0.2647	0.8478	0.2487
Basidiomycota_unidentified_unidentified_unidentified	0.3129	0.0265	2.0043	0.1581	0.2903	0.0294	0.5217	0.1828
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Paxillaceae	0.1258	0.1441	2.8761	0.2123	0.0323	0.0588	0.3478	0.0953
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meruliaceae	1.4387	0.2382	0.0783	0.1184	0.3548	0.2647	0.1087	0.1582
Ascomycota_Sordariomycetes_unidentified_unidentified	0.1419	0.4000	0.0130	0.0374	0.2258	0.7941	0.0652	0.2357
Basidiomycota_Tremellomycetes_Trichosporonales_Trichosporonaceae	0.3871	0.7412	0.0087	0.0767	0.4194	0.4412	0.0435	0.1964
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Herpotrichiellaceae	0.4742	0.2500	0.0152	0.0499	0.4516	0.4118	0.0652	0.2017
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Roesleriaceae	1.1097	0.2794	0.2022	0.1074	0.3548	0.2647	0.0435	0.1440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Entolomataceae	1.5194	0.7471	-	0.1529	0.1935	0.2353	-	0.0932
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Leptosphaeriaceae	0.0129	0.8824	0.0174	0.0616	0.0645	0.7059	0.0652	0.1815
Ascomycota_Lecanoromycetes_unidentified_unidentified	-	0.2000	0.4217	0.0420	-	0.2647	0.5870	0.1850
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae	0.5097	0.4353	0.1174	0.0717	0.2581	0.2941	0.1304	0.1483
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pezizaceae	0.4806	0.2412	0.0087	0.0493	0.4194	0.3235	0.0217	0.1661

Family	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_unidentified	0.8806	0.0471	0.0370	0.0651	0.5161	0.0882	0.0870	0.1502
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae	1.2871	0.0235	0.3196	0.1100	0.3226	0.0588	0.0652	0.0970
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_unidentified	0.5774	0.2265	0.1478	0.0642	0.3226	0.0588	0.2391	0.1348
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_unidentified	0.2419	0.1824	0.0674	0.0332	0.2581	0.2941	0.1304	0.1483
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Hydniaceae	1.3258	0.0088	0.0565	0.0939	0.2903	0.0588	0.0435	0.0853
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_Rhytismataceae	0.0258	0.0147	0.6022	0.0434	0.0323	0.0294	0.5217	0.1267
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_unidentified	0.0419	0.1647	0.7283	0.0631	0.0645	0.1471	0.1739	0.0837
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertaesedis	0.0774	0.2324	0.0174	0.0221	0.1613	0.3529	0.0435	0.1211
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_unidentified	0.1806	0.0618	0.1435	0.0260	0.1935	0.1471	0.1957	0.1165
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae	0.4581	0.1265	-	0.0394	0.1935	0.2353	-	0.0932
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meripilaceae	0.5516	0.0176	0.0652	0.0428	0.2903	0.0294	0.0652	0.0836
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Xenasmataceae	1.2645	-	0.0674	0.0899	0.1290	-	0.0217	0.0328
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Togniniaceae	0.1129	0.0706	0.0130	0.0133	0.2903	0.1176	0.0870	0.1075
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Annulatascaceae	0.0194	0.0147	0.4022	0.0294	0.0968	0.0294	0.2826	0.0888
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Niaceae	0.1065	0.0824	0.0065	0.0132	0.2903	0.1471	0.0217	0.0997
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Schizoporaceae	0.3355	0.0176	0.1130	0.0315	0.1613	0.0588	0.1522	0.0809
Ascomycota_Leotiomycetes_Leotiales_Leotiaceae	0.1065	0.2559	-	0.0244	0.1613	0.2353	-	0.0861
Ascomycota_Dothideomycetes_Venturiales_Venturiaceae	0.4742	0.0118	-	0.0328	0.2903	0.0588	-	0.0758
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales_Incertaesedis	0.0581	0.1324	0.0022	0.0130	0.1290	0.2647	0.0217	0.0903
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Bionectriaceae	0.0645	0.0265	0.0630	0.0104	0.1290	0.1176	0.1739	0.0914
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Xylariaceae	0.4935	0.0941	0.0022	0.0398	0.1935	0.0588	0.0217	0.0595
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Sarcosomataceae	-	0.5588	0.3152	0.0590	-	0.1176	0.0652	0.0397
Ascomycota_Eurotiomycetes_unidentified_unidentified	0.0226	0.0206	0.3717	0.0280	0.0645	0.0294	0.2174	0.0676
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_unidentified	0.0097	-	0.0891	0.0067	0.0645	-	0.3043	0.0801
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Lophiostomataceae	-	0.0500	0.6957	0.0503	-	0.0882	0.0652	0.0333
Basidiomycota_Incertaesedis_Malasseziales_Incertaesedis	0.0871	0.0765	0.2500	0.0279	0.0968	0.0882	0.0652	0.0544
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Cephalothecaceae	0.0290	0.0647	0.0152	0.0074	0.0323	0.2353	0.0652	0.0723
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae	0.1000	0.1029	0.0109	0.0144	0.1613	0.0588	0.0652	0.0620
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_unidentified	0.0387	0.0588	0.0435	0.0095	0.1290	0.0588	0.1087	0.0644
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_Incertaesedis	0.0839	0.0853	-	0.0114	0.1935	0.0882	-	0.0612
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Microascaceae	0.0903	0.0706	-	0.0109	0.1613	0.1176	-	0.0606

Family	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_unidentified	-	0.0147	0.0783	0.0063	-	0.0588	0.2391	0.0647
Ascomycota_Dothideomycetes_Dothideales_Dothioraceae	0.0710	0.0382	0.0261	0.0091	0.1290	0.1176	0.0217	0.0583
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Chaetothyriaceae	0.1742	0.0794	-	0.0171	0.1290	0.0882	-	0.0472
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Venturiaceae	0.0226	0.0265	0.0217	0.0048	0.0968	0.0882	0.0870	0.0591
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae	0.1548	0.1412	-	0.0200	0.0645	0.1176	-	0.0396
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Clavariaceae	0.1419	0.1059	-	0.0167	0.0968	0.0882	-	0.0402
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_unidentified	-	0.0500	0.0739	0.0084	-	0.0882	0.1304	0.0475
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae	0.0290	0.0353	0.0043	0.0046	0.1290	0.0588	0.0435	0.0503
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Ganodermataceae	0.0516	0.0529	-	0.0071	0.0323	0.1765	-	0.0453
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Magnaporthaceae	-	-	0.0761	0.0051	-	-	0.2174	0.0472
Basidiomycota_Microbotryomycetes_unidentified_unidentified	0.2258	-	0.0174	0.0164	0.0968	-	0.0435	0.0305
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_unidentified	0.0355	0.0794	0.0022	0.0079	0.0968	0.0588	0.0217	0.0385
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Sclerodermataceae	-	-	0.1891	0.0128	-	-	0.1522	0.0331
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Ceratobasidiaceae	0.0194	0.0735	0.0283	0.0082	0.0323	0.1176	0.0217	0.0373
Basidiomycota_Pucciniomycetes_Pucciniales_unidentified	0.1484	-	-	0.0100	0.1613	-	-	0.0350
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales_Claroideoglomeraceae	0.0065	0.2706	-	0.0187	0.0323	0.0882	-	0.0262
Basidiomycota_Walleliomycetes_Geminibasidiales_Geminibasidiaceae	0.2065	-	0.0500	0.0173	0.0323	-	0.0870	0.0259
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Pleosporaceae	0.0032	0.0029	0.0543	0.0041	0.0323	0.0294	0.1087	0.0370
Basidiomycota_Tremellomycetes_Filobasidiales_Filobasidiaceae	0.0613	0.0176	0.0109	0.0061	0.0645	0.0294	0.0652	0.0346
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Ophiocordycipitaceae	-	0.0294	0.0304	0.0040	-	0.0588	0.1087	0.0364
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Leucosporidiales_Leucosporidiaceae	0.1484	0.0118	0.0413	0.0136	0.0645	0.0294	0.0217	0.0251
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Cunninghamellaceae	-	0.0412	0.0261	0.0045	-	0.0588	0.0870	0.0317
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Mucoraceae	0.1258	0.1059	-	0.0156	0.0645	0.0294	-	0.0204
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales_Archaeosporaceae	-	0.2353	0.0109	0.0166	-	0.0588	0.0217	0.0175
Ascomycota_Sordariomycetes_Lulworthiales_Lulworthiaceae	-	0.0088	0.0717	0.0054	-	0.0882	0.0435	0.0286
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Polyporaceae	0.0065	0.0235	0.0283	0.0039	0.0645	0.0294	0.0435	0.0298
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_unidentified	0.0194	0.0118	0.0087	0.0027	0.0323	0.0588	0.0435	0.0292
Ascomycota_Sordariomycetes_Phyllachorales_Phyllachoraceae	0.0419	0.0324	-	0.0050	0.0645	0.0588	-	0.0268
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Plectosphaerellaceae	0.0097	0.0294	0.0109	0.0034	0.0323	0.0294	0.0652	0.0276
Ascomycota_Sordariomycetes_Ophiostomatales_Ophiostomataceae	-	-	0.0283	0.0019	-	-	0.1304	0.0283
Ascomycota_Leotiomycetes_Thelebolales_Thelebolaceae	0.3419	-	-	0.0231	0.0323	-	-	0.0070

Family	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Sordariomycetes_Coniochaetales_Coniochaetaceae	0.0516	0.0029	0.0043	0.0040	0.0645	0.0294	0.0217	0.0251
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Cantharellaceae	-	0.0412	-	0.0028	-	0.1176	-	0.0256
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_Incertaesedis	0.0806	0.0118	-	0.0062	0.0645	0.0294	-	0.0204
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_unidentified	0.0548	-	-	0.0037	0.0968	-	-	0.0210
Ascomycota_Lecanoromycetes_Ostropales_Stictidaceae	-	-	0.0152	0.0010	-	-	0.1087	0.0236
Basidiomycota_Agaricomycetes_Geastrales_Geastraceae	0.1452	-	-	0.0098	0.0645	-	-	0.0140
Basidiomycota_Tremellomycetes_Cystofilobasidiales_Incertaesedis	0.0387	0.0088	-	0.0032	0.0645	0.0294	-	0.0204
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Suillaceae	-	-	0.1370	0.0092	-	-	0.0652	0.0142
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Tubeufiaceae	-	-	0.0457	0.0031	-	-	0.0870	0.0189
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis	0.0129	0.0088	-	0.0015	0.0645	0.0294	-	0.0204
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Lasiosphaeriaceae	-	0.0353	-	0.0024	-	0.0882	-	0.0192
Ascomycota_Dothideomycetes_Botryosphaeriales_Botryosphaeriaceae	0.0097	0.0147	-	0.0016	0.0323	0.0588	-	0.0198
Ascomycota_Orbiliomycetes_Orbiliales_Orbiliaceae	-	-	0.0304	0.0021	-	-	0.0870	0.0189
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Valsaceae	-	0.0235	-	0.0016	-	0.0882	-	0.0192
Ascomycota_Archaeorhizomycetes_Archaeorhizomycetales_unidentified	-	-	0.0239	0.0016	-	-	0.0870	0.0189
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_unidentified	-	-	0.1565	0.0106	-	-	0.0435	0.0094
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Stephanosporaceae	-	0.0235	0.0283	0.0035	-	0.0294	0.0435	0.0158
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Antennulariellaceae	-	0.0176	0.0043	0.0015	-	0.0588	0.0217	0.0175
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Saccharomycetaceae	0.1774	-	-	0.0120	0.0323	-	-	0.0070
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Melanconidaceae	0.1742	-	-	0.0118	0.0323	-	-	0.0070
Ascomycota_Leotiomycetes_Geoglossales_Geoglossaceae	-	0.1794	-	0.0121	-	0.0294	-	0.0064
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales_Glomeraceae	0.0323	0.0235	-	0.0038	0.0323	0.0294	-	0.0134
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_unidentified	0.0323	0.0088	-	0.0028	0.0323	0.0294	-	0.0134
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Incertaesedis	0.1323	-	-	0.0089	0.0323	-	-	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Serpulaceae	-	-	0.0957	0.0065	-	-	0.0435	0.0094
Ascomycota_Lecanoromycetes_Teloschistales_unidentified	0.0226	0.0118	-	0.0023	0.0323	0.0294	-	0.0134
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Halosphaeriaceae	0.0226	-	-	0.0015	0.0645	-	-	0.0140
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Hyponectriaceae	-	0.0382	-	0.0026	-	0.0588	-	0.0128
Ascomycota_Pezizomycetes_unidentified_unidentified	-	-	0.0174	0.0012	-	-	0.0652	0.0142
Zygomycota_Incertaesedis_Endogonales_Endogonaceae	0.0097	0.0029	-	0.0009	0.0323	0.0294	-	0.0134
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Ceratocystidaceae	0.0032	0.0059	-	0.0006	0.0323	0.0294	-	0.0134

Family	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Basidiomycota_Incertaesedis_Malasseziales_unidentified	0.0903	-	-	0.0061	0.0323	-	-	0.0070
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_unidentified	0.0065	-	0.0130	0.0013	0.0323	-	0.0217	0.0117
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Bondarzewiaceae	0.0065	-	0.0022	0.0006	0.0323	-	0.0217	0.0117
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Diaporthaceae	-	-	0.0370	0.0025	-	-	0.0435	0.0094
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_unidentified	-	-	0.0326	0.0022	-	-	0.0435	0.0094
Glomeromycota_unidentified_unidentified_unidentified	-	0.0029	0.0022	0.0003	-	0.0294	0.0217	0.0111
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Amphispheeriaceae	-	-	0.0196	0.0013	-	-	0.0435	0.0094
Ascomycota_Eurotiomycetes_Onygenales_Onygenaceae	0.0548	-	-	0.0037	0.0323	-	-	0.0070
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales_unidentified	-	-	0.0109	0.0007	-	-	0.0435	0.0094
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Dipodascaceae	-	-	0.0087	0.0006	-	-	0.0435	0.0094
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Botryobasidiaceae	-	-	0.0087	0.0006	-	-	0.0435	0.0094
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Corynesporascaceae	0.0419	-	-	0.0028	0.0323	-	-	0.0070
Basidiomycota_Tremellomycetes_Cystofilobasidiales_Cystofilobasidiaceae	0.0419	-	-	0.0028	0.0323	-	-	0.0070
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Glomerellaceae	-	0.0412	-	0.0028	-	0.0294	-	0.0064
Glomeromycota_Glomeromycetes_Diversisporales_Acaulosporaceae	-	0.0324	-	0.0022	-	0.0294	-	0.0064
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Sclerotiniaceae	0.0226	-	-	0.0015	0.0323	-	-	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis	0.0097	-	-	0.0007	0.0323	-	-	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Repetobasidiaceae	-	-	0.0370	0.0025	-	-	0.0217	0.0047
Ascomycota_Saccharomycetes_unidentified_unidentified	-	0.0059	-	0.0004	-	0.0294	-	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Psathyrellaceae	-	0.0029	-	0.0002	-	0.0294	-	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_unidentified	-	0.0029	-	0.0002	-	0.0294	-	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Phallales_Phallaceae	-	-	0.0261	0.0018	-	-	0.0217	0.0047
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales_unidentified	-	-	0.0196	0.0013	-	-	0.0217	0.0047
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Mytiliniaceae	-	-	0.0152	0.0010	-	-	0.0217	0.0047
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Phaeosphaeriaceae	-	-	0.0109	0.0007	-	-	0.0217	0.0047
Ascomycota_Orbiliomycetes_unidentified_unidentified	-	-	0.0087	0.0006	-	-	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Exobasidiomycetes_Microstromatales_Microstromataceae	-	-	0.0087	0.0006	-	-	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Tremellomycetes_unidentified_unidentified	-	-	0.0087	0.0006	-	-	0.0217	0.0047
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Montagnulaceae	-	-	0.0065	0.0004	-	-	0.0217	0.0047
Ascomycota_Lecanoromycetes_Teloschistales_Teloschistaceae	-	-	0.0043	0.0003	-	-	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricostilbomycetes_Agaricostilbales_unidentified	-	-	0.0043	0.0003	-	-	0.0217	0.0047

Family	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Rutstroemiaceae	-	-	0.0022	0.0001	-	-	0.0217	0.0047

e) Genus

Genus	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_unidentified	78.8129	168.6794	94.0043	23.0430	10.4194	13.6765	12.7174	7.9966
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula	68.9645	19.5941	49.1413	9.2915	14.1290	6.8235	12.7391	7.3186
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified	36.7935	28.0382	15.8913	5.4469	17.8710	15.9118	14.6739	10.5258
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_unidentified	17.2613	18.6794	18.0304	3.6418	8.4194	9.7353	10.6957	6.2669
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_unidentified	8.9226	42.8971	12.8565	4.3641	3.6452	5.8235	3.1304	2.7368
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_unidentified	16.4452	19.3206	14.7957	3.4117	7.4516	5.7059	3.6739	3.6562
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius	10.8742	15.6206	38.8109	4.4066	2.0968	3.3529	5.1087	2.2935
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_unidentified	7.1419	8.5265	32.9565	3.2810	2.6129	2.7647	8.4565	3.0051
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena	24.5452	12.6176	13.1087	3.3921	4.0968	3.7059	3.8913	2.5402
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_unidentified	3.9355	1.2441	41.1565	3.1266	1.0645	0.7059	5.0217	1.4754
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Sebacina	30.4935	10.7618	1.3891	2.8775	4.8065	2.4706	0.5435	1.6988
Ascomycota_Leotiomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	1.3000	8.0765	15.4348	1.6742	0.7742	4.6176	6.4348	2.5690
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrophorus	21.3710	11.4971	1.4239	2.3139	4.3548	1.3529	0.5217	1.3532
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_unidentified	13.9000	5.9824	5.6348	1.7218	4.2581	2.6471	1.4783	1.8211
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_unidentified	8.7452	5.9735	5.8848	1.3902	3.7419	2.8235	3.1522	2.1109
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Tetracladium	5.4548	18.3176	0.1087	1.6114	2.0968	4.5588	0.2609	1.5024
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe	12.9194	7.2882	0.4522	1.3940	3.6774	2.1176	0.3043	1.3249
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_unidentified	12.0129	8.4324	0.3543	1.4035	3.0645	2.2059	0.4348	1.2393
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified	1.9355	1.4029	10.0348	0.9024	1.8065	2.2353	3.2609	1.5863
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala	8.9258	1.2206	5.7326	1.0715	3.2581	0.8235	2.3913	1.4061
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales_Gloniaceae_Cenococcum	4.4774	1.4853	3.9348	0.6678	2.7742	1.4118	3.3478	1.6365
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella	2.5161	2.0647	1.3500	0.4002	3.0323	2.8235	1.9348	1.6923
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Xerocomus	1.6581	1.2059	19.0391	1.4779	0.3871	0.2647	1.6522	0.5005
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Meliniomyces	3.1484	4.3588	1.0957	0.5805	2.1613	2.6471	1.4565	1.3609
Ascomycota_Dothideomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	3.3355	2.1529	0.7413	0.4204	2.8065	2.1471	0.8261	1.2555
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Lachnum	0.9806	4.9618	9.1261	1.0168	0.3548	0.4706	1.8261	0.5760
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_Cryptosporiopsis	1.3935	2.5147	0.8522	0.3212	1.8387	2.1471	0.6739	1.0122
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_unidentified	5.1032	2.3324	0.0674	0.5063	2.2258	1.2647	0.1522	0.7913

Genus	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_unidentified	0.2903	0.6882	6.2348	0.4867	0.1935	0.5294	2.6087	0.7237
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae_Oidiodendron	0.7355	0.3882	2.6435	0.2542	0.9032	0.7941	2.4130	0.8929
Basidiomycota_Agaricomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	0.5903	0.2324	4.7783	0.3779	0.9677	0.4412	1.7174	0.6791
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_Hydnotontaceae_Trechispora	1.1677	0.0412	8.0978	0.6280	0.2903	0.1176	1.4348	0.4003
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber	2.3161	2.4471	1.5457	0.4257	1.3548	0.9412	0.4348	0.5932
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_unidentified	0.4452	1.3412	4.5826	0.4298	0.4516	0.5588	1.2826	0.4981
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Thelephora	1.2226	1.5118	3.6283	0.4293	0.6129	0.7059	0.8043	0.4612
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella	3.7032	0.3176	0.4783	0.3036	1.5161	0.4118	0.5000	0.5274
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Discinaceae_Hydnotrya	0.1903	0.3441	5.2652	0.3913	0.1290	0.1471	1.7174	0.4330
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_unidentified_unidentified	1.1097	0.2382	0.8674	0.1495	0.9677	0.5294	1.5000	0.6510
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_unidentified	1.9839	1.5029	0.2435	0.2517	0.9032	1.0588	0.4130	0.5159
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_unidentified_unidentified	1.5032	2.0088	0.1761	0.2489	0.9677	1.0294	0.2174	0.4810
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Tylospora	5.6323	0.0559	0.0957	0.3903	1.2258	0.1471	0.1739	0.3360
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae_Armillaria	3.7387	3.8618	0.1500	0.5230	0.5806	0.1471	0.1522	0.1911
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Agrocybe	1.6452	3.2794	0.0196	0.3336	0.6129	1.0882	0.0435	0.3790
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Tricholoma	5.7258	0.0206	0.6217	0.4297	1.0000	0.0588	0.0652	0.2442
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae_Laccaria	1.0323	0.9824	2.6848	0.3171	0.3548	0.2353	0.9783	0.3407
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_unidentified	0.7968	1.9118	0.0674	0.1873	0.7742	1.1471	0.1957	0.4598
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae_unidentified	2.2516	0.5882	0.0500	0.1950	1.1935	0.5882	0.1087	0.4107
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_unidentified	2.6645	0.7294	-	0.2290	1.2581	0.4706	-	0.3755
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Cadophora	0.3742	1.1265	0.3848	0.1272	0.5484	0.9412	0.6304	0.4605
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_unidentified	1.8516	0.3706	0.2957	0.1699	1.0323	0.3824	0.5000	0.4159
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Varicosporium	0.3742	2.8794	0.0370	0.2220	0.2903	1.1176	0.1522	0.3389
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Pseudeurotiaceae_Pseudogymnoascus	0.6516	0.4294	0.1304	0.0817	0.9355	0.9118	0.3478	0.4768
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Acephala	0.3516	0.0529	2.5435	0.1989	0.4839	0.1765	0.9348	0.3465
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Chalara	0.3226	1.8588	0.0370	0.1497	0.7742	0.9706	0.0652	0.3932
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae_Clavulina	0.0871	3.3235	0.5609	0.2680	0.0968	0.6176	0.3913	0.2402
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Chaetomiaceae_Trichocladium	0.6871	0.4882	1.4304	0.1758	0.5806	0.6765	0.2609	0.3297
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Geomyces	0.4032	0.2176	0.2326	0.0576	0.6774	0.7941	0.5652	0.4424
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Piloderma	2.0065	0.3853	0.0348	0.1637	1.0000	0.3529	0.1304	0.3222

Genus	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_unidentified_unidentified	2.8484	0.1324	1.2652	0.2865	0.4839	0.1471	0.2826	0.1984
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_unidentified_unidentified	1.3355	0.2647	0.0087	0.1086	1.2581	0.4118	0.0217	0.3674
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Elaphomycetaceae_unidentified	0.0645	0.0735	1.8978	0.1374	0.1935	0.1471	1.1957	0.3337
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius	0.6419	0.0529	1.6870	0.1607	0.7419	0.1176	0.5435	0.3048
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactifluus	-	0.0206	4.1848	0.2838	-	0.0588	0.3478	0.0883
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Umbelopsidaceae_Umbelopsis	0.0290	1.0588	0.4696	0.1051	0.0323	0.2647	0.8478	0.2487
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Ilyonectria	0.3387	0.7059	0.0326	0.0727	0.4194	0.7647	0.1087	0.2808
Basidiomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified	0.3129	0.0265	2.0043	0.1581	0.2903	0.0294	0.5217	0.1828
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Mycenella	0.7194	0.3676	0.0500	0.0767	0.6774	0.4706	0.0652	0.2635
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Chaetosphaeria	1.3742	0.7500	0.1674	0.1546	0.2581	0.4118	0.1739	0.1833
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita	0.1194	0.2265	1.2870	0.1102	0.1935	0.2353	0.6087	0.2254
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium	0.0806	0.0412	0.3500	0.0318	0.2258	0.0882	1.0000	0.2854
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Scutellinia	-	3.5324	-	0.2384	-	0.2941	-	0.0639
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Athelopsis	0.6258	0.8412	0.0087	0.0996	0.6452	0.2353	0.0217	0.1960
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Paxillaceae_Melanogaster	0.1258	0.0029	2.8478	0.2008	0.0323	0.0294	0.3043	0.0795
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Humaria	0.3677	0.8412	0.0457	0.0847	0.3871	0.4412	0.0652	0.1941
Ascomycota_Sordariomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	0.1419	0.4000	0.0130	0.0374	0.2258	0.7941	0.0652	0.2357
Basidiomycota_Tremellomycetes_Trichosporonales_Trichosporonaceae_Trichosporon	0.3871	0.7412	0.0087	0.0767	0.4194	0.4412	0.0435	0.1964
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Roesleriaceae_Roesleria	1.1097	0.2794	0.2022	0.1074	0.3548	0.2647	0.0435	0.1440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Entolomataceae_Entoloma	1.5194	0.7471	-	0.1529	0.1935	0.2353	-	0.0932
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Scytalidium	0.5387	0.7235	0.0826	0.0907	0.1935	0.4706	0.0435	0.1537
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae_unidentified	0.0194	0.0912	0.6500	0.0513	0.0968	0.0882	0.6957	0.1913
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meruliaceae_Scopuloides	1.2839	0.1941	0.0304	0.1018	0.3226	0.2353	0.0435	0.1306
Ascomycota_Lecanoromycetes_unidentified_unidentified_unidentified	-	0.2000	0.4217	0.0420	-	0.2647	0.5870	0.1850
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Leptosphaeriaceae_unidentified	0.0097	0.8765	0.0130	0.0607	0.0323	0.6765	0.0435	0.1634
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Genea	0.0065	0.1147	1.0696	0.0803	0.0323	0.2353	0.3913	0.1431
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_unidentified_unidentified	0.8806	0.0471	0.0370	0.0651	0.5161	0.0882	0.0870	0.1502
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Boletus	0.0226	0.1147	1.1978	0.0901	0.0645	0.1471	0.3261	0.1168
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_unidentified_unidentified	0.5774	0.2265	0.1478	0.0642	0.3226	0.0588	0.2391	0.1348
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Leptodontidium	0.0742	0.3088	0.1457	0.0357	0.1613	0.3529	0.2174	0.1589

Genus	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Trichoderma	0.1484	0.1088	0.0587	0.0213	0.2258	0.2353	0.3261	0.1710
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_unidentified_unidentified	0.2419	0.1824	0.0674	0.0332	0.2581	0.2941	0.1304	0.1483
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Herpotrichiellaceae_Cladophialophora	0.1774	0.2176	0.0152	0.0277	0.2581	0.3529	0.0652	0.1469
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pezizaceae_unidentified	0.4065	0.1618	0.0087	0.0389	0.3226	0.2647	0.0217	0.1323
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Amphinema	0.6677	0.5382	-	0.0814	0.3226	0.0882	-	0.0892
Basidiomycota_Agaricomycetes_Theleporales_Theleporaceae_Pseudotomentella	0.7387	-	0.6283	0.0922	0.2581	-	0.0652	0.0702
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Otidea	1.2516	0.0294	-	0.0864	0.2258	0.0588	-	0.0618
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_unidentified_unidentified	0.0419	0.1647	0.7283	0.0631	0.0645	0.1471	0.1739	0.0837
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_unidentified_unidentified	0.1806	0.0618	0.1435	0.0260	0.1935	0.1471	0.1957	0.1165
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_unidentified	0.0065	0.0735	1.2761	0.0915	0.0323	0.0588	0.1087	0.0434
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Neonectria	0.1161	0.2235	-	0.0229	0.1613	0.3529	-	0.1117
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hymenogaster	0.2774	0.0882	0.0043	0.0250	0.2258	0.2353	0.0217	0.1049
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_unidentified	0.0871	-	0.8826	0.0654	0.0968	-	0.1957	0.0635
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Xenasmataceae_Xenasmatella	1.2645	-	0.0674	0.0899	0.1290	-	0.0217	0.0328
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Hydniaceae_Hydnum	0.9839	0.0059	-	0.0668	0.2258	0.0294	-	0.0554
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae_unidentified	0.0742	0.0500	0.1674	0.0197	0.0645	0.0882	0.3043	0.0993
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Annulatascaceae_Conlarium	0.0194	0.0147	0.4022	0.0294	0.0968	0.0294	0.2826	0.0888
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Lycoperdon	0.7323	0.0059	0.2891	0.0693	0.1290	0.0294	0.0435	0.0439
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Niaceae_Flagelloscypha	0.1065	0.0824	0.0065	0.0132	0.2903	0.1471	0.0217	0.0997
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Hypocrea	0.0677	0.1471	0.0196	0.0158	0.1935	0.1765	0.0652	0.0945
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Xerocomellus	-	0.0088	0.2370	0.0166	-	0.0588	0.3696	0.0931
Ascomycota_Dothideomycetes_Venturiales_Venturiaceae_unidentified	0.4742	0.0118	-	0.0328	0.2903	0.0588	-	0.0758
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae_Helvella	0.3097	0.1265	-	0.0294	0.1290	0.2353	-	0.0791
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Togniniaceae_Togninia	0.1129	0.0706	0.0043	0.0127	0.2903	0.1176	0.0217	0.0933
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meripilaceae_Physisporinus	0.5129	0.0176	0.0348	0.0381	0.2581	0.0294	0.0217	0.0672
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Naucoria	-	0.1353	0.7196	0.0577	-	0.0882	0.1304	0.0475
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Bionectriaceae_Bionectria	0.0645	0.0265	0.0630	0.0104	0.1290	0.1176	0.1739	0.0914
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Schizoporaceae_Hyphodontia	0.2452	0.0176	0.1130	0.0254	0.1290	0.0588	0.1522	0.0739
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Sarcosomataceae_Urnula	-	0.5588	0.3152	0.0590	-	0.1176	0.0652	0.0397
Ascomycota_Eurotiomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	0.0226	0.0206	0.3717	0.0280	0.0645	0.0294	0.2174	0.0676

Genus	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Helotiaceae_Neobulgaria	0.0161	0.5618	0.0022	0.0391	0.0323	0.2059	0.0217	0.0565
Ascomycota_Sordariomyces_Xylariales_Xylariaceae_Xylaria	0.4935	0.0941	-	0.0397	0.1935	0.0588	-	0.0548
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Hydropus	0.3387	0.2382	-	0.0389	0.1613	0.0882	-	0.0542
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Arcangeliella	-	0.7059	-	0.0476	-	0.2059	-	0.0447
Ascomycota_Leotiomyces_Leotiales_Leotiaceae_Leotia	0.1065	0.2324	-	0.0229	0.1613	0.1471	-	0.0670
Ascomycota_Leotiomyces_Incertaesedis_Incertaesedis_Leohumicola	0.0677	0.3441	-	0.0278	0.0968	0.1765	-	0.0594
Ascomycota_Sordariomyces_Diaporthales_unidentified_unidentified	0.0097	-	0.0891	0.0067	0.0645	-	0.3043	0.0801
Ascomycota_Pezizomyces_Pezizales_Pyronemataceae_Tarzettia	0.2065	0.0735	-	0.0189	0.1613	0.1471	-	0.0670
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Lophiostomataceae_Lophiostoma	-	0.0500	0.6957	0.0503	-	0.0882	0.0652	0.0333
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertaesedis_Xenopolyscytatum	0.2419	0.1147	0.0217	0.0255	0.0968	0.0588	0.1087	0.0574
Basidiomycota_Incertaesedis_Malasseziales_Incertaesedis_Malassezia	0.0871	0.0765	0.2500	0.0279	0.0968	0.0882	0.0652	0.0544
Ascomycota_Sordariomyces_Hypocreales_Nectriaceae_Volutella	0.1129	0.0265	0.0065	0.0098	0.1613	0.1176	0.0435	0.0700
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertaesedis_Infundichalara	0.0290	-	0.2804	0.0209	0.0323	-	0.2391	0.0590
Ascomycota_Sordariomyces_Sordariales_Cephalothecaceae_Cephalotheca	0.0290	0.0647	0.0152	0.0074	0.0323	0.2353	0.0652	0.0723
Ascomycota_Leotiomyces_Rhytismatales_Rhytismataceae_Colpoma	-	-	0.3348	0.0226	-	-	0.2609	0.0567
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertaesedis_Helicodendron	-	0.4000	-	0.0270	-	0.2353	-	0.0511
Ascomycota_Eurotiomyces_Eurotiales_Trichocomaceae_Talaromyces	-	0.0441	0.1261	0.0115	-	0.1176	0.1739	0.0633
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_unidentified_unidentified	0.0387	0.0588	0.0435	0.0095	0.1290	0.0588	0.1087	0.0644
Basidiomycota_Tremellomyces_Tremellales_Incertaesedis_Cryptococcus	0.0226	0.1118	0.0022	0.0092	0.0645	0.2059	0.0217	0.0635
Ascomycota_Sordariomyces_Xylariales_unidentified_unidentified	-	0.0147	0.0783	0.0063	-	0.0588	0.2391	0.0647
Ascomycota_Sordariomyces_Sordariales_Chaetomiaceae_unidentified	0.1742	0.0441	0.0043	0.0150	0.1290	0.0882	0.0217	0.0519
Ascomycota_Eurotiomyces_Eurotiales_Elaphomyetaceae_Elaphomyces	0.0065	-	0.2457	0.0170	0.0323	-	0.1957	0.0495
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Belonidium	-	0.2176	-	0.0147	-	0.2353	-	0.0511
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Marasmius	0.1484	0.0735	0.0652	0.0194	0.0323	0.0882	0.0870	0.0451
Ascomycota_Eurotiomyces_Chaetothyriales_Chaetothyriaceae_Cyphellophora	0.1742	0.0794	-	0.0171	0.1290	0.0882	-	0.0472
Ascomycota_Sordariomyces_Hypocreales_Incertaesedis_Acremonium	0.0645	0.0324	-	0.0065	0.1935	0.0588	-	0.0548
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Protoglossum	0.4742	0.0088	-	0.0326	0.0968	0.0294	-	0.0274
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Byssocorticium	-	-	0.3978	0.0268	-	-	0.1522	0.0331
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertaesedis_Naevala	0.0290	0.1471	-	0.0119	0.0645	0.1471	-	0.0460
Ascomycota_Sordariomyces_Sordariales_Chaetomiaceae_Humicola	0.0387	0.0118	0.0413	0.0062	0.0968	0.0294	0.1087	0.0510

Genus	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_unidentified_unidentified	-	0.0500	0.0739	0.0084	-	0.0882	0.1304	0.0475
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_unidentified	0.0161	0.0765	0.0065	0.0067	0.0645	0.1176	0.0435	0.0490
Ascomycota_Dothideomycetes_Dothideales_Dothioraceae_Aureobasidium	0.0677	0.0382	-	0.0072	0.0968	0.1176	-	0.0466
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Ganodermataceae_Ganoderma	0.0516	0.0529	-	0.0071	0.0323	0.1765	-	0.0453
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Magnaporthaceae_Mycoleptodiscus	-	-	0.0761	0.0051	-	-	0.2174	0.0472
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_Mollisia	0.0194	-	0.0587	0.0053	0.0645	-	0.1522	0.0471
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_Incertaesedis_Rhodotorula	0.0774	0.0559	-	0.0090	0.1613	0.0294	-	0.0414
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Hymenoscyphus	-	0.0265	0.1065	0.0090	-	0.0588	0.1304	0.0411
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Pseudeurotiaceae_unidentified	0.1097	0.0382	-	0.0100	0.0645	0.1176	-	0.0396
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Herpotrichiellaceae_Exophiala	0.0903	0.0324	-	0.0083	0.1290	0.0588	-	0.0408
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_Rhytismataceae_unidentified	-	-	0.1674	0.0113	-	-	0.1739	0.0378
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Venturiaceae_Protoventuria	0.0226	0.0265	0.0022	0.0035	0.0968	0.0882	0.0217	0.0449
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Galerina	-	0.0029	0.0565	0.0040	-	0.0294	0.1739	0.0442
Basidiomycota_Microbotryomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	0.2258	-	0.0174	0.0164	0.0968	-	0.0435	0.0305
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Menispora	-	0.0059	0.0326	0.0026	-	0.0294	0.1739	0.0442
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Phialemoniopsis	0.0613	-	0.1087	0.0115	0.0968	-	0.0652	0.0352
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_unidentified_unidentified	0.0355	0.0794	0.0022	0.0079	0.0968	0.0588	0.0217	0.0385
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertaesedis_Pyrenochaeta	-	0.1353	0.0043	0.0094	-	0.1471	0.0217	0.0367
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Sclerodermataceae_Scleroderma	-	-	0.1891	0.0128	-	-	0.1522	0.0331
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Dissophora	-	0.1000	-	0.0067	-	0.1765	-	0.0383
Basidiomycota_Pucciniomycetes_Pucciniales_unidentified_unidentified	0.1484	-	-	0.0100	0.1613	-	-	0.0350
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pezizaceae_Terfezia	0.0742	0.0794	-	0.0104	0.0968	0.0588	-	0.0338
Basidiomycota_Walleliomycetes_Geminibasidiales_Geminibasidiaceae_Geminibasidium	0.2065	-	0.0500	0.0173	0.0323	-	0.0870	0.0259
Basidiomycota_Tremellomycetes_Filobasidiales_Filobasidiaceae_Cryptococcus	0.0613	0.0176	0.0109	0.0061	0.0645	0.0294	0.0652	0.0346
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Cystolepiota	0.3935	-	-	0.0266	0.0645	-	-	0.0140
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Delicatula	0.0323	0.0559	0.0978	0.0125	0.0323	0.0294	0.0652	0.0276
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Stachybotrys	0.0677	0.0500	0.0022	0.0081	0.0645	0.0588	0.0217	0.0315
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae_Membranomyces	0.3806	0.0029	-	0.0259	0.0323	0.0294	-	0.0134
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Leucosporidiales_Leucosporidiaceae_Leucosporidella	0.1484	0.0118	0.0413	0.0136	0.0645	0.0294	0.0217	0.0251

Genus	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meruliaceae_Phlebia	0.1548	0.0441	0.0152	0.0145	0.0323	0.0294	0.0435	0.0228
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Pholiota	-	0.3529	-	0.0238	-	0.0588	-	0.0128
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Cunninghamellaceae_Absidia	-	0.0412	0.0261	0.0045	-	0.0588	0.0870	0.0317
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Hydniaceae_unidentified	0.3290	0.0029	-	0.0224	0.0323	0.0294	-	0.0134
Ascomycota_Sordariomycetes_Lulworthiales_Lulworthiaceae_Zalerion	-	0.0088	0.0717	0.0054	-	0.0882	0.0435	0.0286
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Marasmiellus	-	0.1235	-	0.0083	-	0.1176	-	0.0256
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertaesedis_Herpotrichia	0.0452	0.0529	-	0.0066	0.0645	0.0588	-	0.0268
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Lepista	0.1806	-	-	0.0122	0.0968	-	-	0.0210
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hebeloma	0.0710	0.0147	-	0.0058	0.0645	0.0588	-	0.0268
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Clavariaceae_unidentified	0.1097	0.0706	-	0.0122	0.0645	0.0294	-	0.0204
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales_Claroideoglomeraceae_Claroideoglomus	0.0065	0.1794	-	0.0125	0.0323	0.0588	-	0.0198
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Rhizoscyphus	-	0.0118	0.0913	0.0070	-	0.0294	0.0870	0.0253
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_unidentified_unidentified	0.0194	0.0118	0.0087	0.0027	0.0323	0.0588	0.0435	0.0292
Ascomycota_Sordariomycetes_Phyllachorales_Phyllachoraceae_unidentified	0.0419	0.0324	-	0.0050	0.0645	0.0588	-	0.0268
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Microascaceae_Cephalotrichum	0.0323	0.0500	-	0.0056	0.0323	0.0882	-	0.0262
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales_Incertaesedis_Dioszegia	0.0355	0.0206	-	0.0038	0.0645	0.0588	-	0.0268
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Flagellospora	0.0290	0.0353	-	0.0043	0.0323	0.0882	-	0.0262
Ascomycota_Sordariomycetes_Ophiostomatales_Ophiostomataceae_Sporothrix	-	-	0.0283	0.0019	-	-	0.1304	0.0283
Ascomycota_Leotiomycetes_Thelebolales_Thelebolaceae_Pezizella	0.3419	-	-	0.0231	0.0323	-	-	0.0070
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Geejayessia	0.0290	-	-	0.0020	0.1290	-	-	0.0280
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_Rhytismataceae_Lophodermium	0.0258	0.0147	0.0609	0.0068	0.0323	0.0294	0.0435	0.0228
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Cistella	0.0065	0.0412	-	0.0032	0.0323	0.0882	-	0.0262
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Metarhizium	0.0419	0.0912	-	0.0090	0.0645	0.0294	-	0.0204
Ascomycota_Sordariomycetes_Coniochaetales_Coniochaetaceae_Coniochaeta	0.0516	0.0029	0.0043	0.0040	0.0645	0.0294	0.0217	0.0251
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Mucoraceae_Mucor	0.1226	0.1059	-	0.0154	0.0323	0.0294	-	0.0134
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertaesedis_Berkleasium	0.0065	0.0294	-	0.0024	0.0323	0.0882	-	0.0262
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Hamatocanthoscypha	0.0194	0.0059	-	0.0017	0.0645	0.0588	-	0.0268
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Cantharellaceae_Craterellus	-	0.0412	-	0.0028	-	0.1176	-	0.0256
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae_Gymnostellatospora	-	0.0029	0.0304	0.0023	-	0.0294	0.0870	0.0253
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae_Beauveria	0.0161	-	0.0022	0.0012	0.0968	-	0.0217	0.0257

Genus	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Chloridium	0.0935	-	0.0043	0.0066	0.0645	-	0.0217	0.0187
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_unidentified_unidentified	0.0548	-	-	0.0037	0.0968	-	-	0.0210
Ascomycota_Lecanoromycetes_Ostropales_Stictidaceae_Cryptodiscus	-	-	0.0152	0.0010	-	-	0.1087	0.0236
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Microasceae_Graphium	0.0516	-	-	0.0035	0.0968	-	-	0.0210
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Clavariaceae_Clavaria	0.0323	0.0353	-	0.0046	0.0323	0.0588	-	0.0198
Basidiomycota_Agaricomycetes_Geastrales_Geastraceae_Geastrum	0.1452	-	-	0.0098	0.0645	-	-	0.0140
Basidiomycota_Tremellomycetes_Cystofilobasidiales_Incertaesedis_Mrakiella	0.0387	0.0088	-	0.0032	0.0645	0.0294	-	0.0204
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Suillaceae_Suillus	-	-	0.1370	0.0092	-	-	0.0652	0.0142
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Ceratobasidiaceae_unidentified	0.0194	0.0324	-	0.0035	0.0323	0.0588	-	0.0198
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Wilcoxina	0.0032	-	0.0217	0.0017	0.0323	-	0.0652	0.0212
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Pochonia	0.0065	-	0.0109	0.0012	0.0323	-	0.0652	0.0212
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_Incertaesedis_Sporobolomyces	0.0065	0.0294	-	0.0024	0.0323	0.0588	-	0.0198
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Ceratobasidiaceae_Ceratobasidium	-	0.0412	0.0283	0.0047	-	0.0588	0.0217	0.0175
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Tubeufiaceae_unidentified	-	-	0.0457	0.0031	-	-	0.0870	0.0189
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Minutisphaera	0.0129	0.0088	-	0.0015	0.0645	0.0294	-	0.0204
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales_Archaeosporaceae_Archaeospora	-	0.2265	-	0.0153	-	0.0294	-	0.0064
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Lasiosphaeriaceae_unidentified	-	0.0353	-	0.0024	-	0.0882	-	0.0192
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Hydniaceae_Sistotrema	0.0129	-	0.0565	0.0047	0.0323	-	0.0435	0.0165
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meripilaceae_Hydno-polyporus	0.0387	-	0.0304	0.0047	0.0323	-	0.0435	0.0165
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Polyporaceae_Skeletocutis	0.0065	-	0.0239	0.0020	0.0645	-	0.0217	0.0187
Ascomycota_Leotiomycetes_Leotiales_Leotiaceae_Alatospora	-	0.0235	-	0.0016	-	0.0882	-	0.0192
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Valsaceae_Valsa	-	0.0235	-	0.0016	-	0.0882	-	0.0192
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Megacollybia	0.0226	-	0.0065	0.0020	0.0645	-	0.0217	0.0187
Ascomycota_Archaeorhizomycetes_Archaeorhizomycetales_unidentified_unidentified	-	-	0.0239	0.0016	-	-	0.0870	0.0189
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae_unidentified	-	0.1118	-	0.0075	-	0.0588	-	0.0128
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertaesedis_Phoma	0.0129	0.0059	0.0130	0.0021	0.0323	0.0294	0.0217	0.0181
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_unidentified_unidentified	-	-	0.1565	0.0106	-	-	0.0435	0.0094
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Cosmospora	0.0097	0.0059	0.0043	0.0013	0.0323	0.0294	0.0217	0.0181
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Stephanosporaceae_unidentified	-	0.0235	0.0283	0.0035	-	0.0294	0.0435	0.0158
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Trichophaea	0.0774	-	-	0.0052	0.0645	-	-	0.0140

Genus	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Leptosphaeriaceae_Leptosphaeria	0.0032	0.0059	0.0043	0.0009	0.0323	0.0294	0.0217	0.0181
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Antennariaceae_Heteroconium	-	0.0176	0.0043	0.0015	-	0.0588	0.0217	0.0175
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Saccharomycetaceae_Lachancea	0.1774	-	-	0.0120	0.0323	-	-	0.0070
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Tumularia	0.0645	0.0176	-	0.0055	0.0323	0.0294	-	0.0134
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Herpotrichiellaceae_Phialophora	0.1742	-	-	0.0118	0.0323	-	-	0.0070
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Melanconidaceae_Melanconium	0.1742	-	-	0.0118	0.0323	-	-	0.0070
Ascomycota_Leotiomycetes_Geoglossales_Geoglossaceae_Geoglossum	-	0.1794	-	0.0121	-	0.0294	-	0.0064
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Pleosporaceae_unidentified	0.0032	-	0.0261	0.0020	0.0323	-	0.0435	0.0165
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Phaeocollybia	0.0129	-	0.0130	0.0018	0.0323	-	0.0435	0.0165
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Pleosporaceae_Cochliobolus	-	0.0029	0.0239	0.0018	-	0.0294	0.0435	0.0158
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Aspergillus	0.0129	-	0.0043	0.0012	0.0323	-	0.0435	0.0165
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Plectosphaerellaceae_Verticillium	0.0097	-	0.0043	0.0009	0.0323	-	0.0435	0.0165
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales_Glomeraceae_unidentified	0.0323	0.0235	-	0.0038	0.0323	0.0294	-	0.0134
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Aschersonia	0.0355	0.0118	-	0.0032	0.0323	0.0294	-	0.0134
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Ophiocordycipitaceae_Tolypocladium	-	0.0059	0.0043	0.0007	-	0.0294	0.0435	0.0158
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_unidentified_unidentified	0.0323	0.0088	-	0.0028	0.0323	0.0294	-	0.0134
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Incertaesedis_Candida	0.1323	-	-	0.0089	0.0323	-	-	0.0070
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Ophiocordycipitaceae_Elaphocordyceps	-	-	0.0261	0.0018	-	-	0.0652	0.0142
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Paxillaceae_unidentified	-	0.1412	-	0.0095	-	0.0294	-	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Serpulaceae_Serpula	-	-	0.0957	0.0065	-	-	0.0435	0.0094
Ascomycota_Lecanoromycetes_Teloschistales_unidentified_unidentified	0.0226	0.0118	-	0.0023	0.0323	0.0294	-	0.0134
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Halosphaeriaceae_Tirisporea	0.0226	-	-	0.0015	0.0645	-	-	0.0140
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae_Balsamia	0.1258	-	-	0.0085	0.0323	-	-	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_Incertaesedis_Auricularia	0.0194	0.0118	-	0.0021	0.0323	0.0294	-	0.0134
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Venturiaceae_Venturia	-	-	0.0196	0.0013	-	-	0.0652	0.0142
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Hyponectriaceae_unidentified	-	0.0382	-	0.0026	-	0.0588	-	0.0128
Ascomycota_Pezizomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	-	-	0.0174	0.0012	-	-	0.0652	0.0142
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Microascaceae_Wardomyces	0.0065	0.0206	-	0.0018	0.0323	0.0294	-	0.0134
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Eladia	0.0161	-	-	0.0011	0.0645	-	-	0.0140
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertaesedis_Dictyosporium	0.0129	0.0088	-	0.0015	0.0323	0.0294	-	0.0134

Genus	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Dothideomycetes_Botryosphaerales_Botryosphaeriaceae_Botryosphaeria	0.0097	0.0118	-	0.0014	0.0323	0.0294	-	0.0134
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae_Passalora	-	0.0294	-	0.0020	-	0.0588	-	0.0128
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Togniniaceae_Phaeoacremonium	-	-	0.0087	0.0006	-	-	0.0652	0.0142
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Sarocladium	-	-	0.0087	0.0006	-	-	0.0652	0.0142
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Geopyxis	-	0.1235	-	0.0083	-	0.0294	-	0.0064
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Thysanophora	0.0161	0.0029	-	0.0013	0.0323	0.0294	-	0.0134
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Agaricus	-	0.0176	0.0304	0.0032	-	0.0294	0.0217	0.0111
Zygomycota_Incertaesedis_Endogonales_Endogonaceae_Endogone	0.0097	0.0029	-	0.0009	0.0323	0.0294	-	0.0134
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae_Hymenopellis	0.0032	0.0088	-	0.0008	0.0323	0.0294	-	0.0134
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Ceratocystidaceae_Ceratocystis	0.0032	0.0059	-	0.0006	0.0323	0.0294	-	0.0134
Ascomycota_Dothideomycetes_Dothideales_Dothioraceae_Sydowia	0.0032	-	0.0261	0.0020	0.0323	-	0.0217	0.0117
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Plectosphaerellaceae_unidentified	-	0.0294	0.0065	0.0024	-	0.0294	0.0217	0.0111
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Phialea	-	0.0059	0.0283	0.0023	-	0.0294	0.0217	0.0111
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Sagenomella	0.0935	-	-	0.0063	0.0323	-	-	0.0070
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae_Ramichloridium	0.0903	-	-	0.0061	0.0323	-	-	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae_unidentified	0.0903	-	-	0.0061	0.0323	-	-	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Schizoporaceae_Xylodon	0.0903	-	-	0.0061	0.0323	-	-	0.0070
Basidiomycota_Incertaesedis_Malasseziales_unidentified_unidentified	0.0903	-	-	0.0061	0.0323	-	-	0.0070
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_unidentified_unidentified	0.0065	-	0.0130	0.0013	0.0323	-	0.0217	0.0117
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hypholoma	-	0.0118	0.0152	0.0018	-	0.0294	0.0217	0.0111
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Pseudeurotiaceae_Leuconeurospora	0.0065	-	0.0087	0.0010	0.0323	-	0.0217	0.0117
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales_Claroideoglomeraceae_unidentified	-	0.0912	-	0.0062	-	0.0294	-	0.0064
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae_Cordyceps	-	0.0176	0.0022	0.0013	-	0.0294	0.0217	0.0111
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales_Archaeosporaceae_unidentified	-	0.0088	0.0109	0.0013	-	0.0294	0.0217	0.0111
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Bondarzewiaceae_Heterobasidion	0.0065	-	0.0022	0.0006	0.0323	-	0.0217	0.0117
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_Rhytismataceae_Coccomyces	-	-	0.0391	0.0026	-	-	0.0435	0.0094
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Cudoniella	-	0.0088	0.0043	0.0009	-	0.0294	0.0217	0.0111
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Diaporthaceae_Phomopsis	-	-	0.0370	0.0025	-	-	0.0435	0.0094
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_unidentified_unidentified	-	-	0.0326	0.0022	-	-	0.0435	0.0094
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Macrolepiota	0.0677	-	-	0.0046	0.0323	-	-	0.0070

Genus	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Glomeromycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified	-	0.0029	0.0022	0.0003	-	0.0294	0.0217	0.0111
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae_Xenostigmina	0.0645	-	-	0.0044	0.0323	-	-	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Clitocybe	0.0645	-	-	0.0044	0.0323	-	-	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Paxillaceae_Paxillus	-	-	0.0283	0.0019	-	-	0.0435	0.0094
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Melanophyllum	0.0613	-	-	0.0041	0.0323	-	-	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_Incertaesedis_Oliveonia	0.0613	-	-	0.0041	0.0323	-	-	0.0070
Ascomycota_Orbiliomycetes_Orbiliales_Orbiliaceae_Dactylellina	-	-	0.0196	0.0013	-	-	0.0435	0.0094
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Amphispheeriaceae_Pestalotiopsis	-	-	0.0196	0.0013	-	-	0.0435	0.0094
Ascomycota_Eurotiomycetes_Onygenales_Onygenaceae_Amauroascus	0.0548	-	-	0.0037	0.0323	-	-	0.0070
Ascomycota_Orbiliomycetes_Orbiliales_Orbiliaceae_Dactylella	-	-	0.0109	0.0007	-	-	0.0435	0.0094
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales_unidentified_unidentified	-	-	0.0109	0.0007	-	-	0.0435	0.0094
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Arachnopeziza	-	-	0.0087	0.0006	-	-	0.0435	0.0094
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Dipodascaceae_Galactomyces	-	-	0.0087	0.0006	-	-	0.0435	0.0094
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Botryobasidiaceae_Botryobasidium	-	-	0.0087	0.0006	-	-	0.0435	0.0094
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Corynesporascaceae_Corynespora	0.0419	-	-	0.0028	0.0323	-	-	0.0070
Basidiomycota_Tremellomycetes_Cystofilobasidiales_Cystofilobasidiaceae_unidentified	0.0419	-	-	0.0028	0.0323	-	-	0.0070
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Petrakia	-	0.0471	-	0.0032	-	0.0294	-	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrocybe	-	0.0471	-	0.0032	-	0.0294	-	0.0064
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales_Gloniaceae_unidentified	0.0355	-	-	0.0024	0.0323	-	-	0.0070
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Herpotrichiellaceae_unidentified	0.0323	-	-	0.0022	0.0323	-	-	0.0070
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Glomerellaceae_Colletotrichum	-	0.0412	-	0.0028	-	0.0294	-	0.0064
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Thozetella	0.0290	-	-	0.0020	0.0323	-	-	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Lepiota	0.0290	-	-	0.0020	0.0323	-	-	0.0070
Glomeromycota_Glomeromycetes_Diversisporales_Acaulosporaceae_unidentified	-	0.0324	-	0.0022	-	0.0294	-	0.0064
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Sclerotiniaceae_Botrytis	0.0226	-	-	0.0015	0.0323	-	-	0.0070
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae_unidentified	0.0226	-	-	0.0015	0.0323	-	-	0.0070
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Articulospora	0.0161	-	-	0.0011	0.0323	-	-	0.0070
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Metacordyceps	0.0161	-	-	0.0011	0.0323	-	-	0.0070
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Pleurophragmium	-	0.0235	-	0.0016	-	0.0294	-	0.0064
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Ophiocordycipitaceae_Ophiocordyceps	-	0.0235	-	0.0016	-	0.0294	-	0.0064

Genus	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Polyporaceae_Daedaleopsis	-	0.0235	-	0.0016	-	0.0294	-	0.0064
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_unidentified	0.0129	-	-	0.0009	0.0323	-	-	0.0070
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae_Akanthomyces	0.0129	-	-	0.0009	0.0323	-	-	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Hemimycena	0.0129	-	-	0.0009	0.0323	-	-	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Gymnopus	-	-	0.0457	0.0031	-	-	0.0217	0.0047
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Pseudoclathrosphaerina	-	0.0206	-	0.0014	-	0.0294	-	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Cotylidia	0.0097	-	-	0.0007	0.0323	-	-	0.0070
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae_Lecanicillium	-	0.0176	-	0.0012	-	0.0294	-	0.0064
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Trichothecium	-	0.0176	-	0.0012	-	0.0294	-	0.0064
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Cephalosporium	-	0.0147	-	0.0010	-	0.0294	-	0.0064
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Pseudeurotiaceae_Pseudeurotium	0.0032	-	-	0.0002	0.0323	-	-	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Cystoderma	0.0032	-	-	0.0002	0.0323	-	-	0.0070
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Mucoraceae_unidentified	0.0032	-	-	0.0002	0.0323	-	-	0.0070
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Gloeotinia	-	-	0.0370	0.0025	-	-	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Repetobasidiaceae_Rickenella	-	-	0.0370	0.0025	-	-	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meruliaceae_Hypochnicium	-	-	0.0326	0.0022	-	-	0.0217	0.0047
Ascomycota_Saccharomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	-	0.0059	-	0.0004	-	0.0294	-	0.0064
Ascomycota_Dothideomycetes_Botryosphaerales_Botryosphaeriaceae_Neofusicoccum	-	0.0029	-	0.0002	-	0.0294	-	0.0064
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Triscelophorus	-	0.0029	-	0.0002	-	0.0294	-	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Psathyrellaceae_Coprinellus	-	0.0029	-	0.0002	-	0.0294	-	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_unidentified_unidentified	-	0.0029	-	0.0002	-	0.0294	-	0.0064
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaerales_Chaetosphaeriaceae_Zignoella	-	-	0.0261	0.0018	-	-	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Phallales_Phallaceae_Phallus	-	-	0.0261	0.0018	-	-	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Tylopilus	-	-	0.0239	0.0016	-	-	0.0217	0.0047
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales_unidentified_unidentified	-	-	0.0196	0.0013	-	-	0.0217	0.0047
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Mytiliniaceae_Lophium	-	-	0.0152	0.0010	-	-	0.0217	0.0047
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Phaeosphaeriaceae_unidentified	-	-	0.0109	0.0007	-	-	0.0217	0.0047
Ascomycota_Orbiliomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	-	-	0.0087	0.0006	-	-	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Exobasidiomycetes_Microstromatales_Microstromataceae_Sympodiomyopsis	-	-	0.0087	0.0006	-	-	0.0217	0.0047

Genus	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Basidiomycota_Tremellomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	-	-	0.0087	0.0006	-	-	0.0217	0.0047
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Montagnulaceae_Paraconiothyrium	-	-	0.0065	0.0004	-	-	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Amaurodon	-	-	0.0065	0.0004	-	-	0.0217	0.0047
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Pleosporaceae_Alternaria	-	-	0.0043	0.0003	-	-	0.0217	0.0047
Ascomycota_Lecanoromycetes_Teloschistales_Teloschistaceae_Sirenophila	-	-	0.0043	0.0003	-	-	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Pseudoomphalina	-	-	0.0043	0.0003	-	-	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Polyporaceae_Diplomitoporus	-	-	0.0043	0.0003	-	-	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricostilbomycetes_Agaricostilbales_unidentified_unidentified	-	-	0.0043	0.0003	-	-	0.0217	0.0047
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Rutstroemiaceae_Scleromitrla	-	-	0.0022	0.0001	-	-	0.0217	0.0047
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Xylariaceae_Obolarina	-	-	0.0022	0.0001	-	-	0.0217	0.0047

f) Species

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_uncultured_Lactarius	67.3000	166.0529	74.9652	20.8042	6.0645	11.3235	6.4348	5.1748
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_fungus	34.4548	27.0706	14.8696	5.1549	16.2581	14.7353	13.3696	9.6366
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_ochroleuca	7.0258	9.3176	35.3457	3.4878	3.3226	3.8235	8.4565	3.3892
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Pyronemataceae_sp	4.1935	41.6794	12.6891	3.9516	1.8710	5.1471	3.0435	2.1856
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_firmula	48.1742	6.9676	0.1587	3.7315	6.2258	1.3235	0.2174	1.6871
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Helotiales_sp_3_BB_2010	4.6548	8.2059	26.9804	2.6883	1.3226	2.4118	6.0217	2.1192
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycenaceae_sp	3.9355	1.2441	41.1565	3.1266	1.0645	0.7059	5.0217	1.4754
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_quietus	0.2194	9.3588	35.4130	3.0358	0.2581	1.9706	4.1739	1.3908
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_uncultured_Russula	7.3581	2.0088	13.0174	1.5104	2.9355	1.8235	5.3696	2.2001
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_uncultured_Hyaloscyphaceae	8.6032	10.8176	3.6500	1.5567	2.8387	4.8824	2.1739	2.1494
Ascomycota_Leotiomycetes_unidentified_unidentified_uncultured_Leotiomycetes	0.5258	8.0235	10.7652	1.3033	0.5161	4.5000	5.2826	2.2371
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_uncultured_Mycena	7.2645	5.5824	3.6348	1.1121	3.2903	2.3529	2.4565	1.7595
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Sebacina_sp	22.5903	3.4118	0.2043	1.7683	3.2258	1.3529	0.2826	1.0560
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_uncultured_Tomentella	8.2484	5.9353	4.5152	1.2617	2.7742	2.3824	1.7609	1.5026
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_sp_1_KO_2013	18.3645	6.8529	2.8978	1.8971	1.7097	1.0882	0.7826	0.7778
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaedis_Tetracladium_sp	4.8516	16.8735	0.1087	1.4733	1.6774	3.3824	0.2609	1.1558
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_Helotiales_sp	4.3645	3.6647	2.2217	0.6917	2.6774	2.3529	2.6087	1.6594
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrophorus_pustulatus	13.8000	8.5471	0.0348	1.5102	2.5161	0.7059	0.1304	0.7282
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_uncultured_Thelephoraceae	2.6161	9.5324	6.6739	1.2701	1.2581	1.7647	1.0652	0.8880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_uncultured_Inocybe	10.3387	6.5765	0.0870	1.1472	2.2903	1.7647	0.1957	0.9233
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Xerocomus_sp	1.6581	1.2059	19.0391	1.4779	0.3871	0.2647	1.6522	0.5005
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales_Gloniaceae_uncultured_Cenococcum	3.8806	1.3029	3.6652	0.5971	2.1613	1.1471	2.7391	1.3136
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_sp	2.3129	3.2412	8.0543	0.9182	0.9677	1.4118	1.7826	0.9041
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Thelephoraceae_sp	4.4258	2.9971	1.2348	0.5842	2.7419	0.8529	0.3913	0.8659
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Atheliaceae_sp	2.3903	4.9794	2.0130	0.6331	1.1290	1.7353	0.6304	0.7591
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_sp_KO_2013	5.0516	0.5912	5.1783	0.7302	1.3226	0.3235	1.1739	0.6126
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russulaceae_sp	4.1065	0.5176	5.9500	0.7135	1.3548	0.4412	0.8261	0.5696
Ascomycota_Dothideomycetes_unidentified_unidentified_Dothideomycetes_sp	3.0710	1.6147	0.5087	0.3505	2.4516	1.0588	0.6522	0.9042

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_uncultured_Helotiales	0.5774	1.6147	1.7413	0.2654	1.0000	1.5000	1.8261	0.9397
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Meliniomyces_sp	2.0355	2.0618	0.1587	0.2872	1.3548	2.0882	0.5870	0.8754
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_integra	8.7097	0.0088	1.0587	0.6597	1.8387	0.0294	0.2826	0.4672
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_uncultured_Tylospora	9.3387	0.0794	0.0065	0.6359	1.7419	0.2353	0.0217	0.4342
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_Ascomycota_sp_6_RB_2011	0.4548	0.0882	8.8652	0.6348	0.1613	0.1765	1.5000	0.3992
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_Hydodontaceae_Trechispora_sp	1.1677	0.0412	8.0652	0.6258	0.2903	0.1176	1.3696	0.3861
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_uncultured_Xerocomus	0.2581	0.3471	5.8978	0.4388	0.1613	0.3529	1.9783	0.5414
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_Cryptosporiopsis_ericae	1.1677	2.0324	0.0283	0.2178	1.3548	1.6765	0.0870	0.6774
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_uncultured_Amphinema	1.4774	0.7765	3.6087	0.3956	0.9355	0.5000	0.8043	0.4865
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_cf_aeruginea_E00186067	0.0226	0.1676	7.3848	0.5111	0.0323	0.1765	1.4783	0.3665
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Thelephora_castanea	1.1774	1.5118	3.6152	0.4254	0.5161	0.7059	0.7826	0.4354
Basidiomycota_Agaricomycetes_unidentified_unidentified_uncultured_Agaricomycetes	0.3290	0.0647	4.5130	0.3311	0.7097	0.2059	1.4565	0.5153
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_Helotiales_sp_1_MV_2011	2.4613	0.0000	6.1674	0.5822	0.2903	0.0000	0.9130	0.2614
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Lachnum_sp_ECHh	0.5419	4.9235	4.1152	0.6465	0.1613	0.3824	0.3478	0.1936
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Sebacinaceae_sp	4.1097	1.7176	0.0174	0.3944	1.2581	0.7353	0.0435	0.4424
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_uncultured_Helotiaceae	1.6710	0.2088	4.0217	0.3982	0.6774	0.1765	1.0870	0.4216
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Sebacina_incrustans	3.5258	5.2500	0.0739	0.5971	0.4516	0.3529	0.1522	0.2078
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_sp	1.4742	0.5618	0.1609	0.1482	1.3226	1.1176	0.3913	0.6151
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_Dermateaceae_sp_KO_2013	0.0097	1.2706	4.4000	0.3833	0.0645	0.4118	1.1957	0.3632
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Lachnum_sp	0.4387	0.0382	4.9913	0.3690	0.1935	0.0882	1.4130	0.3682
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Meliniomyces_bicolor	1.0935	2.2971	0.8000	0.2828	0.7742	0.5588	0.6304	0.4265
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrophorus_unicolor	3.7935	2.2735	0.1652	0.4205	0.7742	0.5000	0.0435	0.2862
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_unidentified_Pleosporales_sp	1.5032	1.9265	0.1674	0.2427	0.9677	0.9706	0.1957	0.4635
Ascomycota_Leotiomycetes_unidentified_unidentified_Leotiomycetes_sp	0.7742	0.0529	4.6696	0.3709	0.2581	0.1176	1.1522	0.3319
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_sp	3.6419	0.6088	0.0804	0.2923	1.2581	0.3235	0.2609	0.4002
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Tylospora_asterophora	5.5935	0.0559	0.0630	0.3855	1.1290	0.1471	0.0870	0.2961
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_sp	2.4000	0.8118	0.4065	0.2441	1.2258	0.5294	0.2174	0.4285
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_uncultured_Wilcoxina	4.0839	0.8441	0.1674	0.3438	1.1935	0.2059	0.0870	0.3229
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_blennius	0.8032	5.3412	0.0674	0.4191	0.2903	0.6176	0.1739	0.2350
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_scrobiculatus	7.3774	0.0088	0.0652	0.5028	0.5161	0.0294	0.1304	0.1468

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae_Armillaria_cepistipes	3.5710	3.8471	0.0761	0.5057	0.3871	0.1176	0.0652	0.1238
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_uncultured_Hygrophorus	2.6645	0.7294	0.0000	0.2290	1.2581	0.4706	0.0000	0.3755
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_albidolilacea	2.1903	2.0824	0.1109	0.2958	0.6129	0.6176	0.1304	0.2956
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybaceae_sp	1.8516	0.3706	0.2957	0.1699	1.0323	0.3824	0.5000	0.4159
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Agrocybe_erebia	1.6452	1.8735	0.0196	0.2387	0.6129	0.9412	0.0435	0.3470
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_uncultured_Mortierella	1.7839	1.0882	0.2239	0.2089	0.7742	0.5882	0.3696	0.3762
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Sebacina_epigaea	2.9097	1.2353	0.0739	0.2847	0.7742	0.5294	0.0435	0.2926
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Tricholoma_lascivum	5.5548	0.0059	0.0087	0.3758	0.8710	0.0294	0.0217	0.2003
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_Pezizomycotina	0.3419	0.5824	0.6174	0.1040	0.5484	0.7059	0.8696	0.4613
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Pseudeurotiaceae_Pseudogymnoascus_pannorum	0.6387	0.4235	0.1304	0.0805	0.9032	0.8824	0.3478	0.4634
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_uncultured_Laccaria	0.7194	0.3500	2.2391	0.2232	0.3871	0.4118	0.6522	0.3152
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_uncultured_Ilyonectria	0.6935	1.5853	0.0674	0.1583	0.6452	0.8235	0.1957	0.3615
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae_Oidiodendron_maius	0.4645	0.2294	1.4522	0.1448	0.4194	0.3824	0.8913	0.3678
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Chaetomiaceae_Trichocladium_opacum	0.6871	0.4882	1.4304	0.1758	0.5806	0.6765	0.2609	0.3297
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae_Clavulina_sp	0.0871	3.2971	0.5609	0.2662	0.0968	0.5882	0.3913	0.2338
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Varicosporium_elodeae	0.3742	2.0324	0.0370	0.1649	0.2903	1.0294	0.1522	0.3197
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_unidentified_Atheliales_sp	1.3355	0.2647	0.0087	0.1086	1.2581	0.4118	0.0217	0.3674
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_unidentified_uncultured_Resinicium	2.8194	0.1265	1.2283	0.2817	0.4516	0.1176	0.2609	0.1803
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_uncultured_Meliniomyces	0.6323	0.0853	0.9696	0.1138	0.4839	0.1176	1.0000	0.3479
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae_Clavulinaceae_sp	1.9097	0.5794	0.0065	0.1684	0.7419	0.5588	0.0435	0.2920
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_puberulum	1.0032	0.5735	1.5196	0.2089	0.4839	0.2647	0.3696	0.2429
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Discinaceae_Hydnotrya_sp	0.1226	0.3441	3.7587	0.2851	0.0645	0.1471	0.5217	0.1593
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Elaphomyetaceae_Elaphomyetaceae_sp	0.0645	0.0735	1.8478	0.1340	0.1935	0.1471	1.0652	0.3054
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Acephala_macrosclerotiorum	0.2871	0.0118	2.5261	0.1906	0.1613	0.0882	0.8696	0.2431
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Piloderma_lanatum	1.9710	0.3588	0.0000	0.1572	0.9355	0.3235	0.0000	0.2735
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_uncultured_Cortinarius	1.5065	1.4794	0.2478	0.2182	0.5484	0.2059	0.1957	0.2063
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Geomyces_auratus	0.3194	0.1794	0.1913	0.0466	0.5806	0.5882	0.5000	0.3625
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_unidentified_Trechisporales_sp	0.8774	0.1559	0.4413	0.0995	0.6452	0.2941	0.4783	0.3079
Ascomycota_Dothideomycetes_unidentified_unidentified_uncultured_Dothideomycetes	0.2645	0.5118	0.2326	0.0681	0.3548	1.0000	0.1739	0.3321
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_uncultured_Thelephora	0.8129	0.7471	0.1261	0.1138	0.4839	0.5882	0.2391	0.2848

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_unidentified_uncultured_Trechisporales	0.2323	0.0824	0.4261	0.0500	0.3226	0.2353	1.0217	0.3431
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_uncultured_Phialocephala_fortinii	0.3742	0.0853	0.4826	0.0636	0.4839	0.1471	0.8261	0.3165
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Discinaceae_Hydnotrya_tulasnei	0.0677	0.0000	1.5065	0.1062	0.0645	0.0000	1.1957	0.2737
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Chalara_sp	0.1097	1.7941	0.0196	0.1298	0.2903	0.7941	0.0435	0.2450
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_maculata	1.6097	2.1500	0.0000	0.2537	0.2258	0.3235	0.0000	0.1193
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_Helotiales_sp_GMU_LL_02_B4	0.6097	2.1794	0.0370	0.1907	0.3871	0.2941	0.1087	0.1716
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_sindonia	4.0226	0.0000	0.0022	0.2716	0.3871	0.0000	0.0217	0.0888
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactifluus_vellereus	0.0000	0.0176	4.1717	0.2827	0.0000	0.0294	0.3261	0.0772
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae_Laccaria_sp	0.4161	0.5147	1.7152	0.1785	0.1935	0.1176	0.5000	0.1762
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_sp	0.3161	0.0529	1.6413	0.1357	0.4194	0.1176	0.4130	0.2064
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_macrozystis	0.0452	0.1147	0.8674	0.0693	0.1935	0.3235	0.6957	0.2634
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_Helotiales_sp_1_KO_2013	0.0484	0.0206	1.4674	0.1037	0.0323	0.0294	0.9565	0.2212
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella_sp	1.2806	0.1382	0.1109	0.1032	0.7097	0.1765	0.1304	0.2208
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Scutellinia_sp	0.0000	3.5324	0.0000	0.2384	0.0000	0.2941	0.0000	0.0639
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_soil_fungus	0.3516	0.4294	0.4870	0.0856	0.2581	0.3235	0.4130	0.2161
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Athelopsis_lembospora	0.6258	0.8412	0.0087	0.0996	0.6452	0.2353	0.0217	0.1960
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_sp_H12	0.0000	0.0029	3.1804	0.2148	0.0000	0.0294	0.3261	0.0772
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_Ascomycota_sp	0.3323	0.2206	0.2174	0.0520	0.3226	0.5000	0.2609	0.2353
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_uncultured_Sebacina	0.4290	0.4176	0.0043	0.0574	0.6774	0.3529	0.0217	0.2285
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae_Laccaria_amethystina	0.6161	0.4676	0.9413	0.1366	0.1613	0.1176	0.3696	0.1409
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_Cryptosporiopsis_sp	0.0452	0.2441	0.8239	0.0751	0.2258	0.1176	0.5870	0.2021
Ascomycota_Sordariomycetes_unidentified_unidentified_Sordariomycetes_sp	0.1419	0.4000	0.0130	0.0374	0.2258	0.7941	0.0652	0.2357
Basidiomycota_Tremellomycetes_Trichosporonales_Trichosporonaceae_Trichosporon_sp	0.3871	0.7412	0.0087	0.0767	0.4194	0.4412	0.0435	0.1964
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_petiginosa	0.9032	1.0412	0.0000	0.1312	0.2258	0.4118	0.0000	0.1385
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Tetracladium_furcatum	0.4097	0.7382	0.0000	0.0775	0.2581	0.6176	0.0000	0.1902
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_sp	0.6097	0.5206	0.0065	0.0767	0.5484	0.2647	0.0435	0.1861
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_fellea	0.0355	0.1441	0.9696	0.0775	0.0645	0.0882	0.6739	0.1796
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Humaria_sp	0.3677	0.8118	0.0043	0.0799	0.3871	0.3824	0.0435	0.1766
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Sebacina_cystidiata	0.8710	0.6676	1.0370	0.1738	0.1935	0.1176	0.0652	0.0818
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrophorus_sp_HyG1_X_09	1.6903	0.0029	0.0043	0.1145	0.5806	0.0294	0.0217	0.1372

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Roesleriaceae_Roesleria_sp	1.1097	0.2794	0.2022	0.1074	0.3548	0.2647	0.0435	0.1440
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Mycenella_sp	0.5548	0.2706	0.0304	0.0578	0.5161	0.3529	0.0217	0.1935
Basidiomycota_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_Agaricomycotina	0.0387	0.0265	1.9739	0.1376	0.0968	0.0294	0.3913	0.1124
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae_Oidiodendron_sp	0.1226	0.0794	0.3196	0.0352	0.2258	0.1471	0.6087	0.2132
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Paxillaceae_Melanogaster_intermedius	0.1258	0.0000	2.6435	0.1869	0.0323	0.0000	0.2391	0.0590
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella_sp_2_BB_2010	1.6323	0.0294	0.0978	0.1187	0.3226	0.0882	0.1739	0.1270
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Scytalidium_lignicola	0.5387	0.7235	0.0826	0.0907	0.1935	0.4706	0.0435	0.1537
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae_uncultured_Oidiodendron	0.0194	0.0912	0.6500	0.0513	0.0968	0.0882	0.6957	0.1913
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Cadophora_sp_6e51_2	0.2065	0.7029	0.0174	0.0625	0.2903	0.5000	0.0217	0.1764
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_uncultured_Phialocephala	0.1387	0.0294	0.0652	0.0157	0.4839	0.1765	0.3478	0.2190
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meruliaceae_Scopuloides_hydroides	1.2839	0.1941	0.0304	0.1018	0.3226	0.2353	0.0435	0.1306
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Chaetosphaeria_hebetiseta	1.3355	0.5853	0.1348	0.1387	0.1935	0.1765	0.0435	0.0898
Ascomycota_Lecanoromycetes_unidentified_unidentified_Lecanoromycetes_sp	0.0000	0.2000	0.4217	0.0420	0.0000	0.2647	0.5870	0.1850
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales_Gloniaceae_Cenococcum_geophilum	0.4968	0.0353	0.1826	0.0482	0.3226	0.0588	0.4348	0.1773
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae_Oidiodendron_sp_shylm118	0.1032	0.0706	0.4826	0.0443	0.1935	0.2059	0.4348	0.1812
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_grass_root_mycorrhizal_sp_PPO_2	0.0129	0.0441	1.5109	0.1058	0.0323	0.0588	0.4130	0.1095
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_sapinea	1.1290	0.0000	0.0152	0.0772	0.6129	0.0000	0.0217	0.1379
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Ilyonectria_crassa	0.1645	0.5559	0.0196	0.0499	0.1935	0.5000	0.0652	0.1648
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Leptosphaeriaceae_uncultured_Leptosphaeria	0.0097	0.8647	0.0109	0.0597	0.0323	0.6471	0.0217	0.1523
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_unidentified_Agaricales_sp	0.8806	0.0471	0.0239	0.0642	0.5161	0.0882	0.0652	0.1454
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_cf_asterospora_EL14305	0.0000	2.3471	0.0000	0.1584	0.0000	0.2353	0.0000	0.0511
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_sp	0.5419	0.4235	0.1109	0.0726	0.2581	0.2353	0.1304	0.1355
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Umbelopsidaceae_Umbelopsis_sp_XYL_2013	0.0000	1.0059	0.2587	0.0853	0.0000	0.1176	0.4348	0.1200
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Genea_hispidula	0.0065	0.0471	1.0696	0.0758	0.0323	0.1176	0.3913	0.1176
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_uncultured_Tarzettia	0.3194	0.1765	0.0000	0.0335	0.3548	0.3529	0.0000	0.1537
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_Ascomycota	0.4419	0.0588	0.1783	0.0458	0.3548	0.0882	0.1957	0.1387
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_unidentified_Chaetothyriales_sp	0.2419	0.1824	0.0674	0.0332	0.2581	0.2941	0.1304	0.1483
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_fulvissimus	0.9710	0.2088	0.0065	0.0800	0.3226	0.1176	0.0217	0.1003
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_flavoalba	1.1032	0.1529	0.0000	0.0848	0.3226	0.1176	0.0000	0.0956

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrophorus_discoxanthus	1.2742	0.1000	0.0391	0.0954	0.3226	0.0294	0.0217	0.0812
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Herpotrichiellaceae_Cladophialophora_sp	0.1774	0.2176	0.0152	0.0277	0.2581	0.3529	0.0652	0.1469
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Cadophora_finlandica	0.0903	0.1382	0.1457	0.0253	0.1935	0.1176	0.3696	0.1479
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_acrifolia	1.0839	0.0147	0.0000	0.0741	0.4194	0.0294	0.0000	0.0975
Basidiomycota_Agaricomycetes_unidentified_unidentified_Agaricomycetes_sp	0.2613	0.0265	0.2652	0.0373	0.2581	0.0882	0.2609	0.1319
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_arcangeliana	0.0129	0.0176	1.5000	0.1033	0.0323	0.0294	0.2391	0.0653
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_rubescens	0.0000	0.2206	0.6217	0.0568	0.0000	0.2059	0.3043	0.1108
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_sp_6807_R1	0.1806	0.4441	0.0130	0.0430	0.3226	0.2059	0.0435	0.1242
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Boletus_badius	0.0226	0.0000	1.1978	0.0823	0.0645	0.0000	0.3261	0.0848
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Pseudotomentella_sp	0.7387	0.0000	0.6283	0.0922	0.2581	0.0000	0.0652	0.0702
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_uncultured_Atheliaceae	0.6516	0.1441	0.0065	0.0541	0.3226	0.1471	0.0217	0.1067
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_Fungi_sp	0.5806	0.0912	0.0065	0.0458	0.3871	0.1176	0.0217	0.1144
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_uncultured_Boletus	0.0000	0.0088	0.3087	0.0214	0.0000	0.0294	0.6087	0.1386
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_zonata	0.1032	0.0824	0.0565	0.0163	0.2581	0.2059	0.1957	0.1433
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_sp_Ph4_4F09	0.0452	0.0059	0.1826	0.0158	0.1935	0.0588	0.3913	0.1398
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrophorus_discoideus	0.8129	0.5735	0.0043	0.0938	0.1613	0.0882	0.0217	0.0589
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_Cryptosporiopsis_sp_1_KO_2013	0.1806	0.2147	0.0000	0.0267	0.2581	0.2941	0.0000	0.1199
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_cf_fortinii_CSP08	0.0194	0.0088	0.2674	0.0199	0.0645	0.0588	0.4565	0.1260
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae_uncultured_Clavulina	0.3419	0.0088	0.0435	0.0266	0.4516	0.0294	0.0652	0.1187
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_Dermateaceae_sp	0.3968	0.0706	0.0043	0.0318	0.3226	0.1471	0.0217	0.1067
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_uncultured_Pseudotomentella	0.0000	0.0000	1.6957	0.1144	0.0000	0.0000	0.1087	0.0236
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_romagnesii	0.6097	0.4412	0.0000	0.0709	0.1613	0.1471	0.0000	0.0670
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_albomarginata	0.4355	0.1235	0.0000	0.0377	0.2581	0.1765	0.0000	0.0944
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_uncultured_Sebacinaceae	0.4226	0.1971	0.0391	0.0445	0.1613	0.1765	0.0652	0.0875
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_sp_FSU_10533	0.0839	0.0206	0.1478	0.0170	0.1613	0.0588	0.3043	0.1139
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_rapaeodorum	0.0419	1.1324	0.0196	0.0806	0.0323	0.1765	0.0217	0.0501
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_unidentified_Auriculariales_sp	0.0419	0.1088	0.7283	0.0593	0.0645	0.0882	0.1739	0.0710
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_FR_F9	0.0710	0.1441	0.3152	0.0358	0.1290	0.0882	0.2174	0.0944
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_minutissima	0.2419	0.0971	0.0217	0.0243	0.2258	0.1471	0.1087	0.1046
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_geophylla	0.4903	0.2412	0.0043	0.0497	0.1935	0.1471	0.0217	0.0787

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Agrocybe_praecox	0.0000	1.4059	0.0000	0.0949	0.0000	0.1471	0.0000	0.0319
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Leptodontidium_sp	0.0387	0.2882	0.1196	0.0301	0.0645	0.2647	0.1087	0.0951
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Hyaloscyphaceae_sp	0.0871	0.0000	0.8674	0.0644	0.0968	0.0000	0.1739	0.0588
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_unidentified_Mortierellales_sp	0.1806	0.0618	0.0587	0.0203	0.1935	0.1471	0.1304	0.1023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Xenasmataceae_Xenasmatella_sp	1.2645	0.0000	0.0674	0.0899	0.1290	0.0000	0.0217	0.0328
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Hydniaceae_Hydnum_ellipsosporum	0.9839	0.0059	0.0000	0.0668	0.2258	0.0294	0.0000	0.0554
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Tetracladium_maxilliforme	0.1645	0.5529	0.0000	0.0484	0.1290	0.2059	0.0000	0.0728
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_root_fungus	0.8871	0.0206	0.0109	0.0620	0.1613	0.0588	0.0435	0.0573
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae_Hydangiaceae_sp	0.0742	0.0500	0.1674	0.0197	0.0645	0.0882	0.3043	0.0993
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Annulatasceae_Conlarium_sp_KO_2013	0.0194	0.0147	0.4022	0.0294	0.0968	0.0294	0.2826	0.0888
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_Ascomycota_sp_IBWF11_95A	0.0903	0.1941	0.0239	0.0208	0.0968	0.2647	0.0870	0.0974
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_subnudipes	1.3129	0.0000	0.0000	0.0886	0.1290	0.0000	0.0000	0.0280
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanitaceae_sp	0.0065	0.0647	1.2478	0.0890	0.0323	0.0294	0.0652	0.0276
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Niaceae_Flagelloscypha_minutissima	0.1065	0.0824	0.0065	0.0132	0.2903	0.1471	0.0217	0.0997
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_uncultured_Mortierellaceae	0.2000	0.1971	0.0109	0.0275	0.1290	0.2353	0.0217	0.0839
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Entolomataceae_Entoloma_dysthaloides	0.8097	0.3412	0.0000	0.0777	0.0645	0.0882	0.0000	0.0332
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_ectomycorrhizal_fungus	0.0677	0.0941	0.1000	0.0177	0.1290	0.0588	0.2391	0.0928
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Hypocrea_sp	0.0677	0.1471	0.0196	0.0158	0.1935	0.1765	0.0652	0.0945
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_amoenolens	0.0000	0.0000	0.4435	0.0299	0.0000	0.0000	0.3696	0.0803
Ascomycota_Dothideomycetes_Venturiales_Venturiaceae_uncultured_Venturiaceae	0.4742	0.0118	0.0000	0.0328	0.2903	0.0588	0.0000	0.0758
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_xerampelina	0.5258	0.0588	0.0000	0.0394	0.1935	0.1176	0.0000	0.0676
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Togniniaceae_Togninia_vibratilis	0.1129	0.0706	0.0043	0.0127	0.2903	0.1176	0.0217	0.0933
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meripilaceae_Physisporinus_sanguinolentus	0.5129	0.0176	0.0348	0.0381	0.2581	0.0294	0.0217	0.0672
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Naucoria_bohemica	0.0000	0.1353	0.7196	0.0577	0.0000	0.0882	0.1304	0.0475
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_uncultured_Cylindrocarpon	0.0645	0.3029	0.0000	0.0248	0.0645	0.2941	0.0000	0.0779
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Thelephoraceae_sp_P104	0.0226	0.1029	0.5500	0.0456	0.0645	0.0882	0.1087	0.0568
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Bionectriaceae_Bionectria_sp	0.0645	0.0265	0.0630	0.0104	0.1290	0.1176	0.1739	0.0914
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pezizaceae_uncultured_Peziza	0.3258	0.1059	0.0087	0.0297	0.1290	0.1765	0.0217	0.0711
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrophorus_eburneus	0.0000	0.0000	0.9870	0.0666	0.0000	0.0000	0.1522	0.0331
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_olivacea	0.3677	0.0853	0.0000	0.0306	0.2258	0.0882	0.0000	0.0682

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Sarcosomataceae_Urnula_helvelloides	0.0000	0.5588	0.3152	0.0590	0.0000	0.1176	0.0652	0.0397
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella_atroarenicolor	0.4161	0.0235	0.0000	0.0297	0.2581	0.0588	0.0000	0.0688
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_nigricans	0.0484	0.3765	0.3174	0.0501	0.0323	0.1471	0.0435	0.0484
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Neobulgaria_sp	0.0161	0.5618	0.0022	0.0391	0.0323	0.2059	0.0217	0.0565
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_simia	0.0000	0.0118	0.1891	0.0136	0.0000	0.0294	0.3478	0.0819
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_unidentified_uncultured_Phialea	0.1710	0.0000	0.1217	0.0198	0.1290	0.0000	0.2174	0.0753
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Xylariaceae_Xylaria_sp_844	0.4935	0.0941	0.0000	0.0397	0.1935	0.0588	0.0000	0.0548
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Xerocomellus_cisalpinus	0.0000	0.0088	0.2174	0.0153	0.0000	0.0588	0.3043	0.0789
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Hydropus_sp	0.3387	0.2382	0.0000	0.0389	0.1613	0.0882	0.0000	0.0542
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_ericoid_mycorrhizal_sp_PPO_9	0.0000	0.0000	0.3957	0.0267	0.0000	0.0000	0.3043	0.0661
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Arcangeliella_sp	0.0000	0.7059	0.0000	0.0476	0.0000	0.2059	0.0000	0.0447
Ascomycota_Leotiomycetes_Leotiales_Leotiaceae_Leotia_lubrica	0.1065	0.2324	0.0000	0.0229	0.1613	0.1471	0.0000	0.0670
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_veternosa	0.0000	0.0000	1.0370	0.0700	0.0000	0.0000	0.0870	0.0189
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrisseaceae_Acephala_sp	0.0645	0.0235	0.0000	0.0059	0.3226	0.0588	0.0000	0.0828
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Otidea_sp	0.7839	0.0206	0.0000	0.0543	0.1290	0.0294	0.0000	0.0344
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Leohumicola_minima	0.0677	0.3441	0.0000	0.0278	0.0968	0.1765	0.0000	0.0594
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_unidentified_Diaporthales_sp	0.0097	0.0000	0.0891	0.0067	0.0645	0.0000	0.3043	0.0801
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_queletii	0.6516	0.0000	0.0000	0.0440	0.1935	0.0000	0.0000	0.0420
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Entolomataceae_Entoloma_subaraneosum	0.6710	0.1059	0.0000	0.0524	0.0645	0.0882	0.0000	0.0332
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales_Gloniaceae_Cenococcum_sp_Ceno_OI	0.0548	0.1471	0.0196	0.0149	0.0968	0.2059	0.0217	0.0705
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella_sublilacina	0.1065	0.0000	0.2391	0.0233	0.1290	0.0000	0.1522	0.0611
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Trichoderma_asperillum	0.0194	0.0912	0.0130	0.0083	0.0323	0.2059	0.1087	0.0753
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_raistrickii	0.0355	0.0412	0.0674	0.0097	0.0968	0.0882	0.1522	0.0732
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales_Gloniaceae_Cenococcum_sp	0.0452	0.0000	0.0674	0.0076	0.1935	0.0000	0.1522	0.0751
Basidiomycota_Incertaesedis_Malasseziales_Incertaesedis_Malassezia_restricta	0.0871	0.0765	0.2500	0.0279	0.0968	0.0882	0.0652	0.0544
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_parvispora	0.1516	0.0412	0.0022	0.0132	0.2258	0.0588	0.0217	0.0666
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Cephalothecaceae_Cephalotheca_sp	0.0290	0.0647	0.0152	0.0074	0.0323	0.2353	0.0652	0.0723
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae_Oidiodendron_flavum	0.0290	0.0029	0.1761	0.0140	0.0323	0.0294	0.2391	0.0653
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Chalara_microchona	0.1161	0.0294	0.0000	0.0098	0.2581	0.0588	0.0000	0.0688
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_badia	0.0000	0.0000	0.8087	0.0546	0.0000	0.0000	0.1087	0.0236

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_viscida	0.0613	0.6147	0.0000	0.0456	0.0323	0.1176	0.0000	0.0326
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Sebacina_sp_151	0.5516	0.0882	0.0000	0.0432	0.0968	0.0588	0.0000	0.0338
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Varicosporium_sp	0.0000	0.8471	0.0000	0.0572	0.0000	0.0882	0.0000	0.0192
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_uncultured_Chlorencoelia	0.1484	0.0000	0.5978	0.0504	0.0323	0.0000	0.0870	0.0259
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_sp_12NJ01	0.1290	0.1118	0.0043	0.0165	0.0968	0.1471	0.0217	0.0577
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_unidentified_Sporidiobolales_sp	0.0387	0.0588	0.0435	0.0095	0.1290	0.0588	0.1087	0.0644
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_grata	0.0645	0.2500	0.0000	0.0212	0.0645	0.1765	0.0000	0.0523
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_fragilis	0.0000	0.0000	0.4500	0.0304	0.0000	0.0000	0.1957	0.0425
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Infundichalara_sp	0.0290	0.0000	0.2457	0.0185	0.0323	0.0000	0.2174	0.0542
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_pseudoreducta	0.5581	0.0000	0.0000	0.0377	0.1613	0.0000	0.0000	0.0350
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales_Incertaesedis_Cryptococcus_sp	0.0226	0.1118	0.0022	0.0092	0.0645	0.2059	0.0217	0.0635
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_pterosporus	0.4419	0.0206	0.0000	0.0312	0.1290	0.0588	0.0000	0.0408
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Geomyces_pannorum	0.0839	0.0294	0.0239	0.0093	0.0968	0.1471	0.0435	0.0624
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Mycenella_trachyspora	0.1129	0.0971	0.0196	0.0155	0.0968	0.1176	0.0435	0.0560
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Ilyonectria_robusta	0.0677	0.1118	0.0000	0.0121	0.0968	0.1765	0.0000	0.0594
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierellaceae_sp	0.0000	0.2176	0.0087	0.0153	0.0000	0.2353	0.0217	0.0558
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Amphinema_sp_5_UK_2011	0.1290	0.5265	0.0000	0.0442	0.0645	0.0588	0.0000	0.0268
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Tarzetta_sp_P9	0.1935	0.0647	0.0000	0.0174	0.1290	0.1176	0.0000	0.0536
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_uncultured_Octaviania	0.0323	0.3324	0.0283	0.0265	0.0323	0.1471	0.0217	0.0437
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Umbelopsidaceae_Umbelopsis_sp	0.0000	0.0265	0.1674	0.0131	0.0000	0.0882	0.1739	0.0569
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_sp_09CT01	0.0000	0.3294	0.0413	0.0250	0.0000	0.1176	0.0870	0.0444
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Lycoperdon_pyriforme	0.7097	0.0000	0.0000	0.0479	0.0968	0.0000	0.0000	0.0210
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_fluens	0.0968	0.0324	0.0000	0.0087	0.1290	0.1471	0.0000	0.0600
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Xenopolyscytalum_sp	0.2419	0.1147	0.0065	0.0245	0.0968	0.0588	0.0435	0.0432
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_erinaceomorpha	0.0387	0.4706	0.0000	0.0344	0.0645	0.0882	0.0000	0.0332
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Chaetomiaceae_Chaetomiaceae_sp	0.1742	0.0441	0.0043	0.0150	0.1290	0.0882	0.0217	0.0519
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_uncultured_Russulaceae	0.0484	0.1000	0.0717	0.0149	0.0645	0.0882	0.0870	0.0521
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Amphinema_sp_T1PK3	0.3613	0.0118	0.0000	0.0252	0.1613	0.0294	0.0000	0.0414
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_APA_2013	0.0387	0.0853	0.0000	0.0084	0.0323	0.2353	0.0000	0.0581
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Belonidium_sulphureum	0.0000	0.2176	0.0000	0.0147	0.0000	0.2353	0.0000	0.0511

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_rufum	0.1742	0.0618	0.0000	0.0159	0.1935	0.0294	0.0000	0.0484
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_unidentified_Xylariales_sp	0.0000	0.0088	0.0783	0.0059	0.0000	0.0294	0.2391	0.0583
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_uncultured_Pleurotopsis	0.7000	0.0324	0.0000	0.0494	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Chaetosphaeria_sp_235_OA_2013	0.0000	0.1235	0.0261	0.0101	0.0000	0.1765	0.0652	0.0525
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Volutella_sp_167_OA_2013	0.1065	0.0265	0.0000	0.0090	0.1290	0.1176	0.0000	0.0536
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_helvetica	0.0903	0.0029	0.0000	0.0063	0.2258	0.0294	0.0000	0.0554
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Acremonium_sp	0.0645	0.0324	0.0000	0.0065	0.1935	0.0588	0.0000	0.0548
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Elaphomycetaceae_Elaphomyces_muricatus	0.0065	0.0000	0.2370	0.0164	0.0323	0.0000	0.1739	0.0448
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Lophiostomataceae_Lophiostoma_sp	0.0000	0.0000	0.6957	0.0469	0.0000	0.0000	0.0652	0.0142
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_subdulcis	0.0000	0.0853	0.0370	0.0082	0.0000	0.0882	0.1522	0.0522
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Tetracladium_sp_1_MV_2011	0.0290	0.1000	0.0000	0.0087	0.0323	0.2059	0.0000	0.0517
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Protoglossum_niveum	0.4742	0.0088	0.0000	0.0326	0.0968	0.0294	0.0000	0.0274
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Helicodendron_sp	0.0000	0.3206	0.0000	0.0216	0.0000	0.1765	0.0000	0.0383
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Byssocorticium_sp	0.0000	0.0000	0.3978	0.0268	0.0000	0.0000	0.1522	0.0331
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_chloroides	0.0000	0.4118	0.0000	0.0278	0.0000	0.1471	0.0000	0.0319
Ascomycota_Eurotiomycetes_unidentified_unidentified_Eurotiomycetes_sp_1_KO_2013	0.0226	0.0000	0.2304	0.0171	0.0645	0.0000	0.1304	0.0423
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_sp_BB_2010	0.0000	0.0000	0.1087	0.0073	0.0000	0.0000	0.2391	0.0519
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_sp	0.0000	0.0000	0.4543	0.0307	0.0000	0.0000	0.1304	0.0283
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_uncultured_Neonectria	0.0452	0.1471	0.0000	0.0130	0.0645	0.1471	0.0000	0.0460
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Talaromyces_sp_2_CMV_2012	0.0000	0.0441	0.0913	0.0091	0.0000	0.1176	0.1087	0.0492
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_Ascomycota_sp_SB9356c	0.0194	0.0735	0.0000	0.0063	0.0323	0.2059	0.0000	0.0517
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Naevala_sp	0.0290	0.1471	0.0000	0.0119	0.0645	0.1471	0.0000	0.0460
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_31_AM_2013	0.2323	0.0000	0.0000	0.0157	0.1935	0.0000	0.0000	0.0420
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Chaetomiaceae_Humicola_fuscoatra_var_fuscoatra	0.0387	0.0118	0.0413	0.0062	0.0968	0.0294	0.1087	0.0510
Basidiomycota_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_Basidiomycota	0.0323	0.0000	0.0130	0.0031	0.1613	0.0000	0.0870	0.0539
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Chaetothyriaceae_Cyphellophora_sp	0.1677	0.0794	0.0000	0.0167	0.0968	0.0882	0.0000	0.0402
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Meliniomyces_variabilis	0.0194	0.0000	0.0761	0.0064	0.0323	0.0000	0.1957	0.0495
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_uncultured_Naucoria	0.0161	0.3294	0.0000	0.0233	0.0323	0.1176	0.0000	0.0326
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Hypocreaceae_sp	0.0161	0.0765	0.0065	0.0067	0.0645	0.1176	0.0435	0.0490

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pezizaceae_Pezizaceae_sp	0.0806	0.0206	0.0000	0.0068	0.1935	0.0294	0.0000	0.0484
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_alpina	0.0065	0.1441	0.0196	0.0115	0.0323	0.1471	0.0217	0.0437
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_deterrimus	0.2290	0.0029	0.0043	0.0159	0.1290	0.0294	0.0217	0.0391
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_sp_CMV_2013m	0.0323	0.0000	0.0478	0.0054	0.0323	0.0000	0.1957	0.0495
Ascomycota_Dothideomycetes_Dothideales_Dothioraceae_Aureobasidium_pullulans	0.0677	0.0382	0.0000	0.0072	0.0968	0.1176	0.0000	0.0466
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_Helotiales_sp_73_OA_2013	0.0065	0.0471	0.2370	0.0196	0.0323	0.0588	0.0652	0.0340
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Helotiaceae_sp	0.0161	0.0235	0.1283	0.0113	0.0323	0.0294	0.1304	0.0417
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Ganodermataceae_Ganoderma_applanatum	0.0516	0.0529	0.0000	0.0071	0.0323	0.1765	0.0000	0.0453
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_Mollisia_sp	0.0194	0.0000	0.0587	0.0053	0.0645	0.0000	0.1522	0.0471
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_amethystina	0.1516	0.0000	0.0000	0.0102	0.1935	0.0000	0.0000	0.0420
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Leptodontidium_elatius	0.0355	0.0088	0.0239	0.0046	0.0968	0.0294	0.0870	0.0463
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Tricholoma_ustale	0.0000	0.0000	0.6130	0.0414	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_eipterygia	0.0000	0.0000	0.1109	0.0075	0.0000	0.0000	0.1957	0.0425
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_unidentified_Pezizales_sp_MS8	0.0161	0.2265	0.0261	0.0181	0.0645	0.0588	0.0217	0.0315
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Pseudeurotiaceae_Pseudeurotiaceae_sp	0.1097	0.0382	0.0000	0.0100	0.0645	0.1176	0.0000	0.0396
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Cadophora_sp_JZ_30	0.0742	0.1941	0.0065	0.0185	0.0323	0.0882	0.0217	0.0309
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Herpotrichiellaceae_Exophiala_sp	0.0903	0.0324	0.0000	0.0083	0.1290	0.0588	0.0000	0.0408
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_Rhytismataceae_Rhytismataceae_sp_RB_2011	0.0000	0.0000	0.1674	0.0113	0.0000	0.0000	0.1739	0.0378
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_uncultured_Otidea	0.2581	0.0618	0.0000	0.0216	0.0968	0.0294	0.0000	0.0274
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_Helotiales_sp_90_OA_2013	0.0194	0.0235	0.0217	0.0044	0.0645	0.0294	0.1087	0.0440
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Venturiaceae_uncultured_Protoventuria	0.0226	0.0265	0.0022	0.0035	0.0968	0.0882	0.0217	0.0449
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Ilyonectria_pseudodestructans	0.1065	0.0147	0.0065	0.0086	0.1290	0.0294	0.0217	0.0391
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Magnaporthaceae_Mycoleptodiscus_terrestris	0.0000	0.0000	0.0739	0.0050	0.0000	0.0000	0.1957	0.0425
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_uncultured_Humaria	0.0677	0.0265	0.0000	0.0064	0.1290	0.0588	0.0000	0.0408
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Trichoderma_viride	0.0161	0.0000	0.0196	0.0024	0.0968	0.0000	0.1087	0.0446
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hymenogaster_vulgaris	0.2129	0.0029	0.0043	0.0149	0.0968	0.0294	0.0217	0.0321
Basidiomycota_Microbotryomycetes_unidentified_unidentified_Microbotryomycetes_sp	0.2258	0.0000	0.0174	0.0164	0.0968	0.0000	0.0435	0.0305
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Menispora_sp	0.0000	0.0059	0.0326	0.0026	0.0000	0.0294	0.1739	0.0442
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_E13415E	0.0258	0.0618	0.0000	0.0059	0.1290	0.0588	0.0000	0.0408
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_aff_murina_D11c	0.0355	0.0794	0.0000	0.0078	0.0323	0.1471	0.0000	0.0390

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Phialemoniopsis_curvata	0.0613	0.0000	0.1087	0.0115	0.0968	0.0000	0.0652	0.0352
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_ectomycorrhiza_.Ascomycota.	0.1968	0.0000	0.0043	0.0136	0.1290	0.0000	0.0217	0.0328
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Piloderma_sp_B328	0.0065	0.0265	0.0348	0.0046	0.0323	0.0294	0.1304	0.0417
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae_Helvella_sp	0.2677	0.0088	0.0000	0.0187	0.0968	0.0294	0.0000	0.0274
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_Rhytismataceae_Colpoma_sp	0.0000	0.0000	0.2565	0.0173	0.0000	0.0000	0.1304	0.0283
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae_Oidiodendron_tenuissimum	0.0000	0.0000	0.1848	0.0125	0.0000	0.0000	0.1522	0.0331
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_amoeboidea	0.0129	0.0794	0.0000	0.0062	0.0323	0.1471	0.0000	0.0390
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Dissophora_sp	0.0000	0.1000	0.0000	0.0067	0.0000	0.1765	0.0000	0.0383
Basidiomycota_Pucciniomycetes_Pucciniales_unidentified_uncultured_Pucciniales	0.1484	0.0000	0.0000	0.0100	0.1613	0.0000	0.0000	0.0350
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Tylospora_sp	0.0387	0.0000	0.0326	0.0048	0.0968	0.0000	0.0870	0.0399
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Neonectria_hubeiensis	0.0323	0.0529	0.0000	0.0057	0.0323	0.1471	0.0000	0.0390
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Marasmius_scorodoni	0.1484	0.0412	0.0630	0.0170	0.0323	0.0294	0.0652	0.0276
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Otidea_onotica	0.4516	0.0000	0.0000	0.0305	0.0645	0.0000	0.0000	0.0140
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_sp_2371	0.0000	0.4676	0.0000	0.0316	0.0000	0.0588	0.0000	0.0128
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Lycoperdon_nigrescens	0.0226	0.0059	0.2891	0.0214	0.0323	0.0294	0.0435	0.0228
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pezizaceae_Terfezia_sp	0.0742	0.0794	0.0000	0.0104	0.0968	0.0588	0.0000	0.0338
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_unidentified_uncultured_Penicillium	0.0000	0.0500	0.0304	0.0054	0.0000	0.0882	0.0870	0.0381
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Schizoporaceae_Hyphodontia_breviseta	0.0032	0.0088	0.0826	0.0064	0.0323	0.0294	0.1087	0.0370
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae_Armillaria_ostoyae	0.1290	0.0000	0.0609	0.0128	0.0968	0.0000	0.0435	0.0305
Basidiomycota_Walleliomycetes_Geminibasidiales_Geminibasidiaceae_Geminibasidium_sp	0.2065	0.0000	0.0500	0.0173	0.0323	0.0000	0.0870	0.0259
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_cinnamomata	0.2129	0.0000	0.0000	0.0144	0.1290	0.0000	0.0000	0.0280
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_endophytic_fungus	0.0452	0.0235	0.0065	0.0051	0.0323	0.1176	0.0217	0.0373
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_unidentified_uncultured_Devriesia	0.0355	0.0794	0.0000	0.0078	0.0968	0.0588	0.0000	0.0338
Basidiomycota_Agaricomycetes_unidentified_unidentified_uncultured_Agaricomycetidae	0.0000	0.1412	0.0000	0.0095	0.0000	0.1471	0.0000	0.0319
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_delica	0.1258	0.0000	0.0022	0.0086	0.1290	0.0000	0.0217	0.0328
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae_Armillaria_gallica	0.0387	0.0147	0.0130	0.0045	0.0968	0.0294	0.0435	0.0369
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_anniae	0.0323	0.0882	0.0000	0.0081	0.0645	0.0882	0.0000	0.0332
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrophorus_hypothejus	0.0000	0.0000	0.1891	0.0128	0.0000	0.0000	0.1304	0.0283
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_capillaripes	0.2968	0.0000	0.0000	0.0200	0.0968	0.0000	0.0000	0.0210
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_NLR_2013	0.0290	0.0059	0.0022	0.0025	0.0968	0.0588	0.0217	0.0385

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_bongardii	0.2903	0.0000	0.0000	0.0196	0.0968	0.0000	0.0000	0.0210
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Cystolepiota_bucknallii	0.3935	0.0000	0.0000	0.0266	0.0645	0.0000	0.0000	0.0140
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Delicatula_integrella	0.0323	0.0559	0.0978	0.0125	0.0323	0.0294	0.0652	0.0276
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_fortinii	0.0581	0.0000	0.0130	0.0048	0.0968	0.0000	0.0652	0.0352
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Boletus_chrysenteron	0.0000	0.1147	0.0000	0.0077	0.0000	0.1471	0.0000	0.0319
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Schizoporaceae_Hyphodontia_pallidula	0.2097	0.0000	0.0304	0.0162	0.0645	0.0000	0.0435	0.0235
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Stachybotrys_sp	0.0677	0.0500	0.0022	0.0081	0.0645	0.0588	0.0217	0.0315
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae_Membranomycetes_spurius	0.3806	0.0029	0.0000	0.0259	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_unidentified_uncultured_Pezizales	0.3742	0.0000	0.0000	0.0252	0.0645	0.0000	0.0000	0.0140
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae_Helvella_lacunosa	0.0419	0.0559	0.0000	0.0066	0.0323	0.1176	0.0000	0.0326
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella_sp_O53	0.2677	0.0000	0.0000	0.0181	0.0968	0.0000	0.0000	0.0210
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Leucosporiales_Leucosporidiaceae_Leucosporidiella_creatinivora	0.1484	0.0118	0.0413	0.0136	0.0645	0.0294	0.0217	0.0251
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Chalara_hyalocuspica	0.0548	0.0029	0.0000	0.0039	0.1290	0.0294	0.0000	0.0344
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_uncultured_Dermateaceae	0.0387	0.0000	0.1761	0.0145	0.0645	0.0000	0.0435	0.0235
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_excavatum	0.4548	0.0000	0.0000	0.0307	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_uncultured_Piloderma	0.0419	0.0029	0.0000	0.0030	0.1290	0.0294	0.0000	0.0344
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_badiosanguineus	0.0129	0.0088	0.0174	0.0026	0.0645	0.0294	0.0652	0.0346
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Pholiota_squarrosa	0.0000	0.3529	0.0000	0.0238	0.0000	0.0588	0.0000	0.0128
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_adametzii	0.0000	0.0000	0.0500	0.0034	0.0000	0.0000	0.1522	0.0331
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Galerina_pseudocamerina	0.0000	0.0000	0.0478	0.0032	0.0000	0.0000	0.1522	0.0331
Ascomycota_Eurotiomycetes_unidentified_unidentified_Eurotiomycetes_sp	0.0000	0.0206	0.1413	0.0109	0.0000	0.0294	0.0870	0.0253
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_nobilis	0.0097	0.0265	0.2283	0.0178	0.0323	0.0294	0.0217	0.0181
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_ascomycete_sp_DF31	0.0000	0.0294	0.0587	0.0059	0.0000	0.0294	0.1087	0.0300
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Hydniaceae_uncultured_Hydnum	0.3290	0.0029	0.0000	0.0224	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Entolomataceae_Entoloma_proterum	0.0387	0.1794	0.0000	0.0147	0.0645	0.0294	0.0000	0.0204
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Paxillaceae_Melanogaster_sp	0.0000	0.0029	0.2043	0.0140	0.0000	0.0294	0.0652	0.0206
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_sanguinea	0.0000	0.0000	0.3000	0.0202	0.0000	0.0000	0.0652	0.0142
Ascomycota_Sordariomycetes_Lulworthiales_Lulworthiaceae_Zalerion_sp_KO_2013	0.0000	0.0088	0.0717	0.0054	0.0000	0.0882	0.0435	0.0286
Basidiomycota_unidentified_unidentified_unidentified_Basidiomycota_sp	0.2419	0.0000	0.0174	0.0175	0.0323	0.0000	0.0435	0.0165

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Marasmiellus_ramealis	0.0000	0.1235	0.0000	0.0083	0.0000	0.1176	0.0000	0.0256
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_Rhytismataceae_Colpoma_sp_PDD_91607	0.0000	0.0000	0.0783	0.0053	0.0000	0.0000	0.1304	0.0283
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_rimosa	0.1839	0.0000	0.0000	0.0124	0.0968	0.0000	0.0000	0.0210
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertaesedis_Herpotrichia_sp	0.0452	0.0529	0.0000	0.0066	0.0645	0.0588	0.0000	0.0268
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Lepista_sordida	0.1806	0.0000	0.0000	0.0122	0.0968	0.0000	0.0000	0.0210
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Amphinema_sp_1_UK_2011	0.1774	0.0000	0.0000	0.0120	0.0968	0.0000	0.0000	0.0210
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_Epacris_microphylla_root_associated_fungus_19	0.0032	0.0000	0.0304	0.0023	0.0323	0.0000	0.1087	0.0306
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_Helotiales_sp_BH5	0.0323	0.0647	0.0000	0.0065	0.0323	0.0882	0.0000	0.0262
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Clavariaceae_Clavariaceae_sp	0.1097	0.0706	0.0000	0.0122	0.0645	0.0294	0.0000	0.0204
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales_Claroideoglomeraceae_Claroideoglossum	0.0065	0.1794	0.0000	0.0125	0.0323	0.0588	0.0000	0.0198
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Tricholoma_sulphureum	0.1645	0.0000	0.0000	0.0111	0.0968	0.0000	0.0000	0.0210
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_simplex	0.0065	0.0206	0.0152	0.0029	0.0323	0.0588	0.0435	0.0292
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_sp_10_ZWG_2011	0.1613	0.0000	0.0000	0.0109	0.0968	0.0000	0.0000	0.0210
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_angusta	0.0548	0.0206	0.0000	0.0051	0.0645	0.0588	0.0000	0.0268
Ascomycota_Sordariomycetes_Phyllachorales_Phyllachoraceae_uncultured_Phyllachoraceae	0.0419	0.0324	0.0000	0.0050	0.0645	0.0588	0.0000	0.0268
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Microascaceae_Cephalotrichum_nanum	0.0323	0.0500	0.0000	0.0056	0.0323	0.0882	0.0000	0.0262
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Elaphomycetaceae_uncultured_Elaphomyces	0.0000	0.0000	0.0500	0.0034	0.0000	0.0000	0.1304	0.0283
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_plumbea	0.0484	0.0206	0.0000	0.0047	0.0645	0.0588	0.0000	0.0268
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Cadophora_sp_29d	0.0000	0.0000	0.1848	0.0125	0.0000	0.0000	0.0870	0.0189
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hymenogaster_citrinus	0.0194	0.0265	0.0000	0.0031	0.0968	0.0294	0.0000	0.0274
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_leptocephala	0.0129	0.0382	0.0000	0.0035	0.0645	0.0588	0.0000	0.0268
Ascomycota_Sordariomycetes_Ophiostomatales_Ophiostomataceae_Sporothrix_inflata	0.0000	0.0000	0.0283	0.0019	0.0000	0.0000	0.1304	0.0283
Ascomycota_Leotiomycetes_Thelebolales_Thelebolaceae_Pezizella_discreta	0.3419	0.0000	0.0000	0.0231	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Hymenoscyphus_sp_UBCtra1439C	0.0000	0.0000	0.0957	0.0065	0.0000	0.0000	0.1087	0.0236
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Geejayessia_cicatricum	0.0290	0.0000	0.0000	0.0020	0.1290	0.0000	0.0000	0.0280
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_sp_H05	0.0323	0.0000	0.0239	0.0038	0.0323	0.0000	0.0870	0.0259
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Chalara_piceae_abietis	0.0323	0.0088	0.0000	0.0028	0.0645	0.0588	0.0000	0.0268
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Sclerodermataceae_Scleroderma_sp	0.0000	0.0000	0.1565	0.0106	0.0000	0.0000	0.0870	0.0189
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Cistella_sp_EF_8	0.0065	0.0412	0.0000	0.0032	0.0323	0.0882	0.0000	0.0262

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Metarhizium_anisopliae	0.0419	0.0912	0.0000	0.0090	0.0645	0.0294	0.0000	0.0204
Ascomycota_Sordariomycetes_Coniochaetales_Coniochaetaceae_Coniochaeta_mutabilis	0.0516	0.0029	0.0043	0.0040	0.0645	0.0294	0.0217	0.0251
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_fibrosoides	0.1194	0.0000	0.0000	0.0081	0.0968	0.0000	0.0000	0.0210
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Cadophora_sp_REF033	0.0032	0.0382	0.0000	0.0028	0.0323	0.0882	0.0000	0.0262
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_uncultured_Cortinariaceae	0.1161	0.0000	0.0000	0.0078	0.0968	0.0000	0.0000	0.0210
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertaesedis_Berkleasium_sp_X18	0.0065	0.0294	0.0000	0.0024	0.0323	0.0882	0.0000	0.0262
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_salal_root_associated_fungus_UBCtra1061C	0.0065	0.0294	0.0000	0.0024	0.0323	0.0882	0.0000	0.0262
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_sp_CT3_3OI	0.0000	0.0088	0.0391	0.0032	0.0000	0.0294	0.0870	0.0253
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Hamatocanthoscypha_laricionis	0.0194	0.0059	0.0000	0.0017	0.0645	0.0588	0.0000	0.0268
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Cantharellaceae_Craterellus_sp	0.0000	0.0412	0.0000	0.0028	0.0000	0.1176	0.0000	0.0256
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meruliaceae_Phlebia_sp_DLL2011_1	0.1548	0.0000	0.0152	0.0115	0.0323	0.0000	0.0435	0.0165
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_algeriensis	0.0000	0.0029	0.0348	0.0025	0.0000	0.0294	0.0870	0.0253
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_alnetorum	0.0516	0.0000	0.0065	0.0039	0.0645	0.0000	0.0435	0.0235
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Helotiaceae_3_RB_2011	0.0000	0.0029	0.2348	0.0160	0.0000	0.0294	0.0217	0.0111
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae_Beauveria_brongniartii	0.0161	0.0000	0.0022	0.0012	0.0968	0.0000	0.0217	0.0257
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_uncultured_Galerina	0.0323	0.0000	0.0196	0.0035	0.0645	0.0000	0.0435	0.0235
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Cadophora_sp_REF039	0.0000	0.0324	0.0065	0.0026	0.0000	0.0882	0.0217	0.0239
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Chaetosphaeria_sp	0.0387	0.0000	0.0043	0.0029	0.0645	0.0000	0.0435	0.0235
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_sp_BB_2010	0.0000	0.0000	0.0391	0.0026	0.0000	0.0000	0.1087	0.0236
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_obtusus	0.1806	0.0000	0.0000	0.0122	0.0645	0.0000	0.0000	0.0140
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_inflatum	0.0000	0.0000	0.0370	0.0025	0.0000	0.0000	0.1087	0.0236
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertaesedis_Pyrenochaeta_sp	0.0000	0.1000	0.0000	0.0067	0.0000	0.0882	0.0000	0.0192
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Sebacina_dimitica	0.0452	0.0353	0.0000	0.0054	0.0645	0.0294	0.0000	0.0204
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_umbratica	0.0677	0.0000	0.0000	0.0046	0.0968	0.0000	0.0000	0.0210
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Trichoderma_spirale	0.0226	0.0000	0.0065	0.0020	0.0645	0.0000	0.0435	0.0235
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Cadophora_sp	0.0000	0.0000	0.0239	0.0016	0.0000	0.0000	0.1087	0.0236
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Umbelopsidaceae_Umbelopsis_vinacea	0.0000	0.0000	0.0239	0.0016	0.0000	0.0000	0.1087	0.0236
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Umbelopsidaceae_Umbelopsis_sp_II_GK_2010	0.0000	0.0000	0.0174	0.0012	0.0000	0.0000	0.1087	0.0236
Ascomycota_Lecanoromycetes_Ostropales_Stictidaceae_Cryptodiscus_tabularum	0.0000	0.0000	0.0152	0.0010	0.0000	0.0000	0.1087	0.0236
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Microascaceae_Graphium_sp_UCR2159	0.0516	0.0000	0.0000	0.0035	0.0968	0.0000	0.0000	0.0210

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_occidentalis	0.0516	0.0000	0.0000	0.0035	0.0968	0.0000	0.0000	0.0210
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_sordariomyceta	0.0065	0.0000	0.0087	0.0010	0.0645	0.0000	0.0435	0.0235
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_pantherina	0.0000	0.0000	0.0826	0.0056	0.0000	0.0000	0.0870	0.0189
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Clavariaceae_Clavaria_sp	0.0323	0.0353	0.0000	0.0046	0.0323	0.0588	0.0000	0.0198
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Thelephora_palmata	0.0452	0.0000	0.0000	0.0030	0.0968	0.0000	0.0000	0.0210
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Thelephoraceae_sp_P320	0.2516	0.0000	0.0000	0.0170	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_uncultured_endomycorrhiza_of_Neottia_nidus_avis	0.0710	0.0000	0.0065	0.0052	0.0645	0.0000	0.0217	0.0187
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_rosea	0.0000	0.0706	0.0000	0.0048	0.0000	0.0882	0.0000	0.0192
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_paludosa	0.0000	0.0000	0.1435	0.0097	0.0000	0.0000	0.0652	0.0142
Basidiomycota_Agaricomycetes_Geastrales_Geastraceae_Geastrum_fimbriatum	0.1452	0.0000	0.0000	0.0098	0.0645	0.0000	0.0000	0.0140
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hymenogaster_sp_1_SGT_2012	0.0452	0.0118	0.0000	0.0038	0.0323	0.0588	0.0000	0.0198
Basidiomycota_Tremellomycetes_Cystofilobasidiales_Incertaesedis_Mrakiella_aquatica	0.0387	0.0088	0.0000	0.0032	0.0645	0.0294	0.0000	0.0204
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Suillaceae_Suillus_luteus	0.0000	0.0000	0.1370	0.0092	0.0000	0.0000	0.0652	0.0142
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales_Incertaesedis_Dioszegia_hungarica	0.0323	0.0206	0.0000	0.0036	0.0323	0.0588	0.0000	0.0198
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae_Helvella_sp_UC_1999221	0.0000	0.0618	0.0000	0.0042	0.0000	0.0882	0.0000	0.0192
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_Incertaesedis_Rhodotorula_cresolica	0.0323	0.0000	0.0000	0.0022	0.0968	0.0000	0.0000	0.0210
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_unidentified_Hymenochaetales_sp	0.0290	0.0059	0.0370	0.0048	0.0323	0.0294	0.0217	0.0181
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_faustiana	0.0065	0.0529	0.0065	0.0044	0.0323	0.0294	0.0217	0.0181
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_zephirus	0.0000	0.0000	0.1217	0.0082	0.0000	0.0000	0.0652	0.0142
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae_Gymnostellatospora_sp_SL0219	0.0000	0.0029	0.0239	0.0018	0.0000	0.0294	0.0652	0.0206
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Humaria_hemisphaerica	0.0000	0.0294	0.0413	0.0048	0.0000	0.0588	0.0217	0.0175
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_Incertaesedis_Sporobolomyces_inositophilus	0.0065	0.0294	0.0000	0.0024	0.0323	0.0588	0.0000	0.0198
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_hirtella	0.0194	0.0059	0.0000	0.0017	0.0645	0.0294	0.0000	0.0204
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_cystojenkinii	0.0194	0.0059	0.0000	0.0017	0.0645	0.0294	0.0000	0.0204
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_Ascomycota_sp_AR_2010	0.0452	0.0000	0.0043	0.0033	0.0645	0.0000	0.0217	0.0187
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Tubeufiaceae_Tubeufiaceae_sp_MFLUCC10_0120	0.0000	0.0000	0.0457	0.0031	0.0000	0.0000	0.0870	0.0189
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Genea_sp	0.0000	0.0412	0.0000	0.0028	0.0000	0.0882	0.0000	0.0192
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Minutisphaera_sp_G156_2	0.0129	0.0088	0.0000	0.0015	0.0645	0.0294	0.0000	0.0204
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales_Archaeosporaceae_Archaeospora_trappei	0.0000	0.2265	0.0000	0.0153	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Lasiosphaeriaceae_uncultured_Immersiella	0.0000	0.0353	0.0000	0.0024	0.0000	0.0882	0.0000	0.0192
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_fulva	0.0000	0.0000	0.1065	0.0072	0.0000	0.0000	0.0652	0.0142
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Hydnoaceae_Sistotrema_sp	0.0129	0.0000	0.0565	0.0047	0.0323	0.0000	0.0435	0.0165
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meripilaceae_HydNOPolyporus_fimbriatus	0.0387	0.0000	0.0304	0.0047	0.0323	0.0000	0.0435	0.0165
Ascomycota_Dothideomycetes_unidentified_unidentified_Dothideomycetes_sp_AS1_1	0.0000	0.0265	0.0000	0.0018	0.0000	0.0882	0.0000	0.0192
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_uncultured_Hebeloma	0.0032	0.0118	0.0000	0.0010	0.0323	0.0588	0.0000	0.0198
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Polyporaceae_Skeletocutis_nivea	0.0065	0.0000	0.0239	0.0020	0.0645	0.0000	0.0217	0.0187
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Tetracladium_breve	0.0000	0.0235	0.0000	0.0016	0.0000	0.0882	0.0000	0.0192
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Valsaceae_Valsa_ambiens	0.0000	0.0235	0.0000	0.0016	0.0000	0.0882	0.0000	0.0192
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hymenogaster_sp_2_SGT_2012	0.0000	0.0235	0.0000	0.0016	0.0000	0.0882	0.0000	0.0192
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_Helotiales_sp_WMM_2012f	0.0000	0.0412	0.0065	0.0032	0.0000	0.0588	0.0217	0.0175
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Megacollybia_platyphylla	0.0226	0.0000	0.0065	0.0020	0.0645	0.0000	0.0217	0.0187
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Trichoderma_rossicum	0.0903	0.0176	0.0000	0.0073	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Ascomycota_Archaeorhizomycetes_Archaeorhizomycetales_unidentified_Archaeorhizomycetales_sp	0.0000	0.0000	0.0239	0.0016	0.0000	0.0000	0.0870	0.0189
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Chaetosphaeria_chlorococina	0.0000	0.0412	0.0022	0.0029	0.0000	0.0588	0.0217	0.0175
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_ajuncta	0.1000	0.0029	0.0000	0.0069	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Chloridium_sp	0.0935	0.0000	0.0000	0.0063	0.0645	0.0000	0.0000	0.0140
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae_Mycosphaerellaceae_sp_SD_01	0.0000	0.1118	0.0000	0.0075	0.0000	0.0588	0.0000	0.0128
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_foetens	0.0000	0.1118	0.0000	0.0075	0.0000	0.0588	0.0000	0.0128
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertaesedis_Phoma_sp	0.0129	0.0059	0.0130	0.0021	0.0323	0.0294	0.0217	0.0181
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertaesedis_Pyrenochaeta_sp_AU.DBT238	0.0000	0.0353	0.0043	0.0027	0.0000	0.0588	0.0217	0.0175
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Hymenoscyphus_sp	0.0000	0.0265	0.0109	0.0025	0.0000	0.0588	0.0217	0.0175
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_unidentified_Boletales_sp	0.0000	0.0000	0.1565	0.0106	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_unidentified_Mortierellales_sp_03VT04	0.0000	0.0000	0.0848	0.0057	0.0000	0.0000	0.0652	0.0142
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_sp_FF28	0.0000	0.0000	0.0130	0.0009	0.0000	0.0000	0.0870	0.0189
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae_Oidiodendron_truncatum	0.0161	0.0059	0.0022	0.0016	0.0323	0.0294	0.0217	0.0181
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Cosmospora_viliuscula	0.0097	0.0059	0.0043	0.0013	0.0323	0.0294	0.0217	0.0181
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Stephanosporaceae_Stephanosporaceae_sp_KO_201	0.0000	0.0235	0.0283	0.0035	0.0000	0.0294	0.0435	0.0158

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
3								
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_Lemonniera	0.0000	0.0971	0.0000	0.0065	0.0000	0.0588	0.0000	0.0128
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Trichophaea_hybrida	0.0774	0.0000	0.0000	0.0052	0.0645	0.0000	0.0000	0.0140
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_sp_CCF3781	0.0000	0.0000	0.0717	0.0048	0.0000	0.0000	0.0652	0.0142
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Antennariellaceae_Heteroconium_sp_115_114E	0.0000	0.0176	0.0043	0.0015	0.0000	0.0588	0.0217	0.0175
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Saccharomycetaceae_Lachancea_kluuyveri	0.1774	0.0000	0.0000	0.0120	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Incertaedis_Incertaedis_Incertaedis_Tumularia_sp_Rr27	0.0645	0.0176	0.0000	0.0055	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hebeloma_sinapizans	0.0710	0.0000	0.0000	0.0048	0.0645	0.0000	0.0000	0.0140
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Helvellosebacina_helvelloides	0.0710	0.0000	0.0000	0.0048	0.0645	0.0000	0.0000	0.0140
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Herpotrichiellaceae_Phialophora_mustea	0.1742	0.0000	0.0000	0.0118	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Melanconidaceae_Melanconium_sp_MAFF_237111	0.1742	0.0000	0.0000	0.0118	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Leotiomycetes_Geoglossales_Geoglossaceae_Geoglossum_fallax	0.0000	0.1794	0.0000	0.0121	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaedis_Leptodontidium_orchidicola	0.0000	0.0118	0.0022	0.0009	0.0000	0.0588	0.0217	0.0175
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Pleosporaceae_Pleosporaceae_sp	0.0032	0.0000	0.0261	0.0020	0.0323	0.0000	0.0435	0.0165
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_unidentified_Sordariales_sp	0.0194	0.0000	0.0087	0.0019	0.0323	0.0000	0.0435	0.0165
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_uncultured_Amanita	0.0000	0.0088	0.0283	0.0025	0.0000	0.0294	0.0435	0.0158
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Rhizoscyphus_ericae	0.0000	0.0118	0.0239	0.0024	0.0000	0.0294	0.0435	0.0158
Basidiomycota_Tremellomycetes_Filobasidiales_Filobasidiaceae_Cryptococcus_wieringae	0.0613	0.0000	0.0000	0.0041	0.0645	0.0000	0.0000	0.0140
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaedis_Helicodendron_westerdijkiae	0.0000	0.0794	0.0000	0.0054	0.0000	0.0588	0.0000	0.0128
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Pleosporaceae_Cochliobolus_sativus	0.0000	0.0029	0.0239	0.0018	0.0000	0.0294	0.0435	0.0158
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_unidentified_uncultured_ectomycorrhiza_Thelephorales.	0.0516	0.0000	0.0000	0.0035	0.0645	0.0000	0.0000	0.0140
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Pochonia_sp	0.0065	0.0000	0.0087	0.0010	0.0323	0.0000	0.0435	0.0165
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Volutella_sp	0.0065	0.0000	0.0065	0.0009	0.0323	0.0000	0.0435	0.0165
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales_Glomeraceae_uncultured_Rhizophagus	0.0323	0.0235	0.0000	0.0038	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_Incertaedis_Rhodotorula_psychrophila	0.0452	0.0000	0.0000	0.0030	0.0645	0.0000	0.0000	0.0140
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_sp_Kew_29799	0.0419	0.0000	0.0000	0.0028	0.0645	0.0000	0.0000	0.0140
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Neonectria_sp_C_1_BESC_294u	0.0290	0.0206	0.0000	0.0033	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Nectriaceae_sp	0.0387	0.0000	0.0000	0.0026	0.0645	0.0000	0.0000	0.0140
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Aschersonia_minutispora	0.0355	0.0118	0.0000	0.0032	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_unidentified_uncultured_Auriculariales	0.0000	0.0559	0.0000	0.0038	0.0000	0.0588	0.0000	0.0128
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Ophiocordycipitaceae_Tolypocladium_geodes	0.0000	0.0059	0.0043	0.0007	0.0000	0.0294	0.0435	0.0158
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Talaromyces_sp	0.0000	0.0000	0.0348	0.0023	0.0000	0.0000	0.0652	0.0142
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_unidentified_Hypocreales_sp	0.0323	0.0088	0.0000	0.0028	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Schizoporaceae_Hyphodontia_sp	0.0323	0.0088	0.0000	0.0028	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_Rhytismataceae_Lophodermium_piceae	0.0258	0.0147	0.0000	0.0027	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_unidentified_uncultured_Pleosporales	0.0000	0.0647	0.0087	0.0050	0.0000	0.0294	0.0217	0.0111
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_rhodiola	0.0290	0.0000	0.0000	0.0020	0.0645	0.0000	0.0000	0.0140
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_Helotiales_sp_B54J3	0.0000	0.0471	0.0000	0.0032	0.0000	0.0588	0.0000	0.0128
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Umbelopsidaceae_Umbelopsis_ramanniana	0.0290	0.0088	0.0000	0.0026	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Incertaesedis_Candida_palmiophila	0.1323	0.0000	0.0000	0.0089	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae_Oidiodendron_muniellensis	0.0000	0.0000	0.0261	0.0018	0.0000	0.0000	0.0652	0.0142
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Ophiocordycipitaceae_Elaphocordyceps_inegoensis	0.0000	0.0000	0.0261	0.0018	0.0000	0.0000	0.0652	0.0142
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Paxillaceae_uncultured_Paxillus	0.0000	0.1412	0.0000	0.0095	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Serpulaceae_Serpula_himantioides	0.0000	0.0000	0.0957	0.0065	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_delibutus	0.0258	0.0000	0.0000	0.0017	0.0645	0.0000	0.0000	0.0140
Ascomycota_Lecanoromycetes_Teloschistales_unidentified_Teloschistales_sp	0.0226	0.0118	0.0000	0.0023	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_salal_root_associated_fungus_UBCtra1340C	0.0000	0.0000	0.0217	0.0015	0.0000	0.0000	0.0652	0.0142
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Cunninghamellaceae_Absidia_glauca	0.0000	0.0412	0.0000	0.0028	0.0000	0.0588	0.0000	0.0128
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Flagellospora_leucorhynchos	0.0290	0.0029	0.0000	0.0022	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Halosphaeriaceae_Tirispota_sp	0.0226	0.0000	0.0000	0.0015	0.0645	0.0000	0.0000	0.0140
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae_Balsamia_sp	0.1258	0.0000	0.0000	0.0085	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Venturiaceae_Venturia_sp	0.0000	0.0000	0.0196	0.0013	0.0000	0.0000	0.0652	0.0142
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_pura	0.0000	0.0000	0.0196	0.0013	0.0000	0.0000	0.0652	0.0142
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Hyponectriaceae_Hyponectriaceae_sp	0.0000	0.0382	0.0000	0.0026	0.0000	0.0588	0.0000	0.0128
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_sp_SB78	0.0000	0.0382	0.0000	0.0026	0.0000	0.0588	0.0000	0.0128
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_manginii	0.0000	0.0000	0.0174	0.0012	0.0000	0.0000	0.0652	0.0142
Ascomycota_Pezizomycetes_unidentified_unidentified_Pezizomycetes_sp	0.0000	0.0000	0.0174	0.0012	0.0000	0.0000	0.0652	0.0142
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Helotiaceae_sp_VII_GK_2010	0.0194	0.0000	0.0000	0.0013	0.0645	0.0000	0.0000	0.0140
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Mucoraceae_Mucor_genevensis	0.1226	0.0000	0.0000	0.0083	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Microascaceae_Wardomyces_inflatus	0.0065	0.0206	0.0000	0.0018	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Xenopolyscytalum_sp_CCF_4156	0.0000	0.0000	0.0152	0.0010	0.0000	0.0000	0.0652	0.0142
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pezizaceae_uncultured_Hydnobolites	0.0000	0.0353	0.0000	0.0024	0.0000	0.0588	0.0000	0.0128
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Eladia_saccula	0.0161	0.0000	0.0000	0.0011	0.0645	0.0000	0.0000	0.0140
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_unidentified_Pezizales_sp	0.0161	0.0000	0.0000	0.0011	0.0645	0.0000	0.0000	0.0140
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_godlewskii	0.0000	0.0000	0.0130	0.0009	0.0000	0.0000	0.0652	0.0142
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Helotiaceae_sp_II_GK_2010	0.0000	0.0000	0.0130	0.0009	0.0000	0.0000	0.0652	0.0142
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae_Laccaria_bicolor	0.0000	0.0000	0.0130	0.0009	0.0000	0.0000	0.0652	0.0142
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Flagellospora_curvula	0.0000	0.0324	0.0000	0.0022	0.0000	0.0588	0.0000	0.0128
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Marasmius_rotula	0.0000	0.0324	0.0000	0.0022	0.0000	0.0588	0.0000	0.0128
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Ceratobasidiaceae_Ceratobasidiaceae_sp	0.0000	0.0324	0.0000	0.0022	0.0000	0.0588	0.0000	0.0128
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Cunninghamellaceae_Absidia_cylindrospora_spora	0.0000	0.0000	0.0109	0.0007	0.0000	0.0000	0.0652	0.0142
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_Helotiales_sp_X19	0.0129	0.0000	0.0000	0.0009	0.0645	0.0000	0.0000	0.0140
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_battarrae	0.0129	0.0000	0.0000	0.0009	0.0645	0.0000	0.0000	0.0140
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertaesedis_Dictyosporium_toruloides	0.0129	0.0088	0.0000	0.0015	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Tarzettia_catinus	0.0129	0.0088	0.0000	0.0015	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Ascomycota_Dothideomycetes_Botryosphaerales_Botryosphaeriaceae_Botryosphaeria_dothidea	0.0097	0.0118	0.0000	0.0014	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Tricholoma_sp	0.0065	0.0147	0.0000	0.0014	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae_Passalora_sp_CPC_11147	0.0000	0.0294	0.0000	0.0020	0.0000	0.0588	0.0000	0.0128
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Togniniaceae_Phaeoacremonium_sp	0.0000	0.0000	0.0087	0.0006	0.0000	0.0000	0.0652	0.0142
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Sarocladium_oryzae	0.0000	0.0000	0.0087	0.0006	0.0000	0.0000	0.0652	0.0142
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Geopyxis_sp	0.0000	0.1235	0.0000	0.0083	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Thysanophora_penicillioides	0.0161	0.0029	0.0000	0.0013	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Pseudeurotiaceae_Pseudogymnoascus_sp	0.0129	0.0059	0.0000	0.0013	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_sossauensis	0.0129	0.0059	0.0000	0.0013	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Entolomataceae_Entoloma_strigosissimum	0.0000	0.1206	0.0000	0.0081	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_Cryptosporiopsis_rhizophila	0.0000	0.0235	0.0000	0.0016	0.0000	0.0588	0.0000	0.0128
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Ilyonectria_radicalis	0.0000	0.0235	0.0000	0.0016	0.0000	0.0588	0.0000	0.0128
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_Tetracladium	0.0000	0.0235	0.0000	0.0016	0.0000	0.0588	0.0000	0.0128

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Neonectria_sp	0.0097	0.0029	0.0000	0.0009	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Zygomycota_Incertaesedis_Endogonales_Endogonaceae_Endogone_lactiflua	0.0097	0.0029	0.0000	0.0009	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_nivalis	0.0065	0.0059	0.0000	0.0008	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Thelephoraceae_sp_B326	0.0065	0.0059	0.0000	0.0008	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae_Hymenopellis_radicata	0.0032	0.0088	0.0000	0.0008	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Ascomycota_Leotiomycetes_Leotiales_Leotiaceae_Alatospora_acuminata	0.0000	0.0206	0.0000	0.0014	0.0000	0.0588	0.0000	0.0128
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Leptosphaeriaceae_Leptosphaeria_sp_F101	0.0032	0.0059	0.0000	0.0006	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Ceratocystidaceae_Ceratocystis_paradoxa	0.0032	0.0059	0.0000	0.0006	0.0323	0.0294	0.0000	0.0134
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Rhizoscyphus_sp	0.0000	0.0000	0.0674	0.0045	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_aestivum	0.0000	0.0176	0.0000	0.0012	0.0000	0.0588	0.0000	0.0128
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Lophiostomataceae_Lophiostoma_corticola	0.0000	0.0147	0.0000	0.0010	0.0000	0.0588	0.0000	0.0128
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hebeloma_leucosarx	0.0000	0.0147	0.0000	0.0010	0.0000	0.0588	0.0000	0.0128
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_uncultured_Pyronemataceae	0.0000	0.1088	0.0000	0.0073	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Dothideomycetes_Dothideales_Dothioraceae_Sydowia_sp	0.0032	0.0000	0.0261	0.0020	0.0323	0.0000	0.0217	0.0117
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_unidentified_uncultured_Sordariales	0.0000	0.0118	0.0000	0.0008	0.0000	0.0588	0.0000	0.0128
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhizomatales_Rhizomataceae_Lophodermium_pinastri	0.0000	0.0000	0.0609	0.0041	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Mucoraceae_Mucor_sp_XSCG02	0.0000	0.1059	0.0000	0.0071	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Phialea_sp	0.0000	0.0059	0.0283	0.0023	0.0000	0.0294	0.0217	0.0111
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_obscuratus	0.0000	0.0206	0.0130	0.0023	0.0000	0.0294	0.0217	0.0111
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Sagenomella_humicola	0.0935	0.0000	0.0000	0.0063	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_vesca	0.0000	0.0000	0.0565	0.0038	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_puellaris	0.0161	0.0000	0.0065	0.0015	0.0323	0.0000	0.0217	0.0117
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae_Ramichloridium_anceps	0.0903	0.0000	0.0000	0.0061	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae_Cibaomyces_glutinis	0.0903	0.0000	0.0000	0.0061	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Schizoporaceae_Xylodon_sambuci	0.0903	0.0000	0.0000	0.0061	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Incertaesedis_Malasseziales_unidentified_Malasseziales_sp	0.0903	0.0000	0.0000	0.0061	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_unidentified_Saccharomycetales_sp	0.0065	0.0000	0.0130	0.0013	0.0323	0.0000	0.0217	0.0117
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella_ellisii	0.0000	0.0971	0.0000	0.0065	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hypholoma_fasciculare	0.0000	0.0118	0.0152	0.0018	0.0000	0.0294	0.0217	0.0111
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Phaeocollybia_gregaria	0.0129	0.0000	0.0043	0.0012	0.0323	0.0000	0.0217	0.0117

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Acephala_sp_7_MV_2011	0.0000	0.0176	0.0087	0.0018	0.0000	0.0294	0.0217	0.0111
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_75_AM_2013	0.0000	0.0059	0.0196	0.0017	0.0000	0.0294	0.0217	0.0111
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_sardonia	0.0000	0.0000	0.0500	0.0034	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Pseudeurotiaceae_Leuconeurospora_sp	0.0065	0.0000	0.0087	0.0010	0.0323	0.0000	0.0217	0.0117
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_maurella	0.0000	0.0941	0.0000	0.0064	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Geomyces_sp_17WV09	0.0000	0.0059	0.0174	0.0016	0.0000	0.0294	0.0217	0.0111
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales_Claroideoglomeraceae_uncultured_Claroideoglo mus	0.0000	0.0912	0.0000	0.0062	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_daleae	0.0032	0.0000	0.0087	0.0008	0.0323	0.0000	0.0217	0.0117
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Plectosphaerellaceae_Verticillium_fungicola_var_fu ngicola	0.0097	0.0000	0.0022	0.0008	0.0323	0.0000	0.0217	0.0117
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae_Cordyceps_sp_A12116	0.0000	0.0176	0.0022	0.0013	0.0000	0.0294	0.0217	0.0111
Basidiomycota_Tremellomycetes_Filobasidiales_Filobasidiaceae_Cryptococcus_terricola	0.0000	0.0176	0.0022	0.0013	0.0000	0.0294	0.0217	0.0111
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Umbelopsidaceae_Umbelopsis_angularis	0.0000	0.0176	0.0022	0.0013	0.0000	0.0294	0.0217	0.0111
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales_Archaeosporaceae_uncultured_Archaeospor a	0.0000	0.0088	0.0109	0.0013	0.0000	0.0294	0.0217	0.0111
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Wilcoxina_sp	0.0032	0.0000	0.0065	0.0007	0.0323	0.0000	0.0217	0.0117
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_unidentified_Eurotiales_sp	0.0000	0.0000	0.0435	0.0029	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Bondarzewiaceae_Heterobasidion_sp_Cui78	0.0065	0.0000	0.0022	0.0006	0.0323	0.0000	0.0217	0.0117
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactifluus_bertillonii	0.0000	0.0029	0.0130	0.0011	0.0000	0.0294	0.0217	0.0111
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_Rhytismataceae_Coccomyces_sp	0.0000	0.0000	0.0391	0.0026	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Cudoniella_clavus	0.0000	0.0088	0.0043	0.0009	0.0000	0.0294	0.0217	0.0111
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_sp	0.0000	0.0824	0.0000	0.0056	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Diaporthaceae_Phomopsis_sp_BESC803g	0.0000	0.0000	0.0370	0.0025	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Galerina_nana	0.0000	0.0029	0.0087	0.0008	0.0000	0.0294	0.0217	0.0111
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_lanceolatus	0.0710	0.0000	0.0000	0.0048	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_unidentified_Rhytismatales_sp_5552	0.0000	0.0000	0.0326	0.0022	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Macrolepiota_mastoidea	0.0677	0.0000	0.0000	0.0046	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella_cinereoumbrina	0.0000	0.0000	0.0304	0.0021	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_cf_fortinii_GK_2010	0.0000	0.0029	0.0022	0.0003	0.0000	0.0294	0.0217	0.0111
Glomeromycota_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_Glomeromycota	0.0000	0.0029	0.0022	0.0003	0.0000	0.0294	0.0217	0.0111

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae_Xenostigmina_zilleri	0.0645	0.0000	0.0000	0.0044	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_sp_SB60	0.0645	0.0000	0.0000	0.0044	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Clitocybe_sp	0.0645	0.0000	0.0000	0.0044	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Paxillaceae_Paxillus_sp	0.0000	0.0000	0.0283	0.0019	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Sebacina_helvelloides	0.0000	0.0735	0.0000	0.0050	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_Ascomycota_sp_N21	0.0000	0.0000	0.0261	0.0018	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Melanophyllum_haematospermum	0.0613	0.0000	0.0000	0.0041	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_uncultured_Tricholoma	0.0613	0.0000	0.0000	0.0041	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_Incertaesedis_Oliveonia_pauxilla	0.0613	0.0000	0.0000	0.0041	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Sclerodermataceae_Scleroderma_verrucosum	0.0000	0.0000	0.0239	0.0016	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_submembranacea	0.0581	0.0000	0.0000	0.0039	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Amphispheariaceae_Pestalotiopsis_citrina	0.0000	0.0000	0.0196	0.0013	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Ascomycota_Eurotiomycetes_Onygenales_Onygenaceae_Amauroascus_albicans	0.0548	0.0000	0.0000	0.0037	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Lachnum_sp_FR_F3	0.0000	0.0000	0.0174	0.0012	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_Hydodontaceae_Trechispora_araneosa	0.0000	0.0000	0.0174	0.0012	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Thelephoraceae_sp_B275	0.0516	0.0000	0.0000	0.0035	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Wilcoxina_mikolae	0.0000	0.0000	0.0152	0.0010	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Trichoderma_sp_JZ_66	0.0000	0.0000	0.0130	0.0009	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_mycorrhizal_fungus	0.0000	0.0000	0.0130	0.0009	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_exigua	0.0484	0.0000	0.0000	0.0033	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_spinulosum	0.0000	0.0000	0.0109	0.0007	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Helotiaceae_sp_IV_GK_2010	0.0000	0.0000	0.0109	0.0007	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Ascomycota_Orbiliomycetes_Orbiliiales_Orbiliaceae_Dactylella_mammillata	0.0000	0.0000	0.0109	0.0007	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_uncultured_Tephrocyebe_sp	0.0000	0.0000	0.0109	0.0007	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales_unidentified_uncultured_Tremellales	0.0000	0.0000	0.0109	0.0007	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_Incertaesedis_Rhodotorula_sp	0.0000	0.0559	0.0000	0.0038	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Arachnopeziza_sp	0.0000	0.0000	0.0087	0.0006	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Dipodascaceae_Galactomyces_candidum	0.0000	0.0000	0.0087	0.0006	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_ascomycete_sp_KS10210	0.0000	0.0000	0.0087	0.0006	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Xerocomellus_pruinatus	0.0000	0.0000	0.0087	0.0006	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Botryobasidiaceae_Botryobasidium_sp	0.0000	0.0000	0.0087	0.0006	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Basidiomycota_Tremellomycetes_Filobasidiales_Filobasidiaceae_Cryptococcus_fuscescens	0.0000	0.0000	0.0087	0.0006	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_Epacris_microphylla_root_associated_fungu s_12	0.0000	0.0000	0.0087	0.0006	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_emetica	0.0000	0.0000	0.0783	0.0053	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_R1	0.0000	0.0000	0.0065	0.0004	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Corynesporascaceae_Corynespora_smithii	0.0419	0.0000	0.0000	0.0028	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_obsoletus	0.0419	0.0000	0.0000	0.0028	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Tremellomycetes_Cystofilobasidiales_Cystofilobasidiaceae_Cystofilobasidiaceae_s p	0.0419	0.0000	0.0000	0.0028	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Aspergillus_kanagawaensis	0.0000	0.0000	0.0043	0.0003	0.0000	0.0000	0.0435	0.0094
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Petrakia_sp	0.0000	0.0471	0.0000	0.0032	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrocybe_conica	0.0000	0.0471	0.0000	0.0032	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales_Gloniaceae_Gloniaceae_sp	0.0355	0.0000	0.0000	0.0024	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_aureocalceolatus	0.0355	0.0000	0.0000	0.0024	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_angulatosquamulosa	0.0355	0.0000	0.0000	0.0024	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meruliaceae_Phlebia_uda	0.0000	0.0441	0.0000	0.0030	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Herpotrichiellaceae_uncultured_Cladophialophora	0.0323	0.0000	0.0000	0.0022	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Glomerellaceae_Colletotrichum_sp_S358	0.0000	0.0412	0.0000	0.0028	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Thozetella_havanensis	0.0290	0.0000	0.0000	0.0020	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Lepiota_clypeolaria	0.0290	0.0000	0.0000	0.0020	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_aurantiomarginata	0.0290	0.0000	0.0000	0.0020	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Mycenella_lasiosperma	0.0290	0.0000	0.0000	0.0020	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Piloderma_sp	0.0290	0.0000	0.0000	0.0020	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_ruginosus	0.0290	0.0000	0.0000	0.0020	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Lophiostomataceae_Lophiostoma_compressum	0.0000	0.0353	0.0000	0.0024	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_sp_M_11_43_36	0.0000	0.0324	0.0000	0.0022	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinariaceae_sp_AT4_3OI	0.0000	0.0324	0.0000	0.0022	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_sp_MHOB1_01	0.0000	0.0324	0.0000	0.0022	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Glomeromycota_Glomeromycetes_Diversisporales_Acaulosporaceae_uncultured_Acaulosporace ae	0.0000	0.0324	0.0000	0.0022	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Sclerotiniaceae_Botrytis_cinerea	0.0226	0.0000	0.0000	0.0015	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae_uncultured_Helvella	0.0226	0.0000	0.0000	0.0015	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Mycenella_bryophila	0.0226	0.0000	0.0000	0.0015	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Plectosphaerellaceae_uncultured_Plectosphaerella	0.0000	0.0294	0.0000	0.0020	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_cf_pseudoreducta_EL24B07	0.0194	0.0000	0.0000	0.0013	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_Incertaesedis_Auricularia_sp	0.0194	0.0000	0.0000	0.0013	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Ceratobasidiaceae_uncultured_Ceratobasidiaceae	0.0194	0.0000	0.0000	0.0013	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Leotiomyces_Incertaesedis_Incertaesedis_Meliniomyces_sp_2_RT_2012	0.0000	0.0000	0.0522	0.0035	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Genea_sp_P020	0.0000	0.0265	0.0000	0.0018	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae_Clavulina_sp_BZ24089	0.0000	0.0265	0.0000	0.0018	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella_lilacinogrisea	0.0000	0.0265	0.0000	0.0018	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Helotiaceae_Articulospora_sp	0.0161	0.0000	0.0000	0.0011	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Otidea_alutacea	0.0161	0.0000	0.0000	0.0011	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Metacordyceps_sp	0.0161	0.0000	0.0000	0.0011	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_hercynicus	0.0161	0.0000	0.0000	0.0011	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Chalara_vaccinii	0.0000	0.0235	0.0000	0.0016	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Pleurophragmium_sp_J530	0.0000	0.0235	0.0000	0.0016	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertaesedis_Tetracladium_sp_WMM_2012d	0.0000	0.0235	0.0000	0.0016	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_uncultured_Nectriaceae	0.0000	0.0235	0.0000	0.0016	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Ophiocordycipitaceae_Ophiocordyceps_sp_TW_2014	0.0000	0.0235	0.0000	0.0016	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hymenogaster_huthii	0.0000	0.0235	0.0000	0.0016	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Ceratobasidiaceae_Ceratobasidium_sp	0.0000	0.0235	0.0000	0.0016	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Polyporaceae_Daedaleopsis_rubescens	0.0000	0.0235	0.0000	0.0016	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Aspergillus_sp	0.0129	0.0000	0.0000	0.0009	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_uncultured_Tuber	0.0129	0.0000	0.0000	0.0009	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae_Akanthomyces_novoguineensis	0.0129	0.0000	0.0000	0.0009	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_hinnuleoarmillatus	0.0129	0.0000	0.0000	0.0009	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Hemimycena_pseudolactea	0.0129	0.0000	0.0000	0.0009	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_semisanguifluus	0.0129	0.0000	0.0000	0.0009	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Gymnopus_peronatus	0.0000	0.0000	0.0457	0.0031	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Pseudoclathrosphaerina_sp	0.0000	0.0206	0.0000	0.0014	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_fulgens	0.0000	0.0206	0.0000	0.0014	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Chalara_pseudoaffinis	0.0097	0.0000	0.0000	0.0007	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_europaea	0.0097	0.0000	0.0000	0.0007	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Cotyldia_undulata	0.0097	0.0000	0.0000	0.0007	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Thelephoraceae_sp_B110	0.0097	0.0000	0.0000	0.0007	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_unidentified_Pleosporales_sp_F277808	0.0000	0.0176	0.0000	0.0012	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae_Lecanicillium_fusisporum	0.0000	0.0176	0.0000	0.0012	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Trichothecium_crotocinigenum	0.0000	0.0176	0.0000	0.0012	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Agaricus_excellens	0.0000	0.0176	0.0000	0.0012	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_geophylla_var_geophylla	0.0000	0.0176	0.0000	0.0012	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Ceratobasidiaceae_Ceratobasidium_sp_AG_I	0.0000	0.0176	0.0000	0.0012	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Chaetothyriaceae_Cyphellophora_pluriseptata	0.0065	0.0000	0.0000	0.0004	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_thomii	0.0065	0.0000	0.0000	0.0004	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_sp_PDKA10	0.0065	0.0000	0.0000	0.0004	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_largus	0.0065	0.0000	0.0000	0.0004	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_olivaceofuscus	0.0065	0.0000	0.0000	0.0004	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_sp_TO_2011	0.0065	0.0000	0.0000	0.0004	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_EXP0528F	0.0065	0.0000	0.0000	0.0004	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Cadophora_luteo_olivacea	0.0000	0.0147	0.0000	0.0010	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Cephalosporium_gramineum	0.0000	0.0147	0.0000	0.0010	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_heterophylla	0.0000	0.0147	0.0000	0.0010	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Pseudeurotiaceae_Pseudeurotium_sp	0.0032	0.0000	0.0000	0.0002	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_sp_30_BRO_2013	0.0032	0.0000	0.0000	0.0002	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_turiciensis	0.0032	0.0000	0.0000	0.0002	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Cystoderma_jasonis_var_jasonis	0.0032	0.0000	0.0000	0.0002	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_unidentified_Thelephorales_sp_MS20	0.0032	0.0000	0.0000	0.0002	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales_Incertaesedis_Dioszegia_sp_DBVPG_10049	0.0032	0.0000	0.0000	0.0002	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Mucoraceae_uncultured_Mucor	0.0032	0.0000	0.0000	0.0002	0.0323	0.0000	0.0000	0.0070

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertaesedis_Gloeotinia_temulenta	0.0000	0.0000	0.0370	0.0025	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Repetobasidiaceae_Rickenella_fibula	0.0000	0.0000	0.0370	0.0025	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Leptosphaeriaceae_Leptosphaeriaceae_sp	0.0000	0.0118	0.0000	0.0008	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_Incertaesedis_Auricularia_auricula_judae	0.0000	0.0118	0.0000	0.0008	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertaesedis_Infundichalara_microchona	0.0000	0.0000	0.0348	0.0023	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_lanuginosa_var_ovatocystis	0.0000	0.0000	0.0348	0.0023	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Otidea_mirabilis	0.0000	0.0088	0.0000	0.0006	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_uncultured_Tricholomataceae	0.0000	0.0088	0.0000	0.0006	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meruliaceae_Hypochnicium_geogenium	0.0000	0.0000	0.0326	0.0022	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertaesedis_Cadophora_malorum	0.0000	0.0059	0.0000	0.0004	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertaesedis_Tetracladium_sp_GMU_LL_02_C2	0.0000	0.0059	0.0000	0.0004	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Saccharomycetes_unidentified_unidentified_Saccharomycetes_sp	0.0000	0.0059	0.0000	0.0004	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_unidentified_uncultured_Microdochium	0.0000	0.0059	0.0000	0.0004	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_lilacina	0.0000	0.0059	0.0000	0.0004	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_flexuosus_var_roseozonatus	0.0000	0.0059	0.0000	0.0004	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_MT0838	0.0000	0.0059	0.0000	0.0004	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_verticillata	0.0000	0.0059	0.0000	0.0004	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Agaricus_lanipes	0.0000	0.0000	0.0304	0.0021	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Ceratobasidiaceae_Ceratobasidium_sp_Rr82	0.0000	0.0000	0.0283	0.0019	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Dothideomycetes_Botryosphaeriales_Botryosphaeriaceae_Neofusicoccum_australe	0.0000	0.0029	0.0000	0.0002	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Triscelophorus_monosporus	0.0000	0.0029	0.0000	0.0002	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Leotiomyces_Incertaesedis_Incertaesedis_Geomyces_pannorum_var_asperulatus	0.0000	0.0029	0.0000	0.0002	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_Leotiomyces_Leotiales_Leotiaceae_Alatospora_sp	0.0000	0.0029	0.0000	0.0002	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_ascomycete_sp_olrim79	0.0000	0.0029	0.0000	0.0002	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_Ascomycota_sp_N32	0.0000	0.0029	0.0000	0.0002	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_uncultured_Alnicola	0.0000	0.0029	0.0000	0.0002	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_sp_MKACC51882	0.0000	0.0029	0.0000	0.0002	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Psathyrellaceae_Coprinellus_micaceus	0.0000	0.0029	0.0000	0.0002	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_unidentified_Polyporales_sp	0.0000	0.0029	0.0000	0.0002	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella_bryophila	0.0000	0.0029	0.0000	0.0002	0.0000	0.0294	0.0000	0.0064

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_Helotiales_sp_4_KO_2013	0.0000	0.0000	0.0261	0.0018	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Zignoella_pulviscula	0.0000	0.0000	0.0261	0.0018	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Phallales_Phallaceae_Phallus_impudicus	0.0000	0.0000	0.0261	0.0018	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Tylopilus_felleus	0.0000	0.0000	0.0239	0.0016	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_phalloides	0.0000	0.0000	0.0217	0.0015	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_brunneoviolacea	0.0000	0.0000	0.0217	0.0015	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_sp_MCVE_997	0.0000	0.0000	0.0196	0.0013	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales_unidentified_uncultured_Archaeosporales	0.0000	0.0000	0.0196	0.0013	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Chalara_sp_YTH_2012b	0.0000	0.0000	0.0174	0.0012	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Mytiliniaceae_Lophium_sp	0.0000	0.0000	0.0152	0.0010	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_uncultured_Lachnum	0.0000	0.0000	0.0152	0.0010	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Orbiliomycetes_Orbiliiales_Orbiliaceae_Dactylellina_ellipsospora	0.0000	0.0000	0.0152	0.0010	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_Hydodontaceae_Trechispora_hymenocystis	0.0000	0.0000	0.0152	0.0010	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Cunninghamellaceae_Absidia_cylindrospora	0.0000	0.0000	0.0152	0.0010	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_unidentified_uncultured_Agaricales	0.0000	0.0000	0.0130	0.0009	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Thelephora_terrestris	0.0000	0.0000	0.0130	0.0009	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Phaeosphaeriaceae_Phaeosphaeriaceae_sp	0.0000	0.0000	0.0109	0.0007	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_sp_FF52	0.0000	0.0000	0.0109	0.0007	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae_Laccaria_sp_HKAS53725	0.0000	0.0000	0.0109	0.0007	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_filopes	0.0000	0.0000	0.0109	0.0007	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Xerocomellus_rubellus	0.0000	0.0000	0.0109	0.0007	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Elaphomycetaceae_Elaphomyces_decipiens	0.0000	0.0000	0.0087	0.0006	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_sp_V3	0.0000	0.0000	0.0087	0.0006	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Meliniomyces_sp_GK_2010	0.0000	0.0000	0.0087	0.0006	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Orbiliomycetes_unidentified_unidentified_Orbiliomycetes_sp	0.0000	0.0000	0.0087	0.0006	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Phaeocollybia_graveolens	0.0000	0.0000	0.0087	0.0006	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_purpureofusca	0.0000	0.0000	0.0087	0.0006	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Sclerodermataceae_Scleroderma_citrinum	0.0000	0.0000	0.0087	0.0006	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Exobasidiomycetes_Microstromatales_Microstromataceae_Sympodiomyces_p_8A1	0.0000	0.0000	0.0087	0.0006	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Basidiomycota_Tremellomycetes_unidentified_unidentified_Tremellomycetes_sp	0.0000	0.0000	0.0087	0.0006	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae_Gymnostellatospora_sp	0.0000	0.0000	0.0065	0.0004	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Montagnulaceae_Paraconiothyrium_fuckelii	0.0000	0.0000	0.0065	0.0004	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Acephala_sp_4_MV_2011	0.0000	0.0000	0.0065	0.0004	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Trichoderma_paravidescens	0.0000	0.0000	0.0065	0.0004	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Ilyonectria_sp_KO_2013	0.0000	0.0000	0.0065	0.0004	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Plectosphaerellaceae_uncultured_Colletotrichum	0.0000	0.0000	0.0065	0.0004	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_casimiri	0.0000	0.0000	0.0065	0.0004	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_olivinus	0.0000	0.0000	0.0065	0.0004	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Amaurodon_sp	0.0000	0.0000	0.0065	0.0004	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_GQGC1	0.0000	0.0000	0.0065	0.0004	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Leptosphaeriaceae_Leptosphaeria_sp	0.0000	0.0000	0.0043	0.0003	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Pleosporaceae_Alternaria_triticina	0.0000	0.0000	0.0043	0.0003	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Lecanoromycetes_Teloschistales_Teloschistaceae_Sirenophila_sp_45_UA_2013	0.0000	0.0000	0.0043	0.0003	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Orbiliomycetes_Orbiliiales_Orbiliaceae_Dactylolella_drechsleri	0.0000	0.0000	0.0043	0.0003	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Chloridium_virescens_var_chlamydosporum	0.0000	0.0000	0.0043	0.0003	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae_Laccaria_sp_GMM7601	0.0000	0.0000	0.0043	0.0003	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_transitoria	0.0000	0.0000	0.0043	0.0003	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Pseudoomphalina_pachyphylla	0.0000	0.0000	0.0043	0.0003	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Polyporaceae_Diplomitoporus_rimosus	0.0000	0.0000	0.0043	0.0003	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricostilbomycetes_Agaricostilbales_unidentified_Agaricostilbales_sp	0.0000	0.0000	0.0043	0.0003	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_endophyte_sp_AP466	0.0000	0.0000	0.0043	0.0003	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_SLZ14	0.0000	0.0000	0.0043	0.0003	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_unidentified_Capnodiales_sp	0.0000	0.0000	0.0022	0.0001	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Leptosphaeriaceae_uncultured_Epicoccum	0.0000	0.0000	0.0022	0.0001	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_nodositatum	0.0000	0.0000	0.0022	0.0001	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_uncultured_Mollisia	0.0000	0.0000	0.0022	0.0001	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Lachnum_pygmaeum	0.0000	0.0000	0.0022	0.0001	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Rutstroemiaceae_Scleromitrla_candolleana	0.0000	0.0000	0.0022	0.0001	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot				Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	ALB	HAI	SCH	%	ALB	HAI	SCH	%
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Acephala_sp_WGS11780	0.0000	0.0000	0.0022	0.0001	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Pochonia_bulbillosa	0.0000	0.0000	0.0022	0.0001	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaedis_Magnaporthaceae_Mycoleptodiscus_sp	0.0000	0.0000	0.0022	0.0001	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaedis_Plectosphaerellaceae_Verticillium_leptobactrum	0.0000	0.0000	0.0022	0.0001	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Xylariaceae_Obolarina_dryophila	0.0000	0.0000	0.0022	0.0001	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Marasmius_tricolor	0.0000	0.0000	0.0022	0.0001	0.0000	0.0000	0.0217	0.0047

S 4.2.2.: splitted by dominant tree species per plot

a) Phylum

	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Basidiomycota	337.7	410.8	365.4	298.6	71.5	69.4	64.8	105.4	61.7	47.6
Ascomycota	125.4	63.8	95.2	171.5	23.1	56.0	45.6	70.3	70.6	38.3
unidentified	26.3	16.3	30.7	21.0	4.8	13.0	14.6	24.3	20.1	11.4
Zygomycota	4.3	3.1	2.7	2.8	0.7	4.0	4.8	4.5	3.7	2.7
Glomeromycota	0.3	0.0	0.0	0.1	0.0	0.1	0.0	0.1	0.1	0.1

b) Class

	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot			
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine
Basidiomycota_Agaricomycetes	336.2914	410.1600	364.4533	293.8857	71.0926	68.4714	63.4000	103.2000	59.8571
Ascomycota_Leotiomycetes	70.6329	34.5200	54.3733	117.3381	14.0114	30.3286	22.6000	34.3333	43.3333
unidentified_unidentified	26.3129	16.2600	30.6933	21.0143	4.7713	12.9857	14.6000	24.3333	20.1429
Ascomycota_Dothideomycetes	7.8514	5.8400	14.1133	15.6429	2.1988	7.3857	6.8000	14.5333	10.9048
Ascomycota_Pezizomycetes	37.5586	3.3000	16.4333	14.3476	3.6255	8.4571	3.4000	7.4000	3.9524
Ascomycota_Sordariomycetes	5.0543	2.3200	2.7333	4.7238	0.7506	5.1714	5.8000	6.3333	4.0000
Ascomycota_unidentified	1.8257	15.8800	1.9667	15.8381	1.7971	1.9857	3.6000	2.6000	4.0952
Zygomycota_Incertaesedis	4.3486	3.1400	2.7400	2.8381	0.6613	4.0000	4.8000	4.4667	3.6667
Ascomycota_Eurotiomycetes	1.7771	1.6600	0.7733	3.0952	0.3697	1.9857	2.4000	1.5333	3.0000
Ascomycota_Incertaesedis	0.2643	0.0400	4.6133	0.0571	0.2518	0.2714	0.2000	3.4000	0.1429
Basidiomycota_unidentified	0.1200	0.1600	0.1467	4.3524	0.2419	0.0286	0.4000	0.5333	1.0476
Basidiomycota_Tremellomycetes	0.6543	0.0400	0.2133	0.0714	0.0495	0.5429	0.4000	0.8000	0.2381
Ascomycota_Lecanoromycetes	0.2600	0.0400	0.1533	0.3571	0.0410	0.3429	0.4000	0.1333	0.7619
Basidiomycota_Microbotryomycetes	0.2471	0.3800	0.2400	0.1238	0.0501	0.2143	0.2000	0.4667	0.2857
Ascomycota_Saccharomycetes	0.1400	0.1600	0.0133	0.0095	0.0163	0.0429	0.4000	0.0667	0.0476
Basidiomycota_Pucciniomycetes	-	-	0.3067	-	0.0155	-	-	0.3333	-
Basidiomycota_Walleliomycetes	0.0914	0.0200	-	0.1048	0.0109	0.0143	0.2000	-	0.1429
Glomeromycota_Glomeromycetes	0.2871	-	0.0133	0.0667	0.0186	0.1143	-	0.0667	0.0952
Basidiomycota_Incertaesedis	0.2729	-	0.0200	0.0095	0.0153	0.1000	-	0.0667	0.0952
Basidiomycota_Exobasidiomycetes	-	0.0800	-	-	0.0040	-	0.2000	-	-
Ascomycota_Archaeorhizomycetes	-	-	-	0.0524	0.0027	-	-	-	0.1905
Ascomycota_Orbiliomycetes	0.0086	-	-	0.0571	0.0033	0.0286	-	-	0.1429
Glomeromycota_unidentified	0.0014	-	-	0.0048	0.0003	0.0143	-	-	0.0476
Basidiomycota_Agaricostilbomycetes	-	-	-	0.0095	0.0005	-	-	-	0.0476

c) Order

Order	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot					
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales	200.6386	232.6800	177.5933	122.295	2	37.1056	28.0429	27.4000	36.5333	20.2381	17.7239
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales	67.6929	138.4400	84.4800	93.2619	101.509	19.4269	20.1857	18.2000	25.4667	2-	13.2442
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales	56.2557	29.3600	50.3667	5	12.0188	22.0571	17.0000	30.2667	35.7619	16.5980	
unidentified_unidentified_unidentified	26.3129	16.2600	30.6933	21.0143	4.7713	12.9857	14.6000	24.3333	20.1429	11.3820	
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales	21.7500	32.0200	19.0600	16.0190	4.4964	6.5429	9.4000	11.6000	4.4762	5.0573	
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales	37.5586	3.3000	16.4333	14.3095	3.6236	8.4571	3.4000	7.4000	3.8095	3.6433	
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales	7.7229	0.4200	40.7333	7.3381	2.8449	3.0857	0.6000	15.5333	1.9524	3.3440	
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales	17.1200	0.2800	23.9733	2.6810	2.2295	4.0143	0.6000	4.9333	0.9048	1.6509	
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales	14.3571	3.9400	0.0533	23.8857	2.1375	2.9571	3.0000	0.2000	4.3333	1.6569	
Ascomycota_unidentified_unidentified	1.8257	15.8800	1.9667	15.8381	1.7971	1.9857	3.6000	2.6000	4.0952	1.9397	
Ascomycota_Leotiomycetes_unidentified	10.0743	4.1600	2.1067	12.7286	1.4711	5.0000	3.0000	1.3333	4.3810	2.1661	
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales	3.6029	2.7200	2.6800	2.1810	0.5660	3.6143	3.8000	4.1333	2.5714	2.2301	
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales	1.5714	2.1600	3.9733	14.8619	1.1420	1.0286	3.2000	2.2000	3.5714	1.5795	
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis	1.6029	0.5000	2.9067	6.4048	0.5776	2.0571	1.6000	3.9333	5.1429	2.0112	
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales	2.5586	1.6400	3.4600	6.2952	0.7062	2.3286	1.4000	2.6667	3.7619	1.6043	
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertaesedis	3.8614	0.5600	1.8000	1.9286	0.4124	3.0143	1.8000	2.5333	2.3333	1.5291	
Ascomycota_Dothideomycetes_unidentified	1.3686	1.5000	5.5600	1.1429	0.4844	1.3286	0.8000	4.9333	1.2857	1.3185	
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales	2.3143	0.6400	1.7000	0.3571	0.2536	2.4286	2.0000	3.8000	1.5238	1.5404	
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales	2.0571	2.2000	1.1733	1.7429	0.3630	1.3286	3.0000	2.1333	0.6667	1.1259	
Basidiomycota_Agaricomycetes_unidentified	0.8229	0.0200	0.9067	8.3190	0.5095	0.5286	0.2000	2.0667	2.6190	0.8552	
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales	1.1671	1.2400	0.1067	2.4190	0.2496	1.2857	2.2000	0.4667	2.5238	1.0229	
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales	2.8971	0.0400	5.8933	0.2048	0.4572	1.3286	0.2000	2.1333	0.2381	0.6160	
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis	0.2643	0.0400	4.6133	0.0571	0.2518	0.2714	0.2000	3.4000	0.1429	0.6340	
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales	0.1043	0.0200	6.4467	3.0857	0.4887	0.1286	0.2000	1.2667	0.9048	0.3949	
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales	0.7971	0.1600	0.2933	2.8429	0.2072	0.9571	0.6000	0.8000	0.3810	0.4325	
Basidiomycota_unidentified_unidentified	0.1200	0.1600	0.1467	4.3524	0.2419	0.0286	0.4000	0.5333	1.0476	0.3174	
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales	0.7457	0.4200	0.0333	0.6571	0.0939	0.3857	1.0000	0.2000	1.0952	0.4234	

Order	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales	1.4229	0.1400	1.0600	0.4238	0.1542	0.4714	0.4000	0.9333	0.3333	0.3377
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaedis	0.0614	1.2400	0.0600	0.7095	0.1048	0.1286	1.4000	0.2667	0.6190	0.3813
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales	0.0414	0.4400	0.0533	1.1714	0.0863	0.0714	0.8000	0.0667	0.8571	0.2836
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales	0.5486	-	0.6200	0.0524	0.0618	0.6571	-	0.9333	0.0952	0.2663
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales	1.0157	0.1000	0.2800	0.3286	0.0873	0.4714	0.6000	0.2000	0.2381	0.2384
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales	0.1443	-	0.1533	0.3048	0.0305	0.1571	-	0.5333	0.9524	0.2595
Ascomycota_Lecanoromycetes_unidentified	0.2443	0.0400	0.1533	0.3143	0.0381	0.3143	0.4000	0.1333	0.4762	0.2091
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales	0.1271	-	0.2600	1.4524	0.0931	0.1286	-	0.2667	0.2381	0.1000
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales	0.3257	0.0600	0.0600	0.0429	0.0247	0.2857	0.6000	0.0667	0.0952	0.1655
Ascomycota_Sordariomycetes_unidentified	0.2314	0.0600	0.1267	0.0095	0.0216	0.4143	0.2000	0.4000	0.0476	0.1677
Ascomycota_Eurotiomycetes_unidentified	0.0371	0.4200	0.0467	0.6238	0.0571	0.0286	0.2000	0.1333	0.3810	0.1173
Basidiomycota_Tremellomycetes_Trichosporonales	0.5171	-	0.0733	0.0143	0.0306	0.3000	-	0.5333	0.0476	0.1391
Ascomycota_Dothideomycetes_Venturiales	0.0029	-	0.9933	-	0.0504	0.0143	-	0.6667	-	0.1076
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales	0.0800	-	0.2200	0.0857	0.0195	0.1429	-	0.4000	0.1905	0.1158
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales	0.0800	0.0200	0.0533	0.0190	0.0087	0.1571	0.2000	0.2000	0.0476	0.0955
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales	0.1400	0.1600	-	0.0095	0.0157	0.0429	0.4000	-	0.0476	0.0775
Ascomycota_Sordariomycetes_Ophiostomatales	0.0086	0.0600	-	0.0190	0.0044	0.0286	0.4000	-	0.0952	0.0827
Basidiomycota_Pucciniomycetes_Pucciniales	-	-	0.3067	-	0.0155	-	-	0.3333	-	0.0526
Basidiomycota_Walleliomycetes_Geminibasidiales	0.0914	0.0200	-	0.1048	0.0109	0.0143	0.2000	-	0.1429	0.0564
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Leucosporidiales	0.0714	0.3800	-	-	0.0228	0.0429	0.2000	-	-	0.0384
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales	0.0800	-	0.0400	-	0.0061	0.1429	-	0.2000	-	0.0542
Basidiomycota_Tremellomycetes_Filobasidiales	0.0357	0.0200	-	0.0190	0.0038	0.0429	0.2000	-	0.0952	0.0534
Basidiomycota_Incertaedis_Malasseziales	0.2729	-	0.0200	0.0095	0.0153	0.1000	-	0.0667	0.0952	0.0414
Ascomycota_Leotiomycetes_Leotiales	0.1614	-	0.0467	-	0.0105	0.1571	-	0.1333	-	0.0459
Ascomycota_Dothideomycetes_Dothideales	0.0471	-	0.0133	0.0571	0.0060	0.0857	-	0.1333	0.0476	0.0421
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales	0.2043	-	-	-	0.0103	0.2143	-	-	-	0.0338
Ascomycota_Lecanoromycetes_Ostropales	-	-	-	0.0333	0.0017	-	-	-	0.2381	0.0376
Basidiomycota_Microbotryomycetes_unidentified	0.0957	-	0.0200	0.0381	0.0078	0.0286	-	0.0667	0.0952	0.0301
Basidiomycota_Exobasidiomycetes_Microstromatales	-	0.0800	-	-	0.0040	-	0.2000	-	-	0.0316
Ascomycota_Archaeorhizomycetes_Archaeorhizomycetales	-	-	-	0.0524	0.0027	-	-	-	0.1905	0.0301

Order	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales	0.1571	-	0.0133	-	0.0086	0.0714	-	0.0667	-	0.0218
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales	0.1143	-	-	0.0667	0.0092	0.0286	-	-	0.0952	0.0196
Ascomycota_Pezizomycetes_unidentified	-	-	-	0.0381	0.0019	-	-	-	0.1429	0.0226
Ascomycota_Sordariomycetes_Lulworthiales	0.0186	-	-	0.1095	0.0065	0.0571	-	-	0.0476	0.0165
Basidiomycota_Tremellomycetes_Cystofilobasidiales	0.0214	-	0.0867	-	0.0055	0.0429	-	0.0667	-	0.0173
Zygomycota_Incertaesedis_Endogonales	-	-	0.0267	-	0.0013	-	-	0.1333	-	0.0211
Ascomycota_Orbiliomycetes_Orbiliales	0.0086	-	-	0.0381	0.0024	0.0286	-	-	0.0952	0.0196
Ascomycota_Sordariomycetes_Phyllachorales	0.0300	-	0.0200	-	0.0025	0.0429	-	0.0667	-	0.0173
Ascomycota_Dothideomycetes_Botryosphaeriales	0.0100	-	0.0067	-	0.0008	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
Ascomycota_Lecanoromycetes_Teloschistales	0.0157	-	-	0.0095	0.0013	0.0286	-	-	0.0476	0.0120
Basidiomycota_Agaricomycetes_Incertaesedis	-	-	0.0200	-	0.0010	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_Saccharomycetes_unidentified	-	-	0.0133	-	0.0007	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Phallales	-	-	-	0.0571	0.0029	-	-	-	0.0476	0.0075
Ascomycota_Sordariomycetes_Coniochaetales	0.0271	-	-	-	0.0014	0.0571	-	-	-	0.0090
Glomeromycota_unidentified_unidentified	0.0014	-	-	0.0048	0.0003	0.0143	-	-	0.0476	0.0098
Ascomycota_Leotiomycetes_Thelebolales	0.1514	-	-	-	0.0077	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Orbiliomycetes_unidentified	-	-	-	0.0190	0.0010	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Tremellomycetes_unidentified	-	-	-	0.0190	0.0010	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Agaricostilbomycetes_Agaricostilbales	-	-	-	0.0095	0.0005	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Agaricomycetes_Geastrales	0.0643	-	-	-	0.0033	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Leotiomycetes_Geoglossales	0.0871	-	-	-	0.0044	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Eurotiomycetes_Onygenales	0.0243	-	-	-	0.0012	0.0143	-	-	-	0.0023
Glomeromycota_Glomeromycetes_Diversisporales	0.0157	-	-	-	0.0008	0.0143	-	-	-	0.0023

d) Family

Family	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae	200.6357	232.6800	177.5400	122.2286	37.0994	28.0286	27.4000	36.4667	20.0952	17.6886
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae	18.3571	111.6800	20.9200	80.6476	11.7209	5.0714	10.4000	5.3333	11.1429	5.0460
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified	26.3129	16.2600	30.6933	21.0143	4.7713	12.9857	14.6000	24.3333	20.1429	11.3820
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified	15.1829	6.6200	21.8467	27.4286	3.5971	8.3714	7.8000	12.4667	12.9524	6.5691
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae	21.7500	32.0200	18.9467	16.0190	4.4907	6.5429	9.4000	11.4000	4.4762	5.0257
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae	19.7786	1.4800	6.0733	32.6952	3.0378	5.8714	2.0000	3.0667	8.3810	3.0514
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae	7.5886	0.4200	37.9733	7.3381	2.6984	2.9143	0.6000	12.7333	1.9524	2.8746
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae	32.6900	1.5800	13.8933	4.4667	2.6635	6.1286	0.8000	4.9333	1.9524	2.1819
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae	1.1900	0.1400	17.3267	17.5095	1.8303	0.6000	0.2000	8.4000	6.3810	2.4610
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae	11.2143	16.8800	3.5267	3.8905	1.7971	4.3000	4.2000	3.2000	3.4762	2.3970
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae	8.1057	0.0400	42.7400	0.9143	2.6215	2.1286	0.2000	6.4667	0.6667	1.4945
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae	17.1200	0.2800	23.9733	2.6810	2.2295	4.0143	0.6000	4.9333	0.9048	1.6509
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified	1.8257	15.8800	1.9667	15.8381	1.7971	1.9857	3.6000	2.6000	4.0952	1.9397
Ascomycota_Leotiomycetes_unidentified_unidentified	10.0743	4.1600	2.1067	12.7286	1.4711	5.0000	3.0000	1.3333	4.3810	2.1661
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae	12.4014	1.1600	0.0533	23.0810	1.8571	2.7286	2.0000	0.2000	3.7619	1.3726
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae	4.3771	16.5200	1.1600	1.6667	1.2006	2.3857	4.0000	2.6667	1.6667	1.6930
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis	12.7957	1.3200	2.5667	1.7000	0.9303	4.2429	1.6000	2.9333	2.3810	1.7622
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae	3.4857	2.6200	2.6600	1.9286	0.5412	3.4571	3.4000	4.0667	2.2857	2.0864
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae	2.9214	3.2600	1.3933	20.5095	1.4213	0.5714	1.2000	0.7333	4.0000	1.0274
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales_Gloniaceae	2.5586	1.6400	3.4600	6.2952	0.7062	2.3286	1.4000	2.6667	3.7619	1.6043
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae	9.4586	-	5.2467	0.5667	0.7729	2.7429	-	3.8000	0.9048	1.1763
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis	3.8614	0.5600	1.8000	1.9286	0.4124	3.0143	1.8000	2.5333	2.3333	1.5291
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae	10.2014	0.1400	2.9200	1.5286	0.7485	2.5714	0.6000	2.6000	1.2857	1.1147
Ascomycota_Dothideomycetes_unidentified_unidentified	1.3686	1.5000	5.5600	1.1429	0.4844	1.3286	0.8000	4.9333	1.2857	1.3185
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae	0.7043	0.3200	1.2533	5.8571	0.4117	1.1000	0.8000	1.9333	4.7143	1.3501
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_Hydnodontaceae	1.1471	0.5200	2.4000	13.8667	0.9076	0.4143	0.8000	0.6667	1.7143	0.5679
Basidiomycota_Agaricomycetes_unidentified_unidentified	0.8229	0.0200	0.9067	8.3190	0.5095	0.5286	0.2000	2.0667	2.6190	0.8552
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Discinaceae	0.6929	1.1800	0.1400	9.6810	0.5918	0.6571	2.0000	0.1333	1.4286	0.6664

Family	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_unidentified	0.4243	1.6400	1.5733	0.9952	0.2345	0.6143	2.4000	1.5333	1.8571	1.0116
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae	2.5800	6.6600	1.0133	0.1095	0.5244	1.1286	1.2000	0.6000	0.2857	0.5077
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis	0.2643	0.0400	4.6133	0.0571	0.2518	0.2714	0.2000	3.4000	0.1429	0.6340
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae	2.6714	0.0400	3.8600	0.0190	0.3335	1.1143	0.2000	1.6667	0.0952	0.4859
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae	2.7814	0.0600	2.0867	0.0095	0.2499	0.9571	0.2000	1.7333	0.0476	0.4641
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae	0.2571	0.8400	0.0600	0.4190	0.0798	0.4857	1.8000	0.2667	1.3810	0.6213
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_unidentified	0.0829	-	5.8000	2.7714	0.4380	0.0857	-	0.9333	0.6190	0.2587
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae	1.3800	0.2600	0.8467	0.0857	0.1302	1.1143	0.6000	1.5333	0.3333	0.5656
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_unidentified	1.4386	1.3000	0.9733	0.0571	0.1907	0.6857	1.0000	1.3333	0.0952	0.4919
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Pseudeurotiaceae	0.4029	0.1800	0.9933	0.1048	0.0851	0.7143	0.8000	1.6000	0.3333	0.5445
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_unidentified	0.1343	-	2.7600	-	0.1465	0.1714	-	2.8000	-	0.4693
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae	2.4657	-	5.3667	0.2000	0.4065	0.2286	-	0.8667	0.1905	0.2031
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae	2.6157	0.3200	0.7333	0.2333	0.1975	0.9286	1.0000	0.1333	0.5238	0.4084
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae	0.3286	-	0.2600	5.0048	0.2831	0.2571	-	0.4667	1.1905	0.3024
Basidiomycota_unidentified_unidentified_unidentified	0.1200	0.1600	0.1467	4.3524	0.2419	0.0286	0.4000	0.5333	1.0476	0.3174
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Chaetomiaceae	0.7157	0.1000	0.2933	2.8238	0.1990	0.7143	0.4000	0.8000	0.2857	0.3475
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Elaphomycetaceae	0.8871	-	0.0333	1.9381	0.1447	0.7571	-	0.1333	1.0000	0.2986
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Umbelopsidaceae	0.6200	0.3600	0.0267	0.6143	0.0820	0.3286	0.8000	0.1333	0.9524	0.3497
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae	0.2257	0.1200	0.2467	0.1095	0.0355	0.3714	0.6000	0.7333	0.6190	0.3670
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis	0.5343	0.1400	0.3667	0.0429	0.0548	0.6286	0.4000	0.8000	0.1905	0.3189
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_Rhytismataceae	0.0200	0.4400	0.0533	1.1714	0.0853	0.0429	0.8000	0.0667	0.8571	0.2790
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae	1.0157	0.1000	0.2800	0.3286	0.0873	0.4714	0.6000	0.2000	0.2381	0.2384
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae	0.5571	2.6600	0.1133	0.0667	0.1719	0.1286	0.4000	0.2000	0.0476	0.1226
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Annulatascaceae	0.0071	0.9800	0.0400	0.6476	0.0848	0.0143	0.4000	0.2000	0.5238	0.1798
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_unidentified	0.2171	-	0.9133	0.0810	0.0613	0.0571	-	1.0000	0.1905	0.1971
Ascomycota_Lecanoromycetes_unidentified_unidentified	0.2443	0.0400	0.1533	0.3143	0.0381	0.3143	0.4000	0.1333	0.4762	0.2091
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_unidentified	0.3729	0.4800	0.0467	0.1524	0.0532	0.1429	0.4000	0.2000	0.3810	0.1775
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meruliaceae	0.6557	0.1400	0.5467	0.0714	0.0715	0.2571	0.4000	0.2667	0.0476	0.1534
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Hydniaceae	0.1557	-	2.0333	0.1238	0.1170	0.0571	-	0.4667	0.0952	0.0978

Family	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Sclerodermataceae	-	1.3400	-	0.0952	0.0726	-	0.6000	-	0.1905	0.1249
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Roesleriaceae	0.4857	-	0.6600	0.4429	0.0804	0.2000	-	0.4000	0.0952	0.1098
Ascomycota_Sordariomycetes_unidentified_unidentified	0.2314	0.0600	0.1267	0.0095	0.0216	0.4143	0.2000	0.4000	0.0476	0.1677
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertaesedis	0.1143	0.1600	0.1533	-	0.0216	0.1429	0.4000	0.4667	-	0.1595
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Schizoporaceae	0.0214	0.0200	0.6467	0.2333	0.0466	0.0429	0.2000	0.3333	0.2381	0.1286
Ascomycota_Eurotiomycetes_unidentified_unidentified	0.0371	0.4200	0.0467	0.6238	0.0571	0.0286	0.2000	0.1333	0.3810	0.1173
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_unidentified	0.0943	-	0.2200	1.4524	0.0894	0.1000	-	0.2000	0.2381	0.0850
Basidiomycota_Tremellomycetes_Trichosporonales_Trichosporonaceae	0.5171	-	0.0733	0.0143	0.0306	0.3000	-	0.5333	0.0476	0.1391
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_unidentified	0.1171	0.1000	0.0200	0.2524	0.0248	0.1571	0.4000	0.0667	0.2857	0.1437
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Paxillaceae	1.9557	-	-	0.2000	0.1091	0.2286	-	-	0.1429	0.0587
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Magnaporthaceae	0.0157	0.2400	-	0.0571	0.0158	0.0714	0.8000	-	0.0476	0.1452
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Leptosphaeriaceae	0.4400	0.0600	0.0067	-	0.0256	0.3714	0.4000	0.0667	-	0.1324
Ascomycota_Dothideomycetes_Venturiales_Venturiaceae	0.0029	-	0.9933	-	0.0504	0.0143	-	0.6667	-	0.1076
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae	0.4257	0.0600	0.3867	0.0048	0.0444	0.2714	0.2000	0.2000	0.0476	0.1136
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_unidentified	0.1357	-	0.4133	0.0524	0.0304	0.2143	-	0.4667	0.0952	0.1226
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meripilaceae	0.1457	-	0.5000	0.1429	0.0399	0.0286	-	0.5333	0.1429	0.1113
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Herpotrichiellaceae	0.3000	-	0.1933	-	0.0250	0.3571	-	0.4000	-	0.1196
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Bionectriaceae	0.0357	0.1000	0.0933	0.0667	0.0150	0.0857	0.2000	0.2667	0.2381	0.1249
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_unidentified	-	-	0.0200	0.1952	0.0109	-	-	0.1333	0.6667	0.1264
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_unidentified	-	1.4400	-	-	0.0729	-	0.4000	-	-	0.0632
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_unidentified	0.0229	0.4000	0.0133	0.0619	0.0252	0.0429	0.4000	0.0667	0.1429	0.1030
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Tubeufiaceae	-	0.3400	-	0.0190	0.0182	-	0.6000	-	0.0476	0.1023
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Togniniaceae	0.0557	-	0.1333	0.0286	0.0110	0.1000	-	0.4000	0.1905	0.1091
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pezizaceae	0.2886	-	0.2200	-	0.0257	0.3000	-	0.2667	-	0.0895
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Entolomataceae	0.9971	-	0.1800	-	0.0596	0.1714	-	0.1333	-	0.0481
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Lophiostomataceae	0.0243	-	-	1.5238	0.0783	0.0429	-	-	0.1429	0.0293
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Niaceae	0.0600	-	0.1267	0.0143	0.0102	0.1143	-	0.4000	0.0476	0.0888
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Venturiaceae	0.0157	0.0200	0.0333	0.0429	0.0057	0.0429	0.2000	0.2000	0.1429	0.0925
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_unidentified	0.0557	0.0400	-	-	0.0048	0.1571	0.4000	-	-	0.0880

Family	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae	0.0143	0.0200	0.0733	0.0048	0.0057	0.0286	0.2000	0.2667	0.0476	0.0857
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Pleosporaceae	0.0014	0.2200	0.0067	0.0667	0.0149	0.0143	0.2000	0.0667	0.1905	0.0745
Ascomycota_Sordariomycetes_Ophiostomatales_Ophiostomataceae	0.0086	0.0600	-	0.0190	0.0044	0.0286	0.4000	-	0.0952	0.0827
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_unidentified	0.0200	-	0.1333	0.0857	0.0121	0.0571	-	0.2000	0.1905	0.0707
Basidiomycota_Pucciniomycetes_Pucciniales_unidentified	-	-	0.3067	-	0.0155	-	-	0.3333	-	0.0526
Basidiomycota_Walleliomycetes_Geminibasidiales_Geminibasidiaceae	0.0914	0.0200	-	0.1048	0.0109	0.0143	0.2000	-	0.1429	0.0564
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Cunninghamellaceae	0.0200	0.0600	-	0.0429	0.0062	0.0286	0.2000	-	0.1429	0.0587
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Xylariaceae	0.2643	0.0200	-	-	0.0144	0.1143	0.2000	-	-	0.0496
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae	0.2543	-	0.0467	-	0.0152	0.1714	-	0.1333	-	0.0481
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales_Incertaesedis	0.0800	-	0.0533	-	0.0067	0.1571	-	0.2000	-	0.0564
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Cephalothecaceae	0.0500	0.0600	-	-	0.0056	0.1571	0.2000	-	-	0.0564
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Leucosporidiales_Leucosporidiaceae	0.0714	0.3800	-	-	0.0228	0.0429	0.2000	-	-	0.0384
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Plectosphaerellaceae	0.0186	0.0200	0.0200	0.0048	0.0032	0.0286	0.2000	0.0667	0.0476	0.0542
Basidiomycota_Tremellomycetes_Filobasidiales_Filobasidiaceae	0.0357	0.0200	-	0.0190	0.0038	0.0429	0.2000	-	0.0952	0.0534
Ascomycota_Leotiomycetes_Leotiales_Leotiaceae	0.1614	-	0.0467	-	0.0105	0.1571	-	0.1333	-	0.0459
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae	0.0857	-	0.0733	-	0.0080	0.1000	-	0.2000	-	0.0474
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_Incertaesedis	0.0600	-	0.0867	-	0.0074	0.0857	-	0.2000	-	0.0451
Basidiomycota_Incertaesedis_Malasseziales_Incertaesedis	0.2329	-	0.0200	0.0095	0.0133	0.0857	-	0.0667	0.0952	0.0391
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Xenasmataceae	0.5600	-	-	0.1476	0.0358	0.0571	-	-	0.0476	0.0165
Ascomycota_Dothideomycetes_Dothideales_Dothioraceae	0.0471	-	0.0133	0.0571	0.0060	0.0857	-	0.1333	0.0476	0.0421
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Polyporaceae	0.0114	-	0.0133	0.0619	0.0044	0.0143	-	0.1333	0.0952	0.0384
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Microascaceae	0.0671	-	0.0333	-	0.0051	0.1000	-	0.1333	-	0.0369
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Dipodascaceae	-	0.0400	-	0.0095	0.0025	-	0.2000	-	0.0476	0.0391
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales_unidentified	-	0.0200	-	0.0190	0.0020	-	0.2000	-	0.0476	0.0391
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_unidentified	0.0029	0.1200	-	-	0.0062	0.0143	0.2000	-	-	0.0338
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Sarcosomataceae	0.4786	-	-	-	0.0242	0.1000	-	-	-	0.0158
Ascomycota_Lecanoromycetes_Ostropales_Stictidaceae	-	-	-	0.0333	0.0017	-	-	-	0.2381	0.0376
Basidiomycota_Microbotryomycetes_unidentified_unidentified	0.0957	-	0.0200	0.0381	0.0078	0.0286	-	0.0667	0.0952	0.0301
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Suillaceae	-	-	-	0.3000	0.0152	-	-	-	0.1429	0.0226

Family	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_unidentified	-	-	0.1133	-	0.0057	-	-	0.2000	-	0.0316
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Phaeosphaeriaceae	-	0.1000	-	-	0.0051	-	0.2000	-	-	0.0316
Basidiomycota_Exobasidiomycetes_Microstromatales_Microstromataceae	-	0.0800	-	-	0.0040	-	0.2000	-	-	0.0316
Ascomycota_Archaeorhizomycetes_Archaeorhizomycetales_unidentified	-	-	-	0.0524	0.0027	-	-	-	0.1905	0.0301
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Rutstroemiaceae	-	0.0200	-	-	0.0010	-	0.2000	-	-	0.0316
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Stephanosporaceae	-	-	0.0533	0.0619	0.0058	-	-	0.0667	0.0952	0.0256
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Chaetothyriaceae	0.1129	-	0.0133	-	0.0064	0.0857	-	0.0667	-	0.0241
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Ophiocordycipitaceae	0.0200	-	-	0.0476	0.0034	0.0714	-	-	0.0952	0.0263
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Clavariaceae	0.1071	-	0.0333	-	0.0071	0.0714	-	0.0667	-	0.0218
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Serpulaceae	-	-	-	0.2095	0.0106	-	-	-	0.0952	0.0150
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales_Claroideoglomeraceae	0.1314	-	0.0133	-	0.0073	0.0429	-	0.0667	-	0.0173
Ascomycota_Pezizomycetes_unidentified_unidentified	-	-	-	0.0381	0.0019	-	-	-	0.1429	0.0226
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Ceratobasidiaceae	0.0443	-	-	0.0619	0.0054	0.0714	-	-	0.0476	0.0188
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_unidentified	0.0143	-	-	0.0190	0.0017	0.0429	-	-	0.0952	0.0218
Ascomycota_Sordariomycetes_Lulworthiales_Lulworthiaceae	0.0186	-	-	0.1095	0.0065	0.0571	-	-	0.0476	0.0165
Zygomycota_Incertaesedis_Endogonales_Endogonaceae	-	-	0.0267	-	0.0013	-	-	0.1333	-	0.0211
Ascomycota_Orbiliomycetes_Orbiliales_Orbiliaceae	0.0086	-	-	0.0381	0.0024	0.0286	-	-	0.0952	0.0196
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Mucoraceae	0.1057	-	0.0067	-	0.0057	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae	0.1371	-	-	-	0.0069	0.0857	-	-	-	0.0135
Ascomycota_Sordariomycetes_Phyllachorales_Phyllachoraceae	0.0300	-	0.0200	-	0.0025	0.0429	-	0.0667	-	0.0173
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Diaporthaceae	-	-	-	0.0810	0.0041	-	-	-	0.0952	0.0150
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales_Archaeosporaceae	0.1143	-	-	0.0238	0.0070	0.0286	-	-	0.0476	0.0120
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_Incertaesedis	0.0329	-	0.0400	-	0.0037	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Ganodermataceae	0.0486	-	-	-	0.0025	0.1000	-	-	-	0.0158
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Amphisphaeriaceae	-	-	-	0.0429	0.0022	-	-	-	0.0952	0.0150
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_unidentified	0.0557	-	-	-	0.0028	0.0857	-	-	-	0.0135
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Hyponectriaceae	0.0057	-	0.0600	-	0.0033	0.0143	-	0.0667	-	0.0128

Family	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Ascomycota_Dothideomycetes_Botryosphaeriales_Botryosphaeriaceae	0.0100	-	0.0067	-	0.0008	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
Basidiomycota_Tremellomycetes_Cystofilobasidiales_Cystofilobasidiaceae	-	-	0.0867	-	0.0044	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Ceratocystidaceae	0.0029	-	0.0067	-	0.0005	0.0143	-	0.0667	-	0.0128
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Repetobasidiaceae	-	-	-	0.0810	0.0041	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Agaricomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis	-	-	0.0200	-	0.0010	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_Saccharomycetes_unidentified_unidentified	-	-	0.0133	-	0.0007	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Phallales_Phallaceae	-	-	-	0.0571	0.0029	-	-	-	0.0476	0.0075
Ascomycota_Sordariomycetes_Coniochaetales_Coniochaetaceae	0.0271	-	-	-	0.0014	0.0571	-	-	-	0.0090
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Bondarzewiaceae	0.0029	-	-	0.0048	0.0004	0.0143	-	-	0.0476	0.0098
Glomeromycota_unidentified_unidentified_unidentified	0.0014	-	-	0.0048	0.0003	0.0143	-	-	0.0476	0.0098
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Cantharellaceae	0.0200	-	-	-	0.0010	0.0571	-	-	-	0.0090
Ascomycota_Leotiomycetes_Thelebolales_Thelebolaceae	0.1514	-	-	-	0.0077	0.0143	-	-	-	0.0023
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales_unidentified	-	-	-	0.0429	0.0022	-	-	-	0.0476	0.0075
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Mytilinidiaceae	-	-	-	0.0333	0.0017	-	-	-	0.0476	0.0075
Ascomycota_Orbiliomycetes_unidentified_unidentified	-	-	-	0.0190	0.0010	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Tremellomycetes_unidentified_unidentified	-	-	-	0.0190	0.0010	-	-	-	0.0476	0.0075
Ascomycota_Lecanoromycetes_Teloschistales_Teloschistaceae	-	-	-	0.0095	0.0005	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Agaricostilbomycetes_Agaricostilbales_unidentified	-	-	-	0.0095	0.0005	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Tremellomycetes_Cystofilobasidiales_Incertaesedis	0.0214	-	-	-	0.0011	0.0429	-	-	-	0.0068
Basidiomycota_Agaricomycetes_Geastrales_Geastraceae	0.0643	-	-	-	0.0033	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Lasiosphaeriaceae	0.0171	-	-	-	0.0009	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Antennulariellaceae	0.0114	-	-	-	0.0006	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Valsaceae	0.0114	-	-	-	0.0006	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis	0.0100	-	-	-	0.0005	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Leotiomycetes_Geoglossales_Geoglossaceae	0.0871	-	-	-	0.0044	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Saccharomycetaceae	0.0786	-	-	-	0.0040	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Melanconidaceae	0.0771	-	-	-	0.0039	0.0143	-	-	-	0.0023

Family	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales_Glomeraceae	0.0257	-	-	-	0.0013	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_unidentified	0.0214	-	-	-	0.0011	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_unidentified	0.0186	-	-	-	0.0009	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Lecanoromycetes_Teloschistales_unidentified	0.0157	-	-	-	0.0008	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Incertaedis	0.0586	-	-	-	0.0030	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Halosphaeriaceae	0.0100	-	-	-	0.0005	0.0286	-	-	-	0.0045
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Botryobasidiaceae	0.0057	-	-	-	0.0003	0.0286	-	-	-	0.0045
Basidiomycota_Incertaedis_Malasseziales_unidentified	0.0400	-	-	-	0.0020	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Eurotiomycetes_Onygenales_Onygenaceae	0.0243	-	-	-	0.0012	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaedis_Glomerellaceae	0.0200	-	-	-	0.0010	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Corynesporascaceae	0.0186	-	-	-	0.0009	0.0143	-	-	-	0.0023
Glomeromycota_Glomeromycetes_Diversisporales_Acaulosporaceae	0.0157	-	-	-	0.0008	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Sclerotiniaceae	0.0100	-	-	-	0.0005	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Montagnulaceae	0.0043	-	-	-	0.0002	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Psathyrellaceae	0.0014	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_unidentified	0.0014	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023

e) Genus

Genus	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula	26.8871	26.2400	144.7667	41.8952	12.1351	8.8857	6.0000	27.4667	9.1429	8.1335
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_unidentified	157.8771	2.1200	15.9733	57.1857	11.7994	15.4857	2.8000	7.1333	8.0000	5.2784
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius	13.6986	204.3200	16.8000	20.0476	12.8981	3.4143	18.6000	1.8667	2.5714	4.1781
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified	26.3129	16.2600	30.6933	21.0143	4.7713	12.9857	14.6000	24.3333	20.1429	11.3820
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_unidentified	3.2814	104.9400	4.9800	58.4952	8.6891	1.6000	5.6000	1.2000	6.1905	2.3045
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_unidentified	15.1829	6.6200	21.8467	27.4286	3.5971	8.3714	7.8000	12.4667	12.9524	6.5691
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_unidentified	18.3629	21.2000	11.9733	13.1571	3.2740	5.2714	7.6000	8.2000	3.0476	3.8095

Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena	15.0757	6.7400	15.9133	22.1524	3.0304	3.4714	4.8000	4.0667	4.9524	2.7310
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_unidentified	18.3000	1.4200	4.0867	32.2810	2.8384	5.0143	1.6000	2.6667	7.8571	2.7069
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_unidentified	29.0443	0.0800	13.4800	4.3238	2.3749	5.0286	0.4000	4.5333	1.5714	1.8217
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrophorus	6.5500	0.0400	42.7333	0.9143	2.5424	1.3429	0.2000	6.4000	0.6667	1.3598
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified	1.8257	15.8800	1.9667	15.8381	1.7971	1.9857	3.6000	2.6000	4.0952	1.9397
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_unidentified	5.5657	0.2400	23.6000	7.0810	1.8465	2.0571	0.4000	7.3333	1.6190	1.8021
Ascomycota_Leotiomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	10.0743	4.1600	2.1067	12.7286	1.4711	5.0000	3.0000	1.3333	4.3810	2.1661
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_unidentified	7.9629	16.8000	3.1867	2.6524	1.5487	3.3000	4.0000	2.6000	3.1905	2.0676
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala	1.1543	0.1400	16.5933	11.9762	1.5113	0.5000	0.2000	7.3333	4.4286	1.9683
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Sebacina	14.6743	0.2800	19.4133	2.6333	1.8725	2.8000	0.6000	2.9333	0.7143	1.1132
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales_Gloniaceae_Cenococcum	2.5429	1.6400	3.4600	6.2952	0.7054	2.3143	1.4000	2.6667	3.7619	1.6020
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Lachnum	2.7543	3.2200	1.3267	18.5762	1.3096	0.3571	1.0000	0.4000	3.5714	0.8416
Zygomycota_Incertaedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella	1.9800	2.2200	1.6067	1.7381	0.3818	2.5429	2.6000	3.1333	1.9524	1.6156
Ascomycota_Dothideomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	1.3686	1.5000	5.5600	1.1429	0.4844	1.3286	0.8000	4.9333	1.2857	1.3185
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Xerocomus	8.8500	-	-	16.6048	1.2882	0.9857	-	-	1.3333	0.3663
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe	8.4957	-	4.8867	0.0524	0.6799	2.1286	-	3.1333	0.1905	0.8612
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_unidentified	2.5186	14.3800	0.4000	0.7619	0.9140	0.8571	1.8000	0.6667	0.6190	0.6228
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_Hydodontaceae_Trechispora	1.1471	0.5200	2.4000	13.8667	0.9076	0.4143	0.8000	0.6667	1.7143	0.5679
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaedis_Myxotrichaceae_Oidiendron	0.5271	0.3200	1.0933	4.8905	0.3457	0.8286	0.8000	1.6667	3.7619	1.1147
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertaedis_Incertaedis_Meliniomyces	3.3386	0.1600	1.6133	1.7857	0.3491	2.1286	1.0000	1.9333	1.9524	1.1079
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaedis_Tetracladium	11.1771	0.1600	0.7533	0.1143	0.6176	3.0000	0.6000	1.0000	0.1905	0.7566
Basidiomycota_Agaricomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	0.8229	0.0200	0.9067	8.3190	0.5095	0.5286	0.2000	2.0667	2.6190	0.8552
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_unidentified	9.0071	0.0800	2.1533	0.5810	0.5983	2.1571	0.4000	1.7333	0.5238	0.7604
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Discinaceae_Hydnotrya	0.6929	1.1800	0.1400	9.6810	0.5918	0.6571	2.0000	0.1333	1.4286	0.6664
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_unidentified_unidentified	0.4243	1.6400	1.5733	0.9952	0.2345	0.6143	2.4000	1.5333	1.8571	1.0116
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Thelephora	2.1257	8.9600	1.3733	2.0000	0.7317	0.6429	0.8000	1.0000	0.7619	0.5062

Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_Cryptosporiosis	1.8529	1.8200	0.7467	0.8524	0.2668	1.5143	1.4000	1.9333	0.9048	0.9086
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_unidentified	3.2629	0.5800	0.0067	4.1810	0.4064	1.4857	1.2000	0.0667	1.5714	0.6829
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Tylospora	0.1857	0.1800	10.9667	0.1190	0.5795	0.1286	0.2000	2.4000	0.2381	0.4686
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella	0.9229	1.8600	4.5867	0.2333	0.3848	0.5714	1.0000	1.8667	0.5238	0.6258
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_unidentified	2.4457	-	4.5600	0.0476	0.3570	1.2143	-	2.0000	0.1905	0.5378
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Acephala	0.0357	-	0.7333	5.5333	0.3189	0.1000	-	1.0667	1.9524	0.4926
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Chalara	0.0814	-	4.5533	0.0429	0.2367	0.1286	-	3.2667	0.0952	0.5513
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber	2.7757	0.0600	2.0867	0.0095	0.2496	0.9429	0.2000	1.7333	0.0476	0.4618
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_unidentified_unidentified	0.0829	-	5.8000	2.7714	0.4380	0.0857	-	0.9333	0.6190	0.2587
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_unidentified_unidentified	1.4386	1.3000	0.9733	0.0571	0.1907	0.6857	1.0000	1.3333	0.0952	0.4919
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_unidentified_unidentified	0.1343	-	2.7600	-	0.1465	0.1714	-	2.8000	-	0.4693
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_unidentified	1.4571	0.4000	1.0533	0.1905	0.1569	0.8286	0.8000	0.9333	0.3333	0.4573
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium	0.1200	0.8400	0.0200	0.3381	0.0667	0.2857	1.8000	0.1333	1.1905	0.5385
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae_Armillaria	2.4200	-	5.3667	0.2000	0.4042	0.1857	-	0.8667	0.1905	0.1963
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae_unidentified	0.4914	0.0400	3.8267	0.0048	0.2208	0.5143	0.2000	1.6000	0.0476	0.3731
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Cadophora	0.4657	-	1.1933	0.8143	0.1252	0.5143	-	1.0667	1.2381	0.4453
Basidiomycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified	0.1200	0.1600	0.1467	4.3524	0.2419	0.0286	0.4000	0.5333	1.0476	0.3174
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Pseudeurotiaceae_Pseudogymnoascus	0.3357	0.1000	0.9733	0.1048	0.0766	0.6286	0.6000	1.4667	0.3333	0.4784
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_unidentified	1.1357	0.2600	0.7133	0.0619	0.1099	0.7000	0.6000	1.0667	0.1905	0.4039
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Naucoria	0.0657	6.6000	-	0.0048	0.3376	0.0429	1.0000	-	0.0476	0.1722
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae_Laccaria	2.4857	0.1000	0.7333	0.1619	0.1762	0.7429	0.6000	0.1333	0.3333	0.2858
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius	0.9800	0.0600	0.7400	0.9190	0.1366	0.3571	0.2000	0.8000	0.6667	0.3197
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Geomyces	0.3257	0.4000	0.1867	0.1429	0.0534	0.7571	0.8000	0.6000	0.3810	0.4009
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Umbelopsidaceae_Umbelopsis	0.6200	0.3600	0.0267	0.6143	0.0820	0.3286	0.8000	0.1333	0.9524	0.3497
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Chaetomiaceae_Trichocladium	0.5857	0.0400	0.2667	2.7857	0.1861	0.5571	0.2000	0.6000	0.1905	0.2444
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_unidentified	0.9629	-	0.3600	0.5143	0.0930	0.6143	-	0.6667	0.7143	0.3151

Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Varicosporium	1.1571	0.0600	1.9600	0.0238	0.1620	0.6429	0.4000	0.3333	0.0952	0.2324
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Elaphomycetaceae_unidentified	0.7986	-	0.0333	1.6857	0.1274	0.6429	-	0.1333	0.9048	0.2655
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita	0.2929	-	0.2467	2.2095	0.1391	0.2286	-	0.4000	0.9524	0.2497
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Piloderma	0.9000	-	0.9267	-	0.0924	0.4286	-	1.2667	-	0.2678
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Agrocybe	2.1443	-	0.8267	0.0429	0.1525	0.7286	-	0.3333	0.0952	0.1828
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactifluus	1.8300	-	-	3.1000	0.2495	0.1429	-	-	0.3810	0.0827
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Tricholoma	2.6714	0.0800	-	0.9238	0.1860	0.4857	0.2000	-	0.0476	0.1158
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae_unidentified	0.1557	-	0.1600	0.9667	0.0649	0.2000	-	0.2667	0.9524	0.2241
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Leptodontidium	0.1957	0.4600	0.0933	0.1000	0.0430	0.2000	0.8000	0.3333	0.1905	0.2407
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Annulatascaceae_Conlarium	0.0071	0.9800	0.0400	0.6476	0.0848	0.0143	0.4000	0.2000	0.5238	0.1798
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Ilyonectria	0.4571	0.1400	0.1667	0.0381	0.0406	0.4714	0.4000	0.4000	0.1429	0.2234
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_unidentified_unidentified	0.2171	-	0.9133	0.0810	0.0613	0.0571	-	1.0000	0.1905	0.1971
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Athelopsis	0.5629	-	0.5733	0.0190	0.0585	0.1857	-	1.0000	0.0476	0.1948
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Genea	0.6286	1.5000	-	0.0857	0.1121	0.3143	0.4000	-	0.1429	0.1354
Ascomycota_Lecanoromycetes_unidentified_unidentified_unidentified	0.2443	0.0400	0.1533	0.3143	0.0381	0.3143	0.4000	0.1333	0.4762	0.2091
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Boletus	0.2157	-	0.0467	2.0905	0.1191	0.1286	-	0.1333	0.5238	0.1241
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Xerocomellus	0.0571	0.5800	-	0.2048	0.0426	0.1143	0.8000	-	0.3333	0.1971
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Lycoperdon	0.3129	2.6600	0.0667	-	0.1538	0.0571	0.4000	0.0667	-	0.0827
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_unidentified_unidentified	0.3729	0.4800	0.0467	0.1524	0.0532	0.1429	0.4000	0.2000	0.3810	0.1775
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Amphinema	0.1486	-	1.9067	-	0.1040	0.0286	-	0.7333	-	0.1203
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Mycenella	0.4386	-	0.2733	0.1095	0.0416	0.4143	-	0.5333	0.1429	0.1722
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae_Clavulina	2.0100	-	0.0333	0.0143	0.1041	0.5714	-	0.0667	0.0476	0.1083
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_unidentified	1.5329	-	0.0067	-	0.0779	0.7714	-	0.0667	-	0.1324
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Chaetosphaeria	0.9343	0.0200	0.2800	0.2905	0.0772	0.3571	0.2000	0.2000	0.0476	0.1271
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Sclerodermataceae_Scleroderma	-	1.3400	-	0.0952	0.0726	-	0.6000	-	0.1905	0.1249
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_unidentified	0.0357	-	0.0133	2.7952	0.1439	0.0286	-	0.0667	0.2381	0.0526

d

Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Trichoderma	0.1071	-	0.1200	0.0810	0.0156	0.1857	-	0.4000	0.5238	0.1752
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Roesleriaceae_Roesleria	0.4857	-	0.6600	0.4429	0.0804	0.2000	-	0.4000	0.0952	0.1098
Ascomycota_Sordariomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	0.2314	0.0600	0.1267	0.0095	0.0216	0.4143	0.2000	0.4000	0.0476	0.1677
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_Rhytismataceae_unidentified	0.0086	0.4400	-	0.2333	0.0345	0.0143	0.8000	-	0.1429	0.1512
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_unidentified	0.0357	-	0.0133	1.9333	0.1003	0.0286	-	0.0667	0.4286	0.0827
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_Mollisia	0.0057	0.3200	0.0133	0.0524	0.0198	0.0143	0.8000	0.0667	0.1429	0.1617
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Scytalidium	0.5800	0.7000	0.0467	0.0143	0.0679	0.2714	0.2000	0.2000	0.0476	0.1136
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Hydniaceae_Hydnum	0.0029	-	2.0333	-	0.1030	0.0143	-	0.4667	-	0.0760
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Pseudotomentella	0.3386	-	1.0133	0.6143	0.0995	0.0571	-	0.3333	0.0952	0.0767
Ascomycota_Eurotiomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	0.0371	0.4200	0.0467	0.6238	0.0571	0.0286	0.2000	0.1333	0.3810	0.1173
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_unidentified_unidentified	0.0943	-	0.2200	1.4524	0.0894	0.1000	-	0.2000	0.2381	0.0850
Basidiomycota_Tremellomycetes_Trichosporonales_Trichosporonaceae_Trichosporon	0.5171	-	0.0733	0.0143	0.0306	0.3000	-	0.5333	0.0476	0.1391
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_unidentified_unidentified	0.1171	0.1000	0.0200	0.2524	0.0248	0.1571	0.4000	0.0667	0.2857	0.1437
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Magnaporthaceae_Mycoleptodiscus	0.0157	0.2400	-	0.0571	0.0158	0.0714	0.8000	-	0.0476	0.1452
Ascomycota_Dothideomycetes_Venturiales_Venturiaceae_unidentified	0.0029	-	0.9933	-	0.0504	0.0143	-	0.6667	-	0.1076
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Schizoporaceae_Hyphodontia	0.0214	0.0200	0.4600	0.2333	0.0372	0.0429	0.2000	0.2667	0.2381	0.1181
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_unidentified_unidentified	0.1357	-	0.4133	0.0524	0.0304	0.2143	-	0.4667	0.0952	0.1226
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Humaria	0.5357	-	0.2933	0.0095	0.0424	0.3571	-	0.2000	0.0952	0.1030
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae_unidentified	0.1300	0.2200	-	0.0714	0.0213	0.1857	0.4000	-	0.1905	0.1226
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Paxillaceae_Melanogaster	1.8871	-	-	0.1381	0.1025	0.2143	-	-	0.0476	0.0414
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Bionectriaceae_Bionectria	0.0357	0.1000	0.0933	0.0667	0.0150	0.0857	0.2000	0.2667	0.2381	0.1249
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_unidentified_unidentified	-	-	0.0200	0.1952	0.0109	-	-	0.1333	0.6667	0.1264
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_unidentified_unidentified	-	1.4400	-	-	0.0729	-	0.4000	-	-	0.0632

Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meripilaceae_Physisporinus	0.1286	-	0.5000	0.0762	0.0357	0.0143	-	0.5333	0.0476	0.0940
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_unidentified_unidentified	0.0229	0.4000	0.0133	0.0619	0.0252	0.0429	0.4000	0.0667	0.1429	0.1030
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Infundichalara	-	-	0.0600	0.6143	0.0341	-	-	0.0667	0.5238	0.0933
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_Rhytismataceae_Colpoma	0.0043	-	-	0.7190	0.0366	0.0143	-	-	0.5238	0.0850
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Tubeufiaceae_unidentified	-	0.3400	-	0.0190	0.0182	-	0.6000	-	0.0476	0.1023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meruliaceae_Scopuloideus	0.6343	-	0.2267	-	0.0436	0.2429	-	0.2000	-	0.0699
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Hypocrea	0.0814	0.0600	0.0933	0.0286	0.0133	0.1286	0.2000	0.2000	0.0952	0.0985
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Leptosphaeriaceae_unidentified	0.4371	0.0200	-	-	0.0231	0.3571	0.2000	-	-	0.0880
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Scutellinia	1.7157	-	-	-	0.0868	0.1429	-	-	-	0.0226
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Entolomataceae_Entoloma	0.9971	-	0.1800	-	0.0596	0.1714	-	0.1333	-	0.0481
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Lophiostomataceae_Lophiostoma	0.0243	-	-	1.5238	0.0783	0.0429	-	-	0.1429	0.0293
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meruliaceae_Phlebia	0.0214	0.1400	0.3200	-	0.0244	0.0143	0.4000	0.0667	-	0.0760
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_unidentified	0.0371	0.0600	0.0333	-	0.0066	0.0571	0.4000	0.1333	-	0.0933
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Niaceae_Flagelloscypha	0.0600	-	0.1267	0.0143	0.0102	0.1143	-	0.4000	0.0476	0.0888
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Togniaceae_Togninia	0.0557	-	0.1333	0.0095	0.0100	0.1000	-	0.4000	0.0476	0.0865
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_unidentified_unidentified	0.0557	0.0400	-	-	0.0048	0.1571	0.4000	-	-	0.0880
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Xenopolyscytalum	0.1000	-	0.3000	0.0429	0.0224	0.0429	-	0.2000	0.1905	0.0684
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Herpotrichiellaceae_Cladophialophora	0.1829	-	0.0533	-	0.0120	0.2857	-	0.2000	-	0.0767
Ascomycota_Sordariomycetes_Ophiostomatales_Ophiostomataceae_Sporothrix	0.0086	0.0600	-	0.0190	0.0044	0.0286	0.4000	-	0.0952	0.0827
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pezizaceae_unidentified	0.2500	-	0.0667	-	0.0160	0.2429	-	0.2000	-	0.0699
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Chaetomiaceae_Humicola	0.0300	0.0600	0.0200	0.0381	0.0075	0.0571	0.2000	0.1333	0.0952	0.0767
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_unidentified_unidentified	0.0200	-	0.1333	0.0857	0.0121	0.0571	-	0.2000	0.1905	0.0707
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hymenogaster	0.1471	-	0.0867	0.0095	0.0123	0.1714	-	0.2000	0.0476	0.0662
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Menispora	0.0100	0.0400	-	0.0381	0.0045	0.0571	0.2000	-	0.1905	0.0707

Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Neonectria	0.1443	-	0.0733	-	0.0110	0.2000	-	0.2000	-	0.0632
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Venturiaceae_Protoven- turia	0.0157	0.0200	0.0333	-	0.0035	0.0429	0.2000	0.2000	-	0.0699
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Hydropus	0.1829	-	0.3867	-	0.0288	0.0714	-	0.2000	-	0.0429
Basidiomycota_Pucciniomycetes_Pucciniales_unidentified_unidentifie- d	-	-	0.3067	-	0.0155	-	-	0.3333	-	0.0526
Basidiomycota_Walleliomycetes_Geminibasidiales_Geminibasidiace- ae_Geminibasidium	0.0914	0.0200	-	0.1048	0.0109	0.0143	0.2000	-	0.1429	0.0564
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Cunninghamellaceae_Absidia	0.0200	0.0600	-	0.0429	0.0062	0.0286	0.2000	-	0.1429	0.0587
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Hymenoscyphus	0.0129	-	-	0.2333	0.0125	0.0286	-	-	0.2857	0.0496
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Cephalothecaceae_Cephal- otheca	0.0500	0.0600	-	-	0.0056	0.1571	0.2000	-	-	0.0564
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Pleosporaceae_unidenti- fied	-	0.2200	0.0067	0.0048	0.0117	-	0.2000	0.0667	0.0476	0.0496
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Leucosporidiales_Leucosporidia- ceae_Leucosporidiella	0.0714	0.3800	-	-	0.0228	0.0429	0.2000	-	-	0.0384
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Galerina	0.0286	0.0600	-	0.0190	0.0054	0.1000	0.2000	-	0.0476	0.0549
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Otidea	0.5643	-	0.0200	-	0.0296	0.1143	-	0.0667	-	0.0286
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertaesedis_Pyrenoch- aeta	0.0571	0.0400	0.0400	-	0.0069	0.0571	0.2000	0.0667	-	0.0511
Basidiomycota_Tremellomycetes_Filobasidiales_Filobasidiaceae_Cryp- tococcus	0.0357	0.0200	-	0.0190	0.0038	0.0429	0.2000	-	0.0952	0.0534
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae_Helvella	0.1886	-	0.0467	-	0.0119	0.1429	-	0.1333	-	0.0436
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Phialemoniop- sis	0.0914	0.0400	-	0.0143	0.0074	0.0571	0.2000	-	0.0476	0.0481
Basidiomycota_Incertaesedis_Malasseziales_Incertaesedis_Malassezia	0.2329	-	0.0200	0.0095	0.0133	0.0857	-	0.0667	0.0952	0.0391
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Xenasmataceae_Xenasm- atella	0.5600	-	-	0.1476	0.0358	0.0571	-	-	0.0476	0.0165
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertaesedis_Phoma	0.0029	0.1200	0.0267	-	0.0076	0.0143	0.2000	0.0667	-	0.0444
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Plectosphaerellaceae_V- erticillium	-	0.0200	0.0200	0.0048	0.0023	-	0.2000	0.0667	0.0476	0.0496
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Talaromyc- es	0.0814	-	-	0.0762	0.0080	0.1286	-	-	0.1429	0.0429
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Elaphomycetaceae_Elaphom- yces	0.0886	-	-	0.2524	0.0173	0.1143	-	-	0.0952	0.0331
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Acremoniu- m	0.0343	-	0.0467	-	0.0041	0.0714	-	0.2000	-	0.0429
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Leptosphaeriaceae_Lept	0.0029	0.0400	0.0067	-	0.0025	0.0143	0.2000	0.0667	-	0.0444

osphaeria										
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Pseudeurotiaceae_Leuconeurospora	-	0.0800	0.0133	-	0.0047	-	0.2000	0.0667	-	0.0421
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Herpotrichiellaceae_Exophiala	0.0257	-	0.1400	-	0.0084	0.0429	-	0.2000	-	0.0384
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertaesedis_Berkleasium	-	-	0.0800	-	0.0040	-	-	0.2667	-	0.0421
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Delicatula	0.0300	-	0.0667	0.2048	0.0153	0.0286	-	0.0667	0.0952	0.0301
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Rhizoscyphus	0.0129	-	0.0267	0.1571	0.0100	0.0143	-	0.0667	0.1429	0.0354
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Geejayessia	-	-	0.0600	-	0.0030	-	-	0.2667	-	0.0421
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Hamatocanthoscypha	-	-	0.0533	-	0.0027	-	-	0.2667	-	0.0421
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales_Incertaesedis_Cryptococcus	0.0557	-	0.0467	-	0.0052	0.1143	-	0.1333	-	0.0391
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Dipodascaceae_Galactomyces	-	0.0400	-	0.0095	0.0025	-	0.2000	-	0.0476	0.0391
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales_unidentified_unidentified	-	0.0200	-	0.0190	0.0020	-	0.2000	-	0.0476	0.0391
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae_Beaveria	-	-	0.0333	0.0048	0.0019	-	-	0.2000	0.0476	0.0391
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Stachybotrys	0.0300	-	0.1133	0.0048	0.0075	0.0286	-	0.1333	0.0476	0.0331
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Chloridium	0.0414	0.0400	-	-	0.0041	0.0286	0.2000	-	-	0.0361
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_unidentified_unidentified	0.0029	0.1200	-	-	0.0062	0.0143	0.2000	-	-	0.0338
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Sarcosomataceae_Urnula	0.4786	-	-	-	0.0242	0.1000	-	-	-	0.0158
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Megacollybia	0.0100	0.0600	-	-	0.0035	0.0286	0.2000	-	-	0.0361
Ascomycota_Leotiomycetes_Leotiales_Leotiaceae_Leotia	0.1571	-	0.0133	-	0.0086	0.1286	-	0.0667	-	0.0308
Ascomycota_Lecanoromycetes_Ostropales_Stictidaceae_Cryptodiscus	-	-	-	0.0333	0.0017	-	-	-	0.2381	0.0376
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Volutella	0.0629	-	-	0.0143	0.0039	0.1286	-	-	0.0952	0.0354
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Byssocorticium	0.2257	-	-	0.1190	0.0174	0.0857	-	-	0.0476	0.0211
Basidiomycota_Microbotryomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	0.0957	-	0.0200	0.0381	0.0078	0.0286	-	0.0667	0.0952	0.0301
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Suillaceae_Suillus	-	-	-	0.3000	0.0152	-	-	-	0.1429	0.0226

Ascomycota_Leotiomyces_Rhytismatales_Rhytismataceae_Lophodermium	0.0071	-	0.0533	0.1333	0.0098	0.0143	-	0.0667	0.0952	0.0278
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_unidentified_unidentified	-	-	0.1133	-	0.0057	-	-	0.2000	-	0.0316
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Phaeosphaeriaceae_unidentified	-	0.1000	-	-	0.0051	-	0.2000	-	-	0.0316
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_Incertaesedis_Rhodotorula	0.0457	-	0.0733	-	0.0060	0.0571	-	0.1333	-	0.0301
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Arachnopeziza	0.0029	0.0400	-	-	0.0022	0.0143	0.2000	-	-	0.0338
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Wilcoxina	-	-	0.0067	0.0476	0.0027	-	-	0.0667	0.1429	0.0331
Basidiomycota_Exobasidiomycetes_Microstromatales_Microstromataceae_Sympodiomyces	-	0.0800	-	-	0.0040	-	0.2000	-	-	0.0316
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae_Cordyceps	0.0086	0.0200	-	-	0.0014	0.0143	0.2000	-	-	0.0338
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Helotiaceae_Neobulgaria	0.2814	-	-	-	0.0142	0.1286	-	-	-	0.0203
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Arcangeliella	0.3429	-	-	-	0.0174	0.1000	-	-	-	0.0158
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertaesedis_Naevula	0.0586	-	0.1200	-	0.0090	0.0857	-	0.0667	-	0.0241
Ascomycota_Archaeorhizomycetes_Archaeorhizomycetales_unidentified_unidentified	-	-	-	0.0524	0.0027	-	-	-	0.1905	0.0301
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Rutstroemiaceae_Scleromitruella	-	0.0200	-	-	0.0010	-	0.2000	-	-	0.0316
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Xylariaceae_Obolarina	-	0.0200	-	-	0.0010	-	0.2000	-	-	0.0316
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Polyporaceae_Skeletocutis	-	-	0.0133	0.0524	0.0033	-	-	0.1333	0.0476	0.0286
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Chaetomiaceae_unidentified	0.1000	-	0.0067	-	0.0054	0.1000	-	0.0667	-	0.0263
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Xylariaceae_Xylaria	0.2643	-	-	-	0.0134	0.1143	-	-	-	0.0181
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Stephanosporaceae_unidentified	-	-	0.0533	0.0619	0.0058	-	-	0.0667	0.0952	0.0256
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Marasmius	0.1429	-	-	0.0048	0.0075	0.1000	-	-	0.0476	0.0233
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Chaetothyriaceae_Cyphellophora	0.1129	-	0.0133	-	0.0064	0.0857	-	0.0667	-	0.0241
Ascomycota_Leotiomyces_Incertaesedis_Incertaesedis_Leohumicola	0.1971	-	-	-	0.0100	0.1286	-	-	-	0.0203
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pezizaceae_Terfezia	0.0386	-	0.1533	-	0.0097	0.0571	-	0.0667	-	0.0196
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Tarzetia	0.1271	-	-	-	0.0064	0.1429	-	-	-	0.0226

Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Phaeocollybia	-	-	0.0267	0.0286	0.0028	-	-	0.0667	0.0952	0.0256
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertaesedis_Helicodendron	0.1943	-	-	-	0.0098	0.1143	-	-	-	0.0181
Ascomycota_Dothideomycetes_Dothideales_Dothioraceae_Aureobasidium	0.0471	-	0.0067	-	0.0027	0.0857	-	0.0667	-	0.0241
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Serpulaceae_Serpula	-	-	-	0.2095	0.0106	-	-	-	0.0952	0.0150
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Venturiaceae_Venturia	-	-	-	0.0429	0.0022	-	-	-	0.1429	0.0226
Ascomycota_Pezizomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	-	-	-	0.0381	0.0019	-	-	-	0.1429	0.0226
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Hydniaceae_Sistotremia	0.0057	-	-	0.1238	0.0066	0.0143	-	-	0.0952	0.0173
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Togniniaceae_Phaeoacromonium	-	-	-	0.0190	0.0010	-	-	-	0.1429	0.0226
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_unidentified_unidentified	0.0143	-	-	0.0190	0.0017	0.0429	-	-	0.0952	0.0218
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Agaricus	-	-	0.0400	0.0667	0.0054	-	-	0.0667	0.0476	0.0181
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Belonidium	0.1057	-	-	-	0.0053	0.1143	-	-	-	0.0181
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hebeloma	0.0171	-	0.1000	-	0.0059	0.0429	-	0.0667	-	0.0173
Ascomycota_Eurotiomyces_Eurotiales_Trichocomaceae_Thysanophora	-	-	0.0400	-	0.0020	-	-	0.1333	-	0.0211
Ascomycota_Sordariomycetes_Lulworthiales_Lulworthiaceae_Zalerion	0.0186	-	-	0.1095	0.0065	0.0571	-	-	0.0476	0.0165
Zygomycota_Incertaesedis_Endogonales_Endogonaceae_Endogone	-	-	0.0267	-	0.0013	-	-	0.1333	-	0.0211
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meripilaceae_Hydnopolyporus	0.0171	-	-	0.0667	0.0042	0.0143	-	-	0.0952	0.0173
Ascomycota_Dothideomycetes_Dothideales_Dothioraceae_Sydowia	-	-	0.0067	0.0571	0.0032	-	-	0.0667	0.0476	0.0181
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Clavariaceae_unidentified	0.0757	-	0.0333	-	0.0055	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales_Claroideoglomeraceae_Claroideoglomerus	0.0871	-	0.0133	-	0.0051	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Pleosporaceae_Cochliobolus	0.0014	-	-	0.0524	0.0027	0.0143	-	-	0.0952	0.0173
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Schizoporaceae_Xylodon	-	-	0.1867	-	0.0094	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertaesedis_Herpotrichia	0.0443	-	0.0067	-	0.0026	0.0429	-	0.0667	-	0.0173
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Protoglossum	0.2143	-	-	-	0.0108	0.0571	-	-	-	0.0090
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Ophiocordycipitaceae_Elaphocordyceps	0.0029	-	-	0.0476	0.0026	0.0143	-	-	0.0952	0.0173

Ascomycota_Sordariomycetes_Phyllachorales_Phyllachoraceae_unidentified	0.0300	-	0.0200	-	0.0025	0.0429	-	0.0667	-	0.0173
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_Rhytismataceae_Coccomyces	-	-	-	0.0857	0.0043	-	-	-	0.0952	0.0150
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Metarhizium	0.0571	-	0.0267	-	0.0042	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Diaporthaceae_Phomopsis	-	-	-	0.0810	0.0041	-	-	-	0.0952	0.0150
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales_Incertaesedis_Dioszegia	0.0243	-	0.0067	-	0.0016	0.0429	-	0.0667	-	0.0173
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Pochonia	0.0071	-	0.0133	-	0.0010	0.0429	-	0.0667	-	0.0173
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Ganodermataceae_Ganoderma	0.0486	-	-	-	0.0025	0.1000	-	-	-	0.0158
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Trichophaea	0.0143	-	0.0933	-	0.0054	0.0143	-	0.0667	-	0.0128
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Paxillaceae_Paxillus	-	-	-	0.0619	0.0031	-	-	-	0.0952	0.0150
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Amphisphaeriaceae_Pestalotiopsis	-	-	-	0.0429	0.0022	-	-	-	0.0952	0.0150
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Microascaceae_Graphium	0.0186	-	0.0200	-	0.0020	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
Ascomycota_Leotiomycetes_Leotiales_Leotiaceae_Alatospora	0.0043	-	0.0333	-	0.0019	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Pseudeurotiaceae_unidentified	0.0671	-	-	-	0.0034	0.0857	-	-	-	0.0135
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_Incertaesedis_Sporobolomyces	0.0143	-	0.0133	-	0.0014	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_unidentified_unidentified	0.0557	-	-	-	0.0028	0.0857	-	-	-	0.0135
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Ceratobasidiaceae_Ceratobasidium	0.0200	-	-	0.0619	0.0041	0.0286	-	-	0.0476	0.0120
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Hyponectriaceae_unidentified	0.0057	-	0.0600	-	0.0033	0.0143	-	0.0667	-	0.0128
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Dissophora	0.0486	-	-	-	0.0025	0.0857	-	-	-	0.0135
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_Incertaesedis_Auricularia	0.0057	-	0.0400	-	0.0023	0.0143	-	0.0667	-	0.0128
Basidiomycota_Tremellomycetes_Cystofilobasidiales_Cystofilobasidiaceae_unidentified	-	-	0.0867	-	0.0044	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Microascaceae_Wardomyces	0.0100	-	0.0133	-	0.0012	0.0143	-	0.0667	-	0.0128
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Cystolepiota	0.1743	-	-	-	0.0088	0.0286	-	-	-	0.0045

Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Ceratocystidaceae_Ceratocystis	0.0029	-	0.0067	-	0.0005	0.0143	-	0.0667	-	0.0128
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Pleurophragmium	-	-	0.0533	-	0.0027	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Pholiota	0.1714	-	-	-	0.0087	0.0286	-	-	-	0.0045
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae_Membranomyces	0.1700	-	-	-	0.0086	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Cosmospora	0.0071	-	-	0.0095	0.0008	0.0286	-	-	0.0476	0.0120
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Aspergillus	0.0071	-	-	0.0048	0.0006	0.0286	-	-	0.0476	0.0120
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae_Lecanicillium	-	-	0.0400	-	0.0020	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Trichothecium	-	-	0.0400	-	0.0020	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae_Gymnostellatospora	0.0214	-	-	-	0.0011	0.0714	-	-	-	0.0113
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Metacordyceps	-	-	0.0333	-	0.0017	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Marasmiellus	0.0600	-	-	-	0.0030	0.0571	-	-	-	0.0090
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Hydniaceae_unidentified	0.1471	-	-	-	0.0074	0.0286	-	-	-	0.0045
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Hemimycena	-	-	0.0267	-	0.0013	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hypholoma	0.0057	-	-	0.0333	0.0020	0.0143	-	-	0.0476	0.0098
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Repetobasidiaceae_Rickenella	-	-	-	0.0810	0.0041	-	-	-	0.0476	0.0075
Ascomycota_Orbiliomycetes_Orbiliales_Orbiliaceae_Dactylellina	0.0029	-	-	0.0333	0.0018	0.0143	-	-	0.0476	0.0098
Basidiomycota_Agaricomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Cotylidia	-	-	0.0200	-	0.0010	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_Saccharomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	-	-	0.0133	-	0.0007	-	-	0.0667	-	0.0105
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales_Archaeosporaceae_unidentified	0.0043	-	-	0.0238	0.0014	0.0143	-	-	0.0476	0.0098
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meruliaceae_Hypochnicium	-	-	-	0.0714	0.0036	-	-	-	0.0476	0.0075
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Microascaceae_Cephalotrichum	0.0386	-	-	-	0.0020	0.0571	-	-	-	0.0090
Ascomycota_Dothideomycetes_Botryosphaerales_Botryosphaeriaceae_Neofusicoccum	-	-	0.0067	-	0.0003	-	-	0.0667	-	0.0105

Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Pseudeurotiaceae_Pseudeurotium	-	-	0.0067	-	0.0003	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Triscelophorus	-	-	0.0067	-	0.0003	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Cystoderma	-	-	0.0067	-	0.0003	-	-	0.0667	-	0.0105
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Mucoraceae_unidentified	-	-	0.0067	-	0.0003	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Lepista	0.0800	-	-	-	0.0040	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Flagellospora	0.0300	-	-	-	0.0015	0.0571	-	-	-	0.0090
Basidiomycota_Agaricomycetes_Phallales_Phallaceae_Phallus	-	-	-	0.0571	0.0029	-	-	-	0.0476	0.0075
Ascomycota_Sordariomycetes_Coniochaetales_Coniochaetaceae_Coniochaeta	0.0271	-	-	-	0.0014	0.0571	-	-	-	0.0090
Ascomycota_Orbiliomycetes_Orbiliales_Orbiliaceae_Dactylella	0.0057	-	-	0.0048	0.0005	0.0143	-	-	0.0476	0.0098
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Cistella	0.0229	-	-	-	0.0012	0.0571	-	-	-	0.0090
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Bondarzewiaceae_Heterobasidium	0.0029	-	-	0.0048	0.0004	0.0143	-	-	0.0476	0.0098
Glomeromycota_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified	0.0014	-	-	0.0048	0.0003	0.0143	-	-	0.0476	0.0098
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Cantharellaceae_Craterellus	0.0200	-	-	-	0.0010	0.0571	-	-	-	0.0090
Ascomycota_Leotiomycetes_Thelebolales_Thelebolaceae_Pezizella	0.1514	-	-	-	0.0077	0.0143	-	-	-	0.0023
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Mucoraceae_Mucor	0.1057	-	-	-	0.0053	0.0286	-	-	-	0.0045
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales_unidentified_unidentified	-	-	-	0.0429	0.0022	-	-	-	0.0476	0.0075
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Mytiliniaceae_Lophium	-	-	-	0.0333	0.0017	-	-	-	0.0476	0.0075
Ascomycota_Orbiliomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	-	-	-	0.0190	0.0010	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Tremellomycetes_unidentified_unidentified_unidentified	-	-	-	0.0190	0.0010	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Clavariaceae_Clavaria	0.0314	-	-	-	0.0016	0.0429	-	-	-	0.0068
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Amarodon	-	-	-	0.0143	0.0007	-	-	-	0.0476	0.0075
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Pleosporaceae_Alternaria	-	-	-	0.0095	0.0005	-	-	-	0.0476	0.0075
Ascomycota_Lecanoromycetes_Teloschistales_Teloschistaceae_Sirenophila	-	-	-	0.0095	0.0005	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Polyporaceae_Diplomitoporus	-	-	-	0.0095	0.0005	-	-	-	0.0476	0.0075

Basidiomycota_Agaricostilbomycetes_Agaricostilbales_unidentified_unidentified	-	-	-	0.0095	0.0005	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Ceratobasidiaceae_unidentified	0.0243	-	-	-	0.0012	0.0429	-	-	-	0.0068
Basidiomycota_Tremellomycetes_Cystofilobasidiales_Incertaesedis_Mrakiella	0.0214	-	-	-	0.0011	0.0429	-	-	-	0.0068
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales_Archaeosporaceae_Archaeospora	0.1100	-	-	-	0.0056	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Geastrales_Geastraceae_Geastrum	0.0643	-	-	-	0.0033	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Lasiosphaeriaceae_unidentified	0.0171	-	-	-	0.0009	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Antennulariaceae_Heteroconium	0.0114	-	-	-	0.0006	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Valsaceae_Valsa	0.0114	-	-	-	0.0006	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Minutisphaera	0.0100	-	-	-	0.0005	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae_unidentified	0.0543	-	-	-	0.0027	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Sarocladium	0.0057	-	-	-	0.0003	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Ophiocordycipitaceae_Tolyprocladium	0.0057	-	-	-	0.0003	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Leotiomycetes_Geoglossales_Geoglossaceae_Geoglossum	0.0871	-	-	-	0.0044	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Tumularia	0.0371	-	-	-	0.0019	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Saccharomycetales_Lachancea	0.0786	-	-	-	0.0040	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Herpotrichiellaceae_Phialophora	0.0771	-	-	-	0.0039	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Melanconidaceae_Melanconium	0.0771	-	-	-	0.0039	0.0143	-	-	-	0.0023
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales_Glomeraceae_unidentified	0.0257	-	-	-	0.0013	0.0286	-	-	-	0.0045
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Paxillaceae_unidentified	0.0686	-	-	-	0.0035	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Phialea	0.0214	-	-	-	0.0011	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_unidentified_unidentified	0.0214	-	-	-	0.0011	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Aschersonia	0.0214	-	-	-	0.0011	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_unidentified_unidentified	0.0186	-	-	-	0.0009	0.0286	-	-	-	0.0045

Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Plectosphaerellaceae_unidentified	0.0186	-	-	-	0.0009	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Lecanoromycetes_Teloschistales_unidentified_unidentified	0.0157	-	-	-	0.0008	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Geopyxis	0.0600	-	-	-	0.0030	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae_Passalora	0.0143	-	-	-	0.0007	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Incertaesedis_Candida	0.0586	-	-	-	0.0030	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae_Balsamia	0.0557	-	-	-	0.0028	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Dothideomycetes_Botryosphaerales_Botryosphaeriaceae_Botryosphaeria	0.0100	-	-	-	0.0005	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertaesedis_Dictyosporium	0.0100	-	-	-	0.0005	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Halosphaeriaceae_Tirispora	0.0100	-	-	-	0.0005	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Eladia	0.0071	-	-	-	0.0004	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Cudoniella	0.0071	-	-	-	0.0004	0.0286	-	-	-	0.0045
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae_Hymenopellis	0.0057	-	-	-	0.0003	0.0286	-	-	-	0.0045
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Botryobasidiaceae_Botryobasidium	0.0057	-	-	-	0.0003	0.0286	-	-	-	0.0045
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales_Claroideoglomeraceae_unidentified	0.0443	-	-	-	0.0022	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Sagenomella	0.0414	-	-	-	0.0021	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae_Ramichloridium	0.0400	-	-	-	0.0020	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae_unidentified	0.0400	-	-	-	0.0020	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Incertaesedis_Malasseziales_unidentified_unidentified	0.0400	-	-	-	0.0020	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Macrolepiota	0.0300	-	-	-	0.0015	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Gymnopus	0.0300	-	-	-	0.0015	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae_Xenostigmina	0.0286	-	-	-	0.0014	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Clitocy	0.0286	-	-	-	0.0014	0.0143	-	-	-	0.0023

be										
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Melanophyllum	0.0271	-	-	-	0.0014	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_Incertaesedis_Oliveonia	0.0271	-	-	-	0.0014	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Eurotiomycetes_Onygenales_Onygenaceae_Amauroascus	0.0243	-	-	-	0.0012	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Gloeotinia	0.0243	-	-	-	0.0012	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Petrakia	0.0229	-	-	-	0.0012	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrocybe	0.0229	-	-	-	0.0012	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Glomerellaceae_Colletotrichum	0.0200	-	-	-	0.0010	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Corynesporascaceae_Corynespora	0.0186	-	-	-	0.0009	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Zignoella	0.0171	-	-	-	0.0009	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales_Gloniaceae_unidentified	0.0157	-	-	-	0.0008	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Tylopilus	0.0157	-	-	-	0.0008	0.0143	-	-	-	0.0023
Glomeromycota_Glomeromycetes_Diversisporales_Acaulosporaceae_unidentified	0.0157	-	-	-	0.0008	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Herpotrichiellaceae_unidentified	0.0143	-	-	-	0.0007	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Thozetella	0.0129	-	-	-	0.0007	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Lepiota	0.0129	-	-	-	0.0007	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Ophiocordycipitaceae_Ophiocordyceps	0.0114	-	-	-	0.0006	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Polyporaceae_Daedaleopsis	0.0114	-	-	-	0.0006	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Pseudoclathrosphaerina	0.0100	-	-	-	0.0005	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Sclerotiniaceae_Botrytis	0.0100	-	-	-	0.0005	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae_unidentified	0.0100	-	-	-	0.0005	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Articulospora	0.0071	-	-	-	0.0004	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Cephalosporium	0.0071	-	-	-	0.0004	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_unidentified	0.0057	-	-	-	0.0003	0.0143	-	-	-	0.0023

Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae_Akanthomyces	0.0057	-	-	-	0.0003	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Montagnulaceae_Paraconiothyrium	0.0043	-	-	-	0.0002	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Pseudoomphalina	0.0029	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Psathyrellaceae_Coprinellus	0.0014	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_unidentified_unidentified	0.0014	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023

f)Species

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_quietus	9.3457	204.3200	0.0333	13.2238	11.4840	1.8857	18.6000	0.2000	1.8571	3.5606
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_fungus	25.1443	16.0200	28.8600	19.0190	4.5062	11.8857	13.4000	22.9333	17.9524	10.4516
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_uncultured_Lactarius	150.6143	1.0800	4.9800	26.5429	9.2721	11.5000	1.6000	1.4667	1.6190	2.5565
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycenaceae_sp	3.2814	104.9400	4.9800	58.4952	8.6891	1.6000	5.6000	1.2000	6.1905	2.3045
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_firmula	1.1571	0.0200	110.3200	0.0810	5.6467	0.4571	0.2000	14.1333	0.1429	2.3587
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_ochroleuca	17.6186	17.7400	14.1400	29.8286	4.0145	5.5857	2.4000	6.5333	5.7619	3.2033
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_uncultured_Russula	5.0986	0.6600	5.6267	21.4571	1.6621	3.3714	1.0000	3.1333	5.3333	2.0277
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Helotiales_sp_3_BB_2010	17.4700	0.2400	0.1000	20.8952	1.9588	4.5571	0.4000	0.4000	3.4762	1.3952
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_Helotiales_sp	1.2643	3.4200	12.4267	3.3381	1.0349	1.4714	3.8000	5.7333	3.5714	2.3023
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Pyronemataceae_sp	28.6457	0.0800	2.8067	3.9571	1.7960	4.5286	0.4000	1.6667	1.3810	1.2598
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrophorus_pustulatus	1.8343	0.0400	39.3800	0.0333	2.0895	0.3286	0.2000	5.4000	0.1429	0.9590
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_uncultured_Thelephoraceae	6.8143	16.8600	2.5867	5.3381	1.5991	1.2857	3.6000	1.4667	0.8571	1.1387
Ascomycota_Leotiomycetes_unidentified_unidentified_uncultured_Leotiomycetes	10.0343	3.9600	0.5467	2.5667	0.8658	4.9000	2.4000	0.9333	2.0476	1.6238

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_uncultured_Mycena	6.7529	4.3400	2.6133	2.3143	0.8108	2.7000	2.4000	2.3333	2.8095	1.6178
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_sp	3.1029	4.2400	0.2467	14.7762	1.1319	1.2714	3.0000	0.8667	2.0476	1.1350
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_sp_1_KO_2013	9.6143	2.3800	12.5067	3.0048	1.3920	1.0429	1.4000	2.0000	0.7619	0.8221
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_Ascomycota_sp_6_RB_2011	0.5129	14.3000	0.8733	14.4952	1.5274	0.3714	1.2000	0.2667	2.0952	0.6213
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_uncultured_Tomentella	7.7543	2.2200	2.7067	3.3667	0.8121	2.5000	2.2000	2.2667	1.3333	1.3110
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_sp_KO_2013	0.4614	0.1400	10.1067	10.9667	1.0969	0.3000	0.2000	2.7333	2.0476	0.8341
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales_Gloniaceae_uncultured_Cenococcum	2.1529	1.5600	3.2667	5.9857	0.6561	1.9143	1.2000	1.9333	3.0000	1.2711
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_uncultured_Hyaloscyphaceae	10.7314	1.1000	2.0867	0.6857	0.7391	4.5714	0.6000	1.2667	0.5714	1.1071
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Xerocomus_sp	8.8500	-	-	16.6048	1.2882	0.9857	-	-	1.3333	0.3663
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_integra	0.7571	-	14.5000	2.3095	0.8890	0.1286	-	3.3333	0.5714	0.6371
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Thelephoraceae_sp	2.6214	1.3000	6.2333	0.5905	0.5438	0.8571	1.0000	3.9333	0.3810	0.9748
Ascomycota_Dothideomycetes_unidentified_unidentified_Dothideomycetes_sp	1.0171	1.3200	5.2800	0.7857	0.4252	0.6857	0.6000	4.4000	1.1905	1.0861
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russulaceae_sp	2.0986	0.3800	5.2333	9.1095	0.8513	0.5571	0.2000	2.3333	0.9524	0.6386
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_uncultured_Tylospora	0.4514	-	17.3733	0.0143	0.9028	0.1571	-	3.4000	0.0476	0.5694
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_Helotiales_sp_1_MV_2011	-	0.4800	5.0867	13.3952	0.9596	-	0.6000	0.6000	1.8571	0.4829
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_Hydnoodontaceae_Trechisporora_sp	1.1329	0.4200	2.4000	13.8667	0.9018	0.3857	0.6000	0.6667	1.7143	0.5318
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_Dermateaceae_sp_KO_2013	2.3271	14.3800	0.1133	0.4476	0.8739	0.6714	1.8000	0.2000	0.5714	0.5122
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Sebacina_sp	10.9414	0.0200	3.6067	0.2667	0.7507	1.8714	0.2000	1.2667	0.3810	0.5874
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_uncultured_Amphinema	0.4157	-	4.1600	6.9857	0.5851	0.2286	-	2.4000	1.4762	0.6483
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Thelephora_castanea	2.1200	8.9600	1.3067	1.9714	0.7266	0.6286	0.8000	0.8667	0.7143	0.4753
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Lachnum_sp	0.3429	0.4600	0.0067	10.3857	0.5666	0.1429	0.8000	0.0667	2.8095	0.6032

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Tetracladium_sp	10.2286	0.1600	0.6600	0.1143	0.5649	2.3143	0.6000	0.6667	0.1905	0.5957
Basidiomycota_Agaricomycetes_unidentified_unidentified_uncultured_Agaricomycetes	0.6586	0.0200	0.7000	7.7762	0.4633	0.3714	0.2000	1.6667	2.0952	0.6844
Ascomycota_Leotiomycetes_unidentified_unidentified_Leotiomycetes_sp	0.0400	0.2000	1.5600	10.1619	0.6054	0.1000	0.6000	0.4000	2.3333	0.5423
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_uncultured_Helotiaceae	0.4986	-	3.2467	7.6333	0.5758	0.2143	-	1.2000	2.0952	0.5543
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_cf_aeruginosa_E00186067	3.1786	4.6800	0.0133	4.7619	0.6394	0.6714	1.2000	0.0667	1.0000	0.4641
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_uncultured_Laccaria	0.8529	12.3600	0.5733	0.3381	0.7148	0.5429	1.2000	0.2667	0.3810	0.3776
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_uncultured_Helotiales	1.5200	0.2000	0.5200	1.7952	0.2042	1.4143	0.2000	1.8000	1.8571	0.8326
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_uncultured_Wilcoxina	0.0243	-	10.2400	0.3667	0.5380	0.0571	-	2.6667	0.1905	0.4603
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Tylospora_asterophora	0.1857	0.1800	10.8867	0.0476	0.5719	0.1286	0.2000	2.2000	0.0476	0.4069
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Lachnum_sp_ECHh	2.4114	2.7600	1.3200	8.1476	0.7408	0.2143	0.2000	0.3333	0.6190	0.2159
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_scrobiculatus	0.1371	-	14.7067	0.0857	0.7555	0.1000	-	0.8667	0.1429	0.1752
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Sebacina_incrustans	1.5714	0.2000	11.8733	0.1000	0.6956	0.2429	0.2000	0.6667	0.2381	0.2129
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_uncultured_Inocybe	7.4471	0.0600	1.7400	0.0190	0.4689	1.8143	0.2000	0.6667	0.0952	0.4385
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_sp	0.6100	-	6.0600	0.1762	0.3465	0.1000	-	2.8667	0.5714	0.5588
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_uncultured_Xerocomus	2.9257	0.5000	0.0067	3.9857	0.3754	1.1143	1.0000	0.0667	1.1429	0.5250
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Atheliaceae_sp	4.3929	0.2400	1.7067	0.0810	0.3249	1.4857	0.4000	1.0000	0.0952	0.4708
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Meliniomyces_sp	1.8529	0.1400	0.4800	0.1381	0.1321	1.6286	0.8000	0.7333	0.5238	0.5821
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Discinaceae_Hydnotrya_sp	0.2814	0.3600	-	7.9476	0.4347	0.2143	0.8000	-	0.5714	0.2505
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Acephala_macroscerotiorum	0.0143	-	0.6000	5.5000	0.3094	0.0429	-	0.4000	1.8571	0.3633
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_unidentified_uncultured_Resinicium	0.0700	-	5.7867	2.6905	0.4325	0.0714	-	0.8667	0.5714	0.2384
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae_Oidiodendron_maius	0.2586	0.1000	0.8333	2.7571	0.1999	0.2714	0.2000	0.8667	1.6190	0.4671

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_Pezizomycotina	0.5729	0.3800	0.4200	0.5000	0.0948	0.6714	1.2000	1.0000	0.6190	0.5513
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_unidentified_uncultured_Trechisporales	0.1557	0.6800	0.2467	0.5524	0.0827	0.3714	1.6000	0.4000	1.1905	0.5626
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_unidentified_Pleosporales_sp	1.3986	1.2200	0.9733	0.0571	0.1847	0.6571	0.8000	1.3333	0.0952	0.4558
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Meliniomyces_bicolor	1.4800	0.0200	1.0933	1.3667	0.2004	0.4857	0.2000	1.1333	0.9524	0.4377
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_uncultured_Meliniomyces	0.2486	0.0400	0.6667	1.8810	0.1435	0.1857	0.2000	0.8667	1.8095	0.4836
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Sebacinaceae_sp	1.7671	-	4.1800	0.0095	0.3015	0.6429	-	1.3333	0.0476	0.3197
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_unidentified_Atheliales_sp	0.1343	-	2.7600	-	0.1465	0.1714	-	2.8000	-	0.4693
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_Helotiales_sp_1_KO_2013	0.2071	0.8000	0.1000	2.3667	0.1758	0.2429	1.4000	0.0667	1.0000	0.4280
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_unidentified_Trechisporales_sp	0.2686	0.9600	1.3267	0.4429	0.1517	0.2429	0.8000	1.1333	0.6667	0.4490
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_sp	0.9400	0.4000	0.2133	0.0571	0.0815	1.0429	1.0000	0.8667	0.2857	0.5047
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Chalara_sp	0.0243	-	4.1800	0.0429	0.2149	0.0429	-	2.2000	0.0952	0.3693
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_Cryptosporiopsis_sp	0.2914	1.8200	0.1000	0.7905	0.1519	0.1286	1.4000	0.4667	0.7143	0.4280
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Discinaceae_Hydnotrya_tulasnei	0.4114	0.8200	0.1400	1.7333	0.1571	0.4429	1.2000	0.1333	0.8571	0.4159
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Pseudeurotiaceae_Pseudogymnoascus_pannorum	0.3329	0.1000	0.9467	0.1048	0.0751	0.6143	0.6000	1.4000	0.3333	0.4656
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_Cryptosporiopsis_ericaceae	1.3743	-	0.6067	0.0619	0.1034	1.1286	-	1.3333	0.1905	0.4189
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_uncultured_Phialocephala_fortinii	0.1214	-	0.4600	1.0143	0.0808	0.1286	-	0.9333	1.6667	0.4310
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Naucoria_bohemica	0.0657	6.6000	-	0.0048	0.3376	0.0429	1.0000	-	0.0476	0.1722
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae_Armillaria_cepistipes	2.3929	-	5.0733	0.0667	0.3812	0.1143	-	0.6000	0.0952	0.1279
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_uncultured_Mortierella	1.1800	0.3000	0.9667	0.1905	0.1335	0.5714	0.6000	0.7333	0.3333	0.3535
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_macrocytis	0.1314	1.3400	0.0933	1.3286	0.1464	0.3286	0.6000	0.4000	0.8095	0.3377

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_amoenoensis	0.0357	3.3000	-	0.0667	0.1722	0.0286	1.6000	-	0.3333	0.3099
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_sp	1.2229	-	2.2667	0.0524	0.1792	0.6571	-	1.0667	0.1905	0.3024
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae_Clavulinaceae_sp	0.4186	0.0400	3.3067	0.0048	0.1908	0.4143	0.2000	0.8667	0.0476	0.2414
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Chaetomiaceae_Trichocladium_opacum	0.5857	0.0400	0.2667	2.7857	0.1861	0.5571	0.2000	0.6000	0.1905	0.2444
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_uncultured_Ilyonectria	0.9657	0.2600	0.5533	0.0619	0.0932	0.5429	0.6000	0.8000	0.1905	0.3370
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Sebacina_epigaea	1.3929	0.0600	2.5200	-	0.2011	0.4429	0.2000	0.8000	-	0.2279
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_sp_H12	0.1000	-	-	6.6381	0.3410	0.1143	-	-	0.3810	0.0782
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella_sp_2_BB_2010	0.0286	0.4800	3.3733	0.0524	0.1991	0.0714	0.4000	0.6667	0.1905	0.2098
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybaceae_sp	0.9629	-	0.3600	0.5143	0.0930	0.6143	-	0.6667	0.7143	0.3151
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Geomyces_auratus	0.2571	0.4000	0.1733	0.1048	0.0473	0.6000	0.8000	0.5333	0.3333	0.3580
Basidiomycota_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_Agaricomycotina	0.0129	-	0.0800	4.3238	0.2235	0.0143	-	0.2000	0.8571	0.1692
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_grass_root_mycorrhizal_sp_PPO_2	0.0214	0.3000	0.0267	3.2381	0.1815	0.0286	0.4000	0.0667	0.8095	0.2061
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Elaphomycetaceae_Elaphomycetaceae_sp	0.7986	-	0.0333	1.5762	0.1219	0.6429	-	0.1333	0.6190	0.2204
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_Helotiales_sp_GMU_LL_02_B4	1.1400	0.2800	0.8800	0.0143	0.1171	0.2143	0.6000	0.4667	0.0952	0.2174
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_soil_fungus	0.3657	0.1200	0.0333	1.0095	0.0774	0.2857	0.6000	0.0667	0.6667	0.2557
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Piloderma_lanatum	0.8514	-	0.9133	-	0.0893	0.3143	-	1.2000	-	0.2392
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_uncultured_Cortinarius	1.3614	0.0200	0.1400	0.5190	0.1033	0.2143	0.2000	0.6667	0.3333	0.2234
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactifluus_vellereus	1.8286	-	-	3.0714	0.2480	0.1286	-	-	0.3333	0.0730
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_uncultured_Phialocephala	0.0414	-	0.1867	0.1238	0.0178	0.0857	-	1.2000	0.6190	0.3009
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella	0.4971	0.8000	0.6667	0.0333	0.1011	0.3000	0.4000	0.5333	0.1429	0.2174

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
la_sp										
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae_Oidiodendron_sp_shylm118	0.0786	0.1600	0.1600	0.9095	0.0662	0.1857	0.4000	0.4667	0.5238	0.2490
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_sp	0.9371	0.0600	0.2667	0.8190	0.1054	0.3000	0.2000	0.4000	0.3810	0.2023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrophorus_unicolor	2.7300	-	0.2667	0.3524	0.1695	0.5429	-	0.2667	0.0476	0.1354
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_sapinea	0.0343	-	2.1733	0.0333	0.1134	0.0286	-	1.1333	0.0476	0.1910
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_uncultured_Thelephora	0.6857	0.1400	0.3067	0.1476	0.0648	0.4857	0.4000	0.3333	0.2381	0.2302
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Agrocybe_erebia	1.4614	-	0.8267	0.0429	0.1180	0.6571	-	0.3333	0.0952	0.1715
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae_uncultured_Oidiodendron	0.1557	-	0.1600	0.9667	0.0649	0.2000	-	0.2667	0.9524	0.2241
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_puberulum	1.5971	0.0600	0.5467	0.0095	0.1120	0.4714	0.2000	0.4000	0.0476	0.1768
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_Ascomycota	0.2000	1.0400	0.1133	0.1429	0.0757	0.1286	0.6000	0.3333	0.2857	0.2129
Ascomycota_Dothideomycetes_unidentified_unidentified_uncultured_Dothideomycetes	0.3443	0.1800	0.2533	0.3571	0.0574	0.6143	0.2000	0.4667	0.0952	0.2174
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Sebacina_cystidiata	0.4086	-	1.4133	2.2667	0.2069	0.1143	-	0.2000	0.0952	0.0647
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Varicosporium_elodeae	1.1571	0.0600	0.0400	0.0238	0.0648	0.6429	0.4000	0.1333	0.0952	0.2008
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Annulatascaceae_Conlarium_sp_KO_2013	0.0071	0.9800	0.0400	0.6476	0.0848	0.0143	0.4000	0.2000	0.5238	0.1798
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_arcangeliana	0.0086	-	0.0267	3.2857	0.1681	0.0143	-	0.0667	0.5238	0.0955
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_blennius	2.9657	-	0.0267	0.0762	0.1553	0.5000	-	0.0667	0.0952	0.1045
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Athelopsis_lembo spora	0.5629	-	0.5733	0.0190	0.0585	0.1857	-	1.0000	0.0476	0.1948
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Umbelopsidaceae_Umbelopsis_sp_XYL_2013	0.5629	0.3400	0.0133	0.2286	0.0579	0.1714	0.6000	0.0667	0.3810	0.1925
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_unidentified_Agaricales_sp	0.2171	-	0.9133	0.0524	0.0599	0.0571	-	1.0000	0.1429	0.1895
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales_Gloniaceae_Cenococcum_geophilum	0.2657	0.0800	0.1067	0.2095	0.0335	0.1857	0.2000	0.4000	0.5714	0.2144
Ascomycota_Lecanoromycetes_unidentified_unidentified_Lecanoromycete	0.2443	0.0400	0.1533	0.3143	0.0381	0.3143	0.4000	0.1333	0.4762	0.2091

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
s_sp										
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae_Laccaria_sp	1.4843	0.0600	0.2200	0.0857	0.0936	0.4000	0.4000	0.0667	0.0952	0.1519
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_sp_Ph4_4F09	-	-	0.1067	0.4000	0.0256	-	-	0.5333	0.8571	0.2196
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_Ascomycota_sp	0.2614	0.1000	0.0333	0.4048	0.0405	0.4000	0.4000	0.2000	0.2857	0.2031
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrophorus_discoideus	-	-	2.9800	0.0095	0.1513	-	-	0.5333	0.0476	0.0918
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_albidolilacea	1.9943	-	0.0067	0.1952	0.1111	0.6000	-	0.0667	0.1429	0.1279
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Helotiaceae_sp	0.0114	1.1400	0.0333	0.0095	0.0604	0.0143	1.0000	0.0667	0.0476	0.1783
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Genea_hispidula	0.5957	1.5000	-	0.0857	0.1104	0.2571	0.4000	-	0.1429	0.1264
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae_Oidiodendron_sp	0.1586	-	0.0333	0.4571	0.0328	0.3000	-	0.2000	0.7619	0.1993
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Cadophora_finlandica	0.0414	-	0.3200	0.3095	0.0340	0.0714	-	0.4667	0.7143	0.1978
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Boletus_badius	0.1600	-	0.0467	2.0905	0.1163	0.0571	-	0.1333	0.5238	0.1128
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_uncultured_Pseudotomentella	-	-	-	3.7143	0.1880	-	-	-	0.2381	0.0376
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Tricholoma_lascivum	2.4629	0.0800	-	-	0.1287	0.4000	0.2000	-	-	0.0948
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_flavoalba	0.0943	-	2.1867	-	0.1154	0.0857	-	0.5333	-	0.0978
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_uncultured_Hygrophorus	1.5329	-	0.0067	-	0.0779	0.7714	-	0.0667	-	0.1324
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae_Clavulina_sp	1.9971	-	0.0333	0.0143	0.1035	0.5571	-	0.0667	0.0476	0.1061
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Lycoperdon_nigriscens	0.0129	2.6600	-	-	0.1353	0.0286	0.4000	-	-	0.0677
Basidiomycota_Agaricomycetes_unidentified_unidentified_Agaricomycetes_sp	0.0957	-	0.2067	0.5429	0.0428	0.0857	-	0.4000	0.5238	0.1595
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_sp_FSU_10533	0.0529	0.3200	0.1733	0.1048	0.0329	0.1429	0.4000	0.3333	0.1905	0.1685
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_cf_fortinii_CSP08	0.0614	-	0.0600	0.3810	0.0254	0.0857	-	0.2667	0.7143	0.1685
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Xerocomellus_cisalpinus	0.0529	0.4800	-	0.2000	0.0371	0.1000	0.6000	-	0.2857	0.1557

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Roesleriaceae_Roesleria_sp	0.4857	-	0.6600	0.4429	0.0804	0.2000	-	0.4000	0.0952	0.1098
Ascomycota_Sordariomycetes_unidentified_unidentified_Sordariomycetes_sp	0.2314	0.0600	0.1267	0.0095	0.0216	0.4143	0.2000	0.4000	0.0476	0.1677
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_geophylla	0.0086	-	1.5333	-	0.0780	0.0286	-	0.6667	-	0.1098
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_Rhytismataceae_Rhytismataceae_sp_RB_2011	0.0086	0.4400	-	0.2333	0.0345	0.0143	0.8000	-	0.1429	0.1512
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_unidentified_uncultured_Phialea	0.0714	0.4800	0.0200	0.1524	0.0366	0.0286	0.4000	0.1333	0.3810	0.1489
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_Mollisia_sp	0.0057	0.3200	0.0133	0.0524	0.0198	0.0143	0.8000	0.0667	0.1429	0.1617
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Scytalidium_lignicola	0.5800	0.7000	0.0467	0.0143	0.0679	0.2714	0.2000	0.2000	0.0476	0.1136
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_sp	0.4357	-	0.4267	-	0.0436	0.2714	-	0.6000	-	0.1376
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Hydniaceae_Hydnum_ellipso sporum	0.0029	-	2.0333	-	0.1030	0.0143	-	0.4667	-	0.0760
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Pseudomentella_sp	0.3386	-	1.0133	0.6143	0.0995	0.0571	-	0.3333	0.0952	0.0767
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanitaceae_sp	0.0314	-	0.0133	2.7333	0.1406	0.0143	-	0.0667	0.1429	0.0354
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_zonata	0.0729	0.0400	0.1200	0.0714	0.0154	0.1714	0.2000	0.4000	0.2381	0.1595
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Hyaloscyphaceae_sp	0.0357	-	0.0133	1.9000	0.0986	0.0286	-	0.0667	0.3810	0.0752
Basidiomycota_Tremellomycetes_Trichosporonales_Trichosporonaceae_Trichosporon_sp	0.5171	-	0.0733	0.0143	0.0306	0.3000	-	0.5333	0.0476	0.1391
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_fulvissimus	0.2043	-	1.5267	0.0143	0.0883	0.1286	-	0.3333	0.0476	0.0805
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_unidentified_Auriculariales_sp	0.0671	-	0.2200	1.4524	0.0880	0.0714	-	0.2000	0.2381	0.0805
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae_Laccaria_amenthystina	0.9900	-	0.5133	0.0619	0.0792	0.3000	-	0.0667	0.1905	0.0880
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_uncultured_Sebacina	0.3657	-	0.1267	0.0095	0.0254	0.3714	-	0.4667	0.0476	0.1399
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_fellea	0.5786	-	0.0133	0.4714	0.0538	0.4429	-	0.0667	0.1905	0.1106
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_uncultured_Boletus	0.1429	0.0800	-	0.1952	0.0212	0.2714	0.2000	-	0.4286	0.1422
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_rubescens	0.1629	-	-	1.1762	0.0678	0.1714	-	-	0.4286	0.0948

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae_uncultured_Clavulina	0.0729	-	0.5200	-	0.0300	0.1000	-	0.7333	-	0.1316
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_FR_F9	0.0943	-	0.0867	0.6524	0.0422	0.0571	-	0.2667	0.4286	0.1188
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella_sublilacina	0.0714	0.5800	0.2200	0.1476	0.0516	0.0286	0.2000	0.2667	0.1905	0.1083
Ascomycota_Dothideomycetes_Venturiales_Venturiaceae_uncultured_Venturiaceae	0.0029	-	0.9933	-	0.0504	0.0143	-	0.6667	-	0.1076
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Cadophora_sp_6e51_2	0.3386	-	0.4400	0.0381	0.0413	0.2857	-	0.4000	0.0476	0.1158
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_unidentified_Chaetothyriales_sp	0.1357	-	0.4133	0.0524	0.0304	0.2143	-	0.4667	0.0952	0.1226
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_sindonia	1.7457	-	0.1733	-	0.0971	0.1429	-	0.2000	-	0.0542
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_ericoid_mycorrhizal_sp_PPO_9	-	-	-	0.8667	0.0439	-	-	-	0.6667	0.1053
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Leptodontidium_sp	0.1829	0.4200	0.0067	0.0714	0.0345	0.1571	0.4000	0.0667	0.0952	0.1136
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae_Hydangiaceae_sp	0.1300	0.2200	-	0.0714	0.0213	0.1857	0.4000	-	0.1905	0.1226
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_root_fungus	0.1414	-	1.2200	0.0238	0.0701	0.0286	-	0.3333	0.0952	0.0722
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Mycenella_sp	0.3400	-	0.1733	0.0667	0.0294	0.3286	-	0.3333	0.0476	0.1121
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Ilyonectria_crasa	0.3243	0.0800	0.0867	0.0238	0.0261	0.3000	0.2000	0.1333	0.0952	0.1151
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae_Oidiodendron_flavum	0.0200	0.0600	0.0667	0.3048	0.0228	0.0286	0.2000	0.1333	0.3810	0.1173
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Bionectriaceae_Bionectria_sp	0.0357	0.1000	0.0933	0.0667	0.0150	0.0857	0.2000	0.2667	0.2381	0.1249
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_sp	0.4743	0.3600	0.0333	0.0381	0.0458	0.2714	0.2000	0.0667	0.0476	0.0925
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_maculata	1.7557	-	0.0067	-	0.0892	0.2429	-	0.0667	-	0.0489
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_unidentified_Diaporthales_sp	-	-	0.0200	0.1952	0.0109	-	-	0.1333	0.6667	0.1264
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_unidentified_Mortierellales_sp	0.1171	0.1000	0.0200	0.0667	0.0154	0.1571	0.4000	0.0667	0.1429	0.1211
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_unidentified_Boletales_sp	-	1.4400	-	-	0.0729	-	0.4000	-	-	0.0632
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Thelephoraceae_sp_P104	0.3729	0.6800	-	-	0.0533	0.1143	0.4000	-	-	0.0812
Ascomycota_Eurotiomycetes_unidentified_unidentified_Eurotiomycetes_s	-	0.4200	0.0467	0.4048	0.0441	-	0.2000	0.1333	0.2381	0.0903

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
p_1_KO_2013										
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_simia	0.0543	0.0400	-	0.2429	0.0171	0.1000	0.2000	-	0.4286	0.1151
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_queletii	-	-	1.3467	-	0.0682	-	-	0.4000	-	0.0632
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meripilaceae_Physisporinus_sanguinolentus	0.1286	-	0.5000	0.0762	0.0357	0.0143	-	0.5333	0.0476	0.0940
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Varicosporium_sp	-	-	1.9200	-	0.0972	-	-	0.2000	-	0.0316
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_xerampe lina	0.0286	-	1.0867	-	0.0564	0.0571	-	0.4000	-	0.0722
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Magnaporthaceae_Mycolept odiscus_terrestris	0.0157	0.2200	-	0.0571	0.0148	0.0714	0.6000	-	0.0476	0.1136
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Paxillaceae_Melanogaster_inter medius	1.7514	-	-	0.1381	0.0956	0.1571	-	-	0.0476	0.0323
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_badia	-	-	-	1.7714	0.0896	-	-	-	0.2381	0.0376
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Humaria_sp	0.5043	-	0.2467	0.0095	0.0385	0.3286	-	0.1333	0.0952	0.0880
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Ch aetosphaeria_hebetiseta	0.8214	-	0.2600	0.2905	0.0694	0.1571	-	0.1333	0.0476	0.0534
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_sp_ CMV_2013m	0.0186	0.0600	-	0.0762	0.0078	0.0286	0.4000	-	0.2857	0.1128
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Tubeufiaceae_Tubeufiaceae_ sp_MFLUCC10_0120	-	0.3400	-	0.0190	0.0182	-	0.6000	-	0.0476	0.1023
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Tetracladium_furcat um	0.5286	-	0.0533	-	0.0294	0.3714	-	0.2000	-	0.0903
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_sp _6807_R1	0.1714	-	0.5800	0.0286	0.0395	0.2000	-	0.2000	0.0952	0.0782
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Acephala_sp	0.0114	-	0.1333	-	0.0073	0.0286	-	0.6667	-	0.1098
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Infundichalara_sp unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_ectomyco rrhizal_fungus	-	-	0.0600	0.5381	0.0303	-	-	0.0667	0.4762	0.0857
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_Ascomycota_sp_IBWF 11_95A	0.0886	-	0.0200	0.1619	0.0137	0.0857	-	0.1333	0.4286	0.1023
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_Ascomycota_sp_IBWF 11_95A	0.1243	0.0600	0.0800	0.0143	0.0141	0.1429	0.2000	0.2000	0.0952	0.1008
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Sclerodermataceae_Scleroderm a_sp	-	1.1200	-	0.0762	0.0605	-	0.2000	-	0.1429	0.0542
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meruliaceae_Scopuloides_hy dnoides	0.6343	-	0.2267	-	0.0436	0.2429	-	0.2000	-	0.0699
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_fragilis	0.2686	0.1400	-	0.0571	0.0236	0.0714	0.4000	-	0.0952	0.0895

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Hypocrea_sp	0.0814	0.0600	0.0933	0.0286	0.0133	0.1286	0.2000	0.2000	0.0952	0.0985
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Chalara_microchona	0.0114	-	0.2533	-	0.0134	0.0143	-	0.6000	-	0.0970
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Scutellinia_sp	1.7157	-	-	-	0.0868	0.1429	-	-	-	0.0226
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_pavispora	0.0386	0.0200	0.2267	-	0.0144	0.0571	0.2000	0.3333	-	0.0933
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_Dermateaceae_sp	0.1543	-	0.2733	-	0.0216	0.1429	-	0.4000	-	0.0857
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrophorus_sp_HyG1_X_09	0.7457	-	0.0200	0.0095	0.0392	0.2429	-	0.1333	0.0476	0.0669
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_sp_CCF3781	-	0.6400	-	0.0048	0.0326	-	0.4000	-	0.0476	0.0707
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_petiginosa	0.9043	-	0.0067	-	0.0461	0.2857	-	0.0667	-	0.0557
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_uncultured_Mortierellaceae	0.1657	0.1000	0.0867	-	0.0178	0.1286	0.2000	0.2000	-	0.0835
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Hypocreaceae_sp	0.0371	0.0600	0.0333	-	0.0066	0.0571	0.4000	0.1333	-	0.0933
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Lophiostomataceae_Lophiostoma_sp	-	-	-	1.5238	0.0771	-	-	-	0.1429	0.0226
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Niaceae_Flagelloscypha_minutissima	0.0600	-	0.1267	0.0143	0.0102	0.1143	-	0.4000	0.0476	0.0888
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Amphinema_sp_5_UK_2011	0.0557	-	1.2000	-	0.0635	0.0143	-	0.2000	-	0.0338
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meruliaceae_Phlebia_sp_DLL_2011_1	-	0.1400	0.3200	-	0.0233	-	0.4000	0.0667	-	0.0737
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Togniniaceae_Togninia_vibratilis	0.0557	-	0.1333	0.0095	0.0100	0.1000	-	0.4000	0.0476	0.0865
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_uncultured_Chlorenchloelia	0.0700	-	-	1.2952	0.0691	0.0286	-	-	0.1429	0.0271
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_rapaeodorum	0.4271	-	0.7200	-	0.0581	0.0857	-	0.1333	-	0.0346
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_minutissima	0.1371	-	0.0933	0.0381	0.0136	0.1571	-	0.2000	0.1429	0.0790
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales_Gloniaceae_Cenococcum_sp	0.0243	-	0.0467	0.1000	0.0087	0.0714	-	0.2667	0.1905	0.0835
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_unidentified_Xylariales_sp	0.0529	0.0400	-	-	0.0047	0.1429	0.4000	-	-	0.0857
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_uncultured_Atheliaceae	0.3057	-	0.2667	-	0.0290	0.1857	-	0.2000	-	0.0609

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertaesedis_Leptodontidium_elatius	0.0100	0.0200	0.0733	0.0286	0.0067	0.0286	0.2000	0.2000	0.0952	0.0827
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Umbelopsidaceae_Umbelopsis_sp	0.0129	-	0.0133	0.3571	0.0194	0.0429	-	0.0667	0.3333	0.0699
Ascomycota_Leotiomyces_Incertaesedis_Incertaesedis_Meliniomyces_variabilis	-	-	0.0400	0.1667	0.0105	-	-	0.0667	0.4286	0.0782
Ascomycota_Eurotiomyces_Chaetothyriales_Herpotrichiellaceae_Cladophialophora_sp	0.1829	-	0.0533	-	0.0120	0.2857	-	0.2000	-	0.0767
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Schizoporaceae_Hyphodontia_breviseta	0.0029	0.0200	0.0267	0.1667	0.0109	0.0143	0.2000	0.1333	0.1429	0.0775
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_sp_09CT01	0.1586	0.1000	0.0067	0.0667	0.0168	0.0429	0.2000	0.0667	0.1429	0.0715
Basidiomycota_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_Basidiomycota	-	-	0.0667	0.0286	0.0048	-	-	0.3333	0.1905	0.0827
Ascomycota_Sordariomyces_Ophiostomatales_Ophiostomataceae_Sporothrix_inflata	0.0086	0.0600	-	0.0190	0.0044	0.0286	0.4000	-	0.0952	0.0827
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella_atroarenicolor	0.1271	-	0.3200	-	0.0226	0.0714	-	0.3333	-	0.0639
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_deterrimus	-	-	0.4800	0.0095	0.0248	-	-	0.3333	0.0476	0.0602
Ascomycota_Sordariomyces_Sordariales_Chaetomiaceae_Humicola_fuscoatra_var_fuscoatra	0.0300	0.0600	0.0200	0.0381	0.0075	0.0571	0.2000	0.1333	0.0952	0.0767
Ascomycota_Eurotiomyces_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_adametzii	-	0.0400	-	0.1000	0.0071	-	0.2000	-	0.2857	0.0767
Ascomycota_Eurotiomyces_Eurotiales_unidentified_Eurotiales_sp	-	0.4000	-	-	0.0202	-	0.4000	-	-	0.0632
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_unidentified_Sporidiobolales_sp	0.0200	-	0.1333	0.0857	0.0121	0.0571	-	0.2000	0.1905	0.0707
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_Fungi_sp	0.2700	-	0.1467	0.0143	0.0218	0.2000	-	0.1333	0.0476	0.0602
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_sp	0.0700	-	-	0.7619	0.0421	0.0143	-	-	0.2381	0.0399
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_helvetic	0.0214	-	0.0933	-	0.0058	0.0143	-	0.4667	-	0.0760
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_unidentified_Helotiales_sp_90_OA_2013	0.0171	0.0400	0.0400	0.0190	0.0059	0.0429	0.2000	0.1333	0.0952	0.0745
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrophorus_discoxanthus	0.5943	-	0.0867	0.0857	0.0388	0.1429	-	0.0667	0.0476	0.0406
Basidiomycota_unidentified_unidentified_unidentified_Basidiomycota_sp	0.1071	0.1600	-	-	0.0135	0.0143	0.4000	-	-	0.0654
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Amphinema_sp_T	0.0929	-	0.3400	-	0.0219	0.0143	-	0.3333	-	0.0549

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
1PK3										
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Leptosphaeriaceae_uncultured_Leptosphaeria	0.4314	-	-	-	0.0218	0.3429	-	-	-	0.0542
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_cf_asterospora_EL14305	1.1400	-	-	-	0.0577	0.1143	-	-	-	0.0181
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_uncultured_Cylindrocarpon	0.1414	-	0.1600	-	0.0153	0.1143	-	0.2667	-	0.0602
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_nigricans	0.2329	-	0.1000	0.5286	0.0436	0.0857	-	0.0667	0.0476	0.0316
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Menispora_sp	0.0100	0.0400	-	0.0381	0.0045	0.0571	0.2000	-	0.1905	0.0707
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Sclerodermataceae_Scleroderma_verrucosum	-	0.2200	-	-	0.0111	-	0.4000	-	-	0.0632
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_epipterygia	0.0086	-	-	0.2143	0.0113	0.0143	-	-	0.3810	0.0624
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Venturiaceae_uncultured_Protoventuria	0.0157	0.0200	0.0333	-	0.0035	0.0429	0.2000	0.2000	-	0.0699
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae_Oidiodendron_tenuissimum	-	-	-	0.4048	0.0205	-	-	-	0.3333	0.0526
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Hydropus_sp	0.1829	-	0.3867	-	0.0288	0.0714	-	0.2000	-	0.0429
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_uncultured_Sebacinaceae	0.2571	-	0.2200	0.0143	0.0249	0.1714	-	0.0667	0.0476	0.0451
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Trichoderma_asperellum	0.0443	-	0.0400	0.0286	0.0057	0.1000	-	0.0667	0.2381	0.0639
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_uncultured_Russulaceae	0.0657	-	0.1333	0.0762	0.0139	0.0571	-	0.2000	0.0952	0.0557
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Tylospora_sp	-	-	0.0800	0.0714	0.0077	-	-	0.2000	0.1905	0.0617
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_raistrickii	0.0757	0.0200	-	0.0095	0.0053	0.1571	0.2000	-	0.0476	0.0639
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_amethystina	0.0114	-	0.2600	-	0.0137	0.0143	-	0.3333	-	0.0549
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_uncultured_Tephroclybe_sp	-	0.1000	-	-	0.0051	-	0.4000	-	-	0.0632
Basidiomycota_Pucciniomycetes_Pucciniales_unidentified_uncultured_Pucciniales	-	-	0.3067	-	0.0155	-	-	0.3333	-	0.0526
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_Cryptosporiopsis_sp_1_KO_2013	0.1757	-	0.0400	-	0.0109	0.2286	-	0.1333	-	0.0572

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_Rhytismataceae_Colpoma_sp	0.0043	-	-	0.5476	0.0279	0.0143	-	-	0.2381	0.0399
Basidiomycota_Wallemiomycetes_Geminibasidiales_Geminibasidiaceae_Geminibasidium_sp	0.0914	0.0200	-	0.1048	0.0109	0.0143	0.2000	-	0.1429	0.0564
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae_Armillaria_ostoyae	-	-	0.2667	0.1333	0.0202	-	-	0.2000	0.0952	0.0466
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Xenopolyscytalum_sp	0.1000	-	0.3000	0.0095	0.0207	0.0429	-	0.2000	0.0476	0.0459
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_R1	-	0.0600	-	-	0.0030	-	0.4000	-	-	0.0632
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_anniae	-	-	0.2667	-	0.0135	-	-	0.3333	-	0.0526
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_acrifolia	0.4786	-	0.0400	-	0.0262	0.1857	-	0.0667	-	0.0399
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrophorus_hypothejus	-	-	-	0.4143	0.0210	-	-	-	0.2857	0.0451
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Cadophora_sp_JZ_30	0.0343	-	0.4333	0.0143	0.0244	0.0143	-	0.2000	0.0476	0.0414
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_ectomycorrhiza_Ascomycota.	0.0029	-	0.4067	-	0.0207	0.0143	-	0.2667	-	0.0444
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_cinctinata	-	-	0.4400	-	0.0223	-	-	0.2667	-	0.0421
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_uncultured_Tarzettia	0.2271	-	-	-	0.0115	0.3286	-	-	-	0.0519
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Tricholoma_ustale	0.1257	-	-	0.9238	0.0531	0.0143	-	-	0.0476	0.0098
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_capillariipes	-	-	0.6133	-	0.0310	-	-	0.2000	-	0.0316
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Cephalothecaceae_Cephalotheca_sp	0.0500	0.0600	-	-	0.0056	0.1571	0.2000	-	-	0.0564
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Trichoderma_viride	0.0057	-	0.0333	0.0238	0.0032	0.0286	-	0.2000	0.1429	0.0587
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_fortinii	-	-	0.1200	0.0286	0.0075	-	-	0.2000	0.1429	0.0542
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Schizoporaceae_Hyphodontia_pallidula	-	-	0.4333	0.0667	0.0253	-	-	0.1333	0.0952	0.0361
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Pleosporaceae_Pleosporaceae_sp	-	0.2200	0.0067	0.0048	0.0117	-	0.2000	0.0667	0.0476	0.0496
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Leucosporidiales_Leucosporidiaceae_Leucosporidiella_creatinivora	0.0714	0.3800	-	-	0.0228	0.0429	0.2000	-	-	0.0384

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Tetracladium_maxilliforme	0.3329	-	0.0400	-	0.0189	0.1286	-	0.1333	-	0.0414
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_inflatum	0.0100	0.0200	-	0.0429	0.0037	0.0143	0.2000	-	0.1429	0.0564
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_delicata	0.0014	-	0.2600	-	0.0132	0.0143	-	0.2667	-	0.0444
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_uncultured_Piloderma	-	-	0.0933	-	0.0047	-	-	0.3333	-	0.0526
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_sp_H05	0.0200	0.0800	-	0.0143	0.0058	0.0286	0.2000	-	0.0952	0.0511
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Mycenella_trachyspora	0.0857	-	0.0533	0.0429	0.0092	0.0714	-	0.1333	0.0952	0.0474
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_sanguinea	-	-	-	0.6571	0.0333	-	-	-	0.1429	0.0226
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Phialemoniopsis_curvata	0.0914	0.0400	-	0.0143	0.0074	0.0571	0.2000	-	0.0476	0.0481
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrophorus_eburneus	0.6457	-	-	0.0095	0.0332	0.0857	-	-	0.0476	0.0211
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_Rhytismataceae_Colpoma_sp_PDD_91607	-	-	-	0.1714	0.0087	-	-	-	0.2857	0.0451
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pezizaceae_uncultured_Peziza	0.1900	-	0.0533	-	0.0123	0.1286	-	0.1333	-	0.0414
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Entolomataceae_Entoloma_dysthaloides	0.4886	-	0.1667	-	0.0332	0.0571	-	0.0667	-	0.0196
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_31_AM_2013	0.0543	-	0.2267	-	0.0142	0.0429	-	0.2000	-	0.0384
Basidiomycota_Incertaesedis_Malasseziales_Incertaesedis_Malassezia_restricta	0.2329	-	0.0200	0.0095	0.0133	0.0857	-	0.0667	0.0952	0.0391
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Xenasmataceae_Xenasmatella_sp	0.5600	-	-	0.1476	0.0358	0.0571	-	-	0.0476	0.0165
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Ilyonectria_robusta	0.0686	-	0.0733	-	0.0072	0.0857	-	0.2000	-	0.0451
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertaesedis_Phoma_sp_unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_Epacris_microphylla_root_associated_fungus_19	0.0029	0.1200	0.0267	-	0.0076	0.0143	0.2000	0.0667	-	0.0444
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_Helotiales_sp_73_OA_2013	-	-	0.0067	0.0667	0.0037	-	-	0.0667	0.2381	0.0481
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Elaphomycetaceae_uncultured_Elaphomyces	0.0271	-	-	0.5143	0.0274	0.0571	-	-	0.0952	0.0241
	-	-	-	0.1095	0.0055	-	-	-	0.2857	0.0451

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Zygomycota_Incertaedis_Mucorales_Cunninghamellaceae_Absidia_cylindrospora_var._cylindrospora	-	0.0600	-	0.0095	0.0035	-	0.2000	-	0.0952	0.0466
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Amphinema_sp_1_UK_2011	-	-	0.3667	-	0.0186	-	-	0.2000	-	0.0316
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Galerina_pseudocamerina	0.0271	0.0600	-	-	0.0044	0.0857	0.2000	-	-	0.0451
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_sp_10_ZWG_2011	-	-	0.3333	-	0.0169	-	-	0.2000	-	0.0316
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Hymenoscyphus_sp_UBCtra1439C	-	-	-	0.2095	0.0106	-	-	-	0.2381	0.0376
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_rufum	0.0957	-	0.0533	-	0.0075	0.0571	-	0.2000	-	0.0406
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Elaphomycetaceae_Elaphomyces_muricatus	0.0829	-	-	0.2524	0.0170	0.1000	-	-	0.0952	0.0308
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_nobilis	0.0129	-	0.0200	0.5000	0.0270	0.0143	-	0.0667	0.0476	0.0203
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_subnudipes	0.5786	-	0.0133	-	0.0300	0.0429	-	0.0667	-	0.0173
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_ascomycete_sp_DF31	0.0143	-	-	0.1286	0.0072	0.0143	-	-	0.2381	0.0399
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_romagnesii	0.4843	-	-	-	0.0245	0.1429	-	-	-	0.0226
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaedis_Acremonium_sp	0.0343	-	0.0467	-	0.0041	0.0714	-	0.2000	-	0.0429
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaedis_Pseudeurotiaceae_Leuconeurospora_sp	-	0.0800	0.0133	-	0.0047	-	0.2000	0.0667	-	0.0421
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Herpotrichiellaceae_Exophiala_sp	0.0257	-	0.1400	-	0.0084	0.0429	-	0.2000	-	0.0384
Ascomycota_Incertaedis_Incertaedis_Incertaedis_Chalara_piceae_abietis	-	-	0.0867	-	0.0044	-	-	0.2667	-	0.0421
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaedis_Leptodontidium_orchidicola	0.0029	0.0200	0.0133	-	0.0018	0.0143	0.2000	0.0667	-	0.0444
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertaedis_Berkleasmium_sp_X18	-	-	0.0800	-	0.0040	-	-	0.2667	-	0.0421
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Agrocybe_praecox	0.6829	-	-	-	0.0346	0.0714	-	-	-	0.0113
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Delicatula_integrella	0.0300	-	0.0667	0.2048	0.0153	0.0286	-	0.0667	0.0952	0.0301
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Geejayessia_cica	-	-	0.0600	-	0.0030	-	-	0.2667	-	0.0421

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
tricum										
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_unidentified_uncultured_Penicillium	0.0229	-	0.0133	0.0619	0.0050	0.0429	-	0.0667	0.1429	0.0399
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Hamatocanthosypha_laricionis	-	-	0.0533	-	0.0027	-	-	0.2667	-	0.0421
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Cadophora_sp_29d	0.0057	-	-	0.3857	0.0198	0.0143	-	-	0.1429	0.0248
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_albomarginata	0.2529	-	-	-	0.0128	0.2000	-	-	-	0.0316
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales_Incertaesedis_Cryptococcus_sp	0.0557	-	0.0467	-	0.0052	0.1143	-	0.1333	-	0.0391
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae_Laccaria_bicolor	0.0014	0.0400	-	0.0143	0.0028	0.0143	0.2000	-	0.0476	0.0414
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_veternosa	0.6814	-	-	-	0.0345	0.0571	-	-	-	0.0090
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_manginii	0.0057	0.0200	-	0.0143	0.0020	0.0143	0.2000	-	0.0476	0.0414
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Umbelopsidaceae_Umbelopsis_sp_II_GK_2010	0.0100	0.0200	-	-	0.0015	0.0571	0.2000	-	-	0.0406
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_sp_BB_2010	-	-	-	0.0857	0.0043	-	-	-	0.2381	0.0376
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_uncultured_Galerina	-	-	0.0667	0.0429	0.0055	-	-	0.1333	0.0952	0.0361
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Dipodascaceae_Galactomyces_candidum	-	0.0400	-	0.0095	0.0025	-	0.2000	-	0.0476	0.0391
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_sp_BB_2010	0.0529	-	-	0.0619	0.0058	0.1286	-	-	0.0952	0.0354
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales_unidentified_uncultured_Tremellales	-	0.0200	-	0.0190	0.0020	-	0.2000	-	0.0476	0.0391
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae_Beauveria_brongniartii	-	-	0.0333	0.0048	0.0019	-	-	0.2000	0.0476	0.0391
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_uncultured_Dermateaceae	0.0357	-	0.0133	0.3143	0.0184	0.0286	-	0.0667	0.0476	0.0226
Basidiomycota_Tremellomycetes_Filobasidiales_Filobasidiaceae_Cryptococcus_fuscescens	-	0.0200	-	0.0143	0.0017	-	0.2000	-	0.0476	0.0391
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Stachybotrys_sp	0.0300	-	0.1133	0.0048	0.0075	0.0286	-	0.1333	0.0476	0.0331

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertaedis_Cadophora_sp	-	-	-	0.0524	0.0027	-	-	-	0.2381	0.0376
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales_Gloniaceae_Cenococcum_sp_Ceno_OI	0.1000	-	0.0400	-	0.0071	0.1429	-	0.0667	-	0.0331
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_unidentified_Saccharomycetales_sp	0.0029	0.1200	-	-	0.0062	0.0143	0.2000	-	-	0.0338
Ascomycota_Eurotiomyces_unidentified_unidentified_Eurotiomyces_sp	0.0371	-	-	0.2190	0.0130	0.0286	-	-	0.1429	0.0271
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Sarcosomataceae_Urnula_helvelloides	0.4786	-	-	-	0.0242	0.1000	-	-	-	0.0158
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_obtusus	-	-	0.3733	-	0.0189	-	-	0.1333	-	0.0211
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Megacollybia_platyphylla	0.0100	0.0600	-	-	0.0035	0.0286	0.2000	-	-	0.0361
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_unidentified_uncultured_Pleosporales	0.0314	0.0800	-	-	0.0056	0.0143	0.2000	-	-	0.0338
Ascomycota_Leotiomyces_Leotiales_Leotiaceae_Leotia_lubrica	0.1571	-	0.0133	-	0.0086	0.1286	-	0.0667	-	0.0308
Ascomycota_Lecanoromycetes_Ostropales_Stictidaceae_Cryptodiscus_tabularum	-	-	-	0.0333	0.0017	-	-	-	0.2381	0.0376
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Trichoderma_spirale	-	-	0.0467	0.0143	0.0031	-	-	0.1333	0.0952	0.0361
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_Hydodontaceae_Trechispora_araneosa	0.0043	0.1000	-	-	0.0053	0.0143	0.2000	-	-	0.0338
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertaedis_Pyrenochaeta_sp_AU.DBT238	0.0171	0.0400	-	-	0.0029	0.0286	0.2000	-	-	0.0361
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_umbratica	-	-	0.1400	-	0.0071	-	-	0.2000	-	0.0316
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Byssocorticium_sp	0.2257	-	-	0.1190	0.0174	0.0857	-	-	0.0476	0.0211
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_paludosa	-	-	-	0.3143	0.0159	-	-	-	0.1429	0.0226
Ascomycota_Eurotiomyces_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_godlewskii	0.0057	0.0400	-	-	0.0023	0.0286	0.2000	-	-	0.0361
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Chaetosphaeria_chloroconia	0.0200	0.0200	-	-	0.0020	0.0286	0.2000	-	-	0.0361
Basidiomycota_Microbotryomycetes_unidentified_unidentified_Microbotryomycetes_sp	0.0957	-	0.0200	0.0381	0.0078	0.0286	-	0.0667	0.0952	0.0301
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Suillaceae_Suillus_luteus	-	-	-	0.3000	0.0152	-	-	-	0.1429	0.0226

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_sordariomyceta	-	-	0.0133	0.0190	0.0016	-	-	0.1333	0.0952	0.0361
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_leptocephala	0.0129	-	0.0533	-	0.0033	0.0143	-	0.2000	-	0.0338
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Phaeosphaeriaceae_Phaeosphaeriaceae_sp	-	0.1000	-	-	0.0051	-	0.2000	-	-	0.0316
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Xerocomellus_rubellus	-	0.1000	-	-	0.0051	-	0.2000	-	-	0.0316
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_algeriensis	0.0014	-	-	0.0762	0.0039	0.0143	-	-	0.1905	0.0323
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_zephyrus	-	-	-	0.2667	0.0135	-	-	-	0.1429	0.0226
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Arachnopeziza_sp	0.0029	0.0400	-	-	0.0022	0.0143	0.2000	-	-	0.0338
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Helotiaceae_3_RB_2011	0.0014	-	-	0.5143	0.0261	0.0143	-	-	0.0476	0.0098
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_alpina	0.0700	-	0.0133	0.0429	0.0064	0.0714	-	0.0667	0.0476	0.0293
Basidiomycota_Exobasidiomycetes_Microstromatales_Microstromataceae_Sympodiomyces_sp_8A1	-	0.0800	-	-	0.0040	-	0.2000	-	-	0.0316
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae_Cordyceps_sp_A12116	0.0086	0.0200	-	-	0.0014	0.0143	0.2000	-	-	0.0338
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Neonectria_hubeiensis	0.0257	-	0.0667	-	0.0047	0.0571	-	0.1333	-	0.0301
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_APA_2013	0.0414	-	0.0800	-	0.0061	0.1143	-	0.0667	-	0.0286
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_sp_12NJ01	0.1129	-	0.0067	-	0.0060	0.1143	-	0.0667	-	0.0286
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Ilyonectria_sp_KO_2013	-	0.0600	-	-	0.0030	-	0.2000	-	-	0.0316
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_GQGC1	-	0.0600	-	-	0.0030	-	0.2000	-	-	0.0316
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Neobulgaria_sp	0.2814	-	-	-	0.0142	0.1286	-	-	-	0.0203
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_fulva	-	-	-	0.2333	0.0118	-	-	-	0.1429	0.0226
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_grata	0.1486	-	0.0067	-	0.0079	0.1000	-	0.0667	-	0.0263
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Umbelopsidaceae_Umbelopsis_vinacea	0.0086	-	-	0.0238	0.0016	0.0143	-	-	0.1905	0.0323
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Leptosphaeriaceae_Leptosphaeria	-	0.0400	-	-	0.0020	-	0.2000	-	-	0.0316

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
aeria_sp										
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Chloridium_virescens_var_chlamydosporum	-	0.0400	-	-	0.0020	-	0.2000	-	-	0.0316
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Lycoperdon_pyriforme	0.3000	-	0.0667	-	0.0186	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Arcangeliella_sp	0.3429	-	-	-	0.0174	0.1000	-	-	-	0.0158
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Naevula_sp	0.0586	-	0.1200	-	0.0090	0.0857	-	0.0667	-	0.0241
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_olivacea	0.2043	-	-	-	0.0103	0.1429	-	-	-	0.0226
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_pseudoreducta	0.2429	-	0.0200	-	0.0133	0.0571	-	0.0667	-	0.0196
Ascomycota_Archaeorhizomycetes_Archaeorhizomycetales_unidentified_Archaeorhizomycetales_sp	-	-	-	0.0524	0.0027	-	-	-	0.1905	0.0301
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Leptosphaeriaceae_uncultured_Epicoccum	-	0.0200	-	-	0.0010	-	0.2000	-	-	0.0316
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Rutstroemiaceae_Scleromitrua_candolleana	-	0.0200	-	-	0.0010	-	0.2000	-	-	0.0316
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Magnaporthaceae_Mycoleptodiscus_sp	-	0.0200	-	-	0.0010	-	0.2000	-	-	0.0316
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Plectosphaerellaceae_Verticillium_leptobactrum	-	0.0200	-	-	0.0010	-	0.2000	-	-	0.0316
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Xylariaceae_Obolarina_dryophila	-	0.0200	-	-	0.0010	-	0.2000	-	-	0.0316
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_uncultured_Naucoria	0.1457	-	0.1000	-	0.0124	0.0571	-	0.0667	-	0.0196
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_unidentified_Mortierellales_sp_03VT04	-	-	-	0.1857	0.0094	-	-	-	0.1429	0.0226
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Polyporaceae_Skeletocutis_nivea	-	-	0.0133	0.0524	0.0033	-	-	0.1333	0.0476	0.0286
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Chaetomiaceae_Chaetomiaceae_sp	0.1000	-	0.0067	-	0.0054	0.1000	-	0.0667	-	0.0263
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Xylariaceae_Xylaria_sp_844	0.2643	-	-	-	0.0134	0.1143	-	-	-	0.0181
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Stephanosporaceae_Stephanosporaceae_sp_KO_2013	-	-	0.0533	0.0619	0.0058	-	-	0.0667	0.0952	0.0256
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Ilyonectria_pseudodestructans	0.0529	-	0.0067	0.0143	0.0037	0.0571	-	0.0667	0.0476	0.0271
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Leohumicola_minima	0.1971	-	-	-	0.0100	0.1286	-	-	-	0.0203

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_uncultured_Otidea	0.1143	-	0.1400	-	0.0129	0.0429	-	0.0667	-	0.0173
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hymenogaster_citrinus	0.0043	-	0.0800	-	0.0043	0.0286	-	0.1333	-	0.0256
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Chalara_hyalocuspica	0.0229	-	0.0133	-	0.0018	0.0429	-	0.1333	-	0.0278
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_endophytic_fungus	0.0300	-	0.0067	0.0143	0.0026	0.0571	-	0.0667	0.0476	0.0271
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Otidea_sp	0.3571	-	-	-	0.0181	0.0714	-	-	-	0.0113
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pezizaceae_Terfezia_sp	0.0386	-	0.1533	-	0.0097	0.0571	-	0.0667	-	0.0196
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_uncultured_Neonectria	0.0900	-	0.0067	-	0.0049	0.0857	-	0.0667	-	0.0241
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Entolomataceae_Entoloma_subaraneosum	0.3486	-	-	-	0.0176	0.0714	-	-	-	0.0113
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_pantherina	0.0429	-	-	0.0381	0.0041	0.0143	-	-	0.1429	0.0248
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Piloderma_sp_B328	0.0357	-	0.0133	-	0.0025	0.1000	-	0.0667	-	0.0263
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_viscida	0.3257	-	-	-	0.0165	0.0714	-	-	-	0.0113
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_occidentalis	0.0071	-	0.0733	-	0.0041	0.0143	-	0.1333	-	0.0233
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Thelephora_palmata	0.0057	-	0.0667	-	0.0037	0.0143	-	0.1333	-	0.0233
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pezizaceae_Pezizaceae_sp	0.0429	-	0.0133	-	0.0028	0.0857	-	0.0667	-	0.0241
Ascomycota_Dothideomycetes_Dothideales_Dothioraceae_Aureobasidium_pullulans	0.0471	-	0.0067	-	0.0027	0.0857	-	0.0667	-	0.0241
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_unidentified_uncultured_ectomycorrhiza_Thelephorales.	-	-	0.1067	-	0.0054	-	-	0.1333	-	0.0211
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Talaromyces_sp	-	-	-	0.0762	0.0039	-	-	-	0.1429	0.0226
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_aeomoeboidea	0.0329	-	0.0533	-	0.0044	0.0714	-	0.0667	-	0.0218
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Geomyces_pannorum	0.0671	-	-	-	0.0034	0.1429	-	-	-	0.0226
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierellaceae_sp	0.1114	-	-	-	0.0056	0.1286	-	-	-	0.0203
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_subdul	0.0657	-	-	-	0.0033	0.1429	-	-	-	0.0226

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
cis										
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_uncultured_Humaria	0.0329	-	0.0467	-	0.0040	0.0714	-	0.0667	-	0.0218
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Sebacina_sp_151	0.2871	-	-	-	0.0145	0.0714	-	-	-	0.0113
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_unidentified_Hymenochaetales_sp	0.0129	-	0.0133	0.0810	0.0054	0.0143	-	0.0667	0.0476	0.0203
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Serpulaceae_Serpula_himantioides	-	-	-	0.2095	0.0106	-	-	-	0.0952	0.0150
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_uncultured_Octaviania	0.1943	-	-	-	0.0098	0.1000	-	-	-	0.0158
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae_Oidiodendron_muniellensis	-	-	-	0.0571	0.0029	-	-	-	0.1429	0.0226
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_sp_Kew_29799	-	-	0.0867	-	0.0044	-	-	0.1333	-	0.0211
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_sp_SB78	-	-	0.0867	-	0.0044	-	-	0.1333	-	0.0211
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_salal_root_associated_fungus_UBCtra1340C	-	-	-	0.0476	0.0024	-	-	-	0.1429	0.0226
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Venturiaceae_Venturia_sp	-	-	-	0.0429	0.0022	-	-	-	0.1429	0.0226
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae_Armillaria_gallica	0.0271	-	0.0267	-	0.0027	0.0714	-	0.0667	-	0.0218
Ascomycota_Pezizomycetes_unidentified_unidentified_Pezizomycetes_sp	-	-	-	0.0381	0.0019	-	-	-	0.1429	0.0226
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Talaromyces_sp_2_CMV_2012	0.0814	-	-	-	0.0041	0.1286	-	-	-	0.0203
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae_Helvella_sp	0.1186	-	0.0200	-	0.0070	0.0429	-	0.0667	-	0.0173
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Xenopolyscytalum_sp_CCF_4156	-	-	-	0.0333	0.0017	-	-	-	0.1429	0.0226
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Chaetosphaeria_sp_235_OA_2013	0.0771	-	-	-	0.0039	0.1286	-	-	-	0.0203
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_E13415E	0.0400	-	0.0067	-	0.0024	0.0714	-	0.0667	-	0.0218
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Helotiaceae_sp_II_GK_2010	-	-	-	0.0286	0.0014	-	-	-	0.1429	0.0226
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Tarzetta_sp_P9	0.1171	-	-	-	0.0059	0.1143	-	-	-	0.0181
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_pterosporus	0.2057	-	-	-	0.0104	0.0857	-	-	-	0.0135

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Hydniaceae_Sistotrema_sp	0.0057	-	-	0.1238	0.0066	0.0143	-	-	0.0952	0.0173
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_delibutus	-	-	0.0533	-	0.0027	-	-	0.1333	-	0.0211
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_erinaceomorpha	0.2457	-	-	-	0.0124	0.0714	-	-	-	0.0113
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Togniniaceae_Phaeoacremonium_sp	-	-	-	0.0190	0.0010	-	-	-	0.1429	0.0226
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_uncultured_endomycorrhiza_of_Neottia_nidus_avis	0.0271	-	0.0200	0.0143	0.0031	0.0143	-	0.0667	0.0476	0.0203
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Belonidium_sulphureum	0.1057	-	-	-	0.0053	0.1143	-	-	-	0.0181
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_fluens	0.0586	-	-	-	0.0030	0.1286	-	-	-	0.0203
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Thysanophora_penicillioides	-	-	0.0400	-	0.0020	-	-	0.1333	-	0.0211
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Helotiaceae_sp_VII_GK_2010	-	-	0.0400	-	0.0020	-	-	0.1333	-	0.0211
Ascomycota_Sordariomycetes_Lulworthiales_Lulworthiaceae_Zalerion_sp_KO_2013	0.0186	-	-	0.1095	0.0065	0.0571	-	-	0.0476	0.0165
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_uncultured_Pyronemataceae	-	-	0.2467	-	0.0125	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_faustiana	0.0257	-	0.0133	0.0143	0.0027	0.0143	-	0.0667	0.0476	0.0203
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae_Helvella_lacunosa	0.0400	-	0.0267	-	0.0034	0.0571	-	0.0667	-	0.0196
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Rhizoscyphus_ericae	0.0129	-	0.0267	0.0095	0.0025	0.0143	-	0.0667	0.0476	0.0203
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Rhizoscyphus_sp	-	-	-	0.1476	0.0075	-	-	-	0.0952	0.0150
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_Helotiales_sp_X19	-	-	0.0267	-	0.0013	-	-	0.1333	-	0.0211
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_battarrae	-	-	0.0267	-	0.0013	-	-	0.1333	-	0.0211
Zygomycota_Incertaedis_Endogonales_Endogonaceae_Endogone_lactiflua	-	-	0.0267	-	0.0013	-	-	0.1333	-	0.0211
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hymenogaster_vulgaris	0.0957	-	-	0.0095	0.0053	0.0571	-	-	0.0476	0.0165
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_Rhytismataceae_Lophodermium_pinastris	-	-	-	0.1333	0.0067	-	-	-	0.0952	0.0150
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meripilaceae_HydNOPOLYPORUS_fimbriatus	0.0171	-	-	0.0667	0.0042	0.0143	-	-	0.0952	0.0173

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_alnetorum	0.0229	-	-	0.0143	0.0019	0.0286	-	-	0.0952	0.0196
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Helicodendron_sp	0.1557	-	-	-	0.0079	0.0857	-	-	-	0.0135
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_chloroides	0.2000	-	-	-	0.0101	0.0714	-	-	-	0.0113
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_maurella	-	-	0.2133	-	0.0108	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_Dothideomycetes_Dothideales_Dothioraceae_Sydowia_sp	-	-	0.0067	0.0571	0.0032	-	-	0.0667	0.0476	0.0181
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Tetracladium_sp_1_MV_2011	0.0614	-	-	-	0.0031	0.1143	-	-	-	0.0181
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Volutella_sp_167_OA_2013	0.0600	-	-	-	0.0030	0.1143	-	-	-	0.0181
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_uncultured_Pleurotopsis	0.3257	-	-	-	0.0165	0.0286	-	-	-	0.0045
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Entolomataceae_Entoloma_prototerum	0.1014	-	0.0133	-	0.0058	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_sp_FF28	0.0029	-	-	0.0190	0.0011	0.0286	-	-	0.0952	0.0196
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Geomyces_sp_1_7WV09	-	-	0.0133	0.0381	0.0026	-	-	0.0667	0.0476	0.0181
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_uncultured_Amanita	0.0043	-	-	0.0619	0.0033	0.0143	-	-	0.0952	0.0173
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_sardonia	-	-	-	0.1095	0.0055	-	-	-	0.0952	0.0150
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Clavariaceae_Clavariaceae_sp	0.0757	-	0.0333	-	0.0055	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_Ascomycota_sp_SB93_56c	0.0443	-	-	-	0.0022	0.1143	-	-	-	0.0181
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales_Claroideoglomeraceae_Claroideoglossum_claroideum	0.0871	-	0.0133	-	0.0051	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Pleosporaceae_Cochliobolus_sativus	0.0014	-	-	0.0524	0.0027	0.0143	-	-	0.0952	0.0173
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Schizoporaceae_Xylodon_sambuci	-	-	0.1867	-	0.0094	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Phaeocollybia_gregaria	-	-	0.0267	0.0095	0.0018	-	-	0.0667	0.0476	0.0181
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertaesedis_Herpotrichia_sp	0.0443	-	0.0067	-	0.0026	0.0429	-	0.0667	-	0.0173

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Protoglossum_niveum	0.2143	-	-	-	0.0108	0.0571	-	-	-	0.0090
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Ophiocordycipitaceae_Elaphocordyceps_ingoensis	0.0029	-	-	0.0476	0.0026	0.0143	-	-	0.0952	0.0173
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_NLR_2013	0.0157	-	-	0.0048	0.0010	0.0714	-	-	0.0476	0.0188
Ascomycota_Sordariomycetes_Phyllachorales_Phyllachoraceae_uncultured_Phyllachoraceae	0.0300	-	0.0200	-	0.0025	0.0429	-	0.0667	-	0.0173
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_Rhytismataceae_Coccomyces_sp	-	-	-	0.0857	0.0043	-	-	-	0.0952	0.0150
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_daleae	-	-	0.0067	0.0190	0.0013	-	-	0.0667	0.0476	0.0181
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Plectosphaerellaceae_Verticillium_fungicola_var_fungicola	-	-	0.0200	0.0048	0.0013	-	-	0.0667	0.0476	0.0181
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Metarhizium_anisopliae	0.0571	-	0.0267	-	0.0042	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Chaetothyriaceae_Cyphellophora_sp	0.1129	-	-	-	0.0057	0.0857	-	-	-	0.0135
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Diaporthaceae_Phomopsis_sp_BESC803g	-	-	-	0.0810	0.0041	-	-	-	0.0952	0.0150
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Wilcoxina_sp	-	-	0.0067	0.0143	0.0011	-	-	0.0667	0.0476	0.0181
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Chaetosphaeria_sp	0.0157	-	0.0200	-	0.0018	0.0429	-	0.0667	-	0.0173
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertaesedis_Pyrenochaeta_sp	0.0400	-	0.0400	-	0.0040	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Humaria_hemisp haerica	0.0314	-	0.0467	-	0.0040	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_uncultured_Cortinariaceae	0.0457	-	0.0267	-	0.0037	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_salal_root_associated_fungus_UBCtra1061C	0.0143	-	0.0133	-	0.0014	0.0429	-	0.0667	-	0.0173
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_unidentified_Sordariales_sp	0.0086	-	-	0.0190	0.0014	0.0143	-	-	0.0952	0.0173
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_cf_fortinii_GK_2010	-	-	0.0067	0.0048	0.0006	-	-	0.0667	0.0476	0.0181
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hebeloma_sinapizans	0.0100	-	0.1000	-	0.0056	0.0143	-	0.0667	-	0.0128
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Ganodermataceae_Ganoder	0.0486	-	-	-	0.0025	0.1000	-	-	-	0.0158

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
ma_applanatum										
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Trichophaea_hybrida	0.0143	-	0.0933	-	0.0054	0.0143	-	0.0667	-	0.0128
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Paxillaceae_Paxillus_sp	-	-	-	0.0619	0.0031	-	-	-	0.0952	0.0150
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Volutella_sp	0.0029	-	-	0.0143	0.0009	0.0143	-	-	0.0952	0.0173
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_unidentified_Pezizales_sp_MS8	0.1343	-	-	-	0.0068	0.0714	-	-	-	0.0113
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_Ascomycota_sp_N21	-	-	-	0.0571	0.0029	-	-	-	0.0952	0.0150
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Marasmius_scorodionius	0.1271	-	-	-	0.0064	0.0714	-	-	-	0.0113
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Amphisphaeriaceae_Pestalotiopsis_citrina	-	-	-	0.0429	0.0022	-	-	-	0.0952	0.0150
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Microascaceae_Graphium_sp_UCR2159	0.0186	-	0.0200	-	0.0020	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Lachnum_sp_FR_F3	-	-	-	0.0381	0.0019	-	-	-	0.0952	0.0150
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_hirtella	0.0043	-	0.0333	-	0.0019	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Pseudeurotiaceae_Pseudeurotiaceae_sp	0.0671	-	-	-	0.0034	0.0857	-	-	-	0.0135
Ascomycota_Dothideomycetes_unidentified_unidentified_Dothideomycetes_sp_AS1_1	0.0071	-	0.0267	-	0.0017	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Wilcoxina_mikolae	-	-	-	0.0333	0.0017	-	-	-	0.0952	0.0150
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_submembranacea	-	-	0.1200	-	0.0061	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_Helotiales_sp_WMM_2012f	0.0229	-	0.0067	-	0.0015	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_mycorrhizal_fungus	-	-	-	0.0286	0.0014	-	-	-	0.0952	0.0150
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_Incertaesedis_Rhodotorula_psychrophila	0.0057	-	0.0667	-	0.0037	0.0143	-	0.0667	-	0.0128
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_Incertaesedis_Sporobolomyces_inositophilus	0.0143	-	0.0133	-	0.0014	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_aff_murina_D11c	0.0543	-	-	-	0.0027	0.0857	-	-	-	0.0135
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_spinulosum	-	-	-	0.0238	0.0012	-	-	-	0.0952	0.0150

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Helotiaceae_Helotiaceae_sp_IV_GK_2010	-	-	-	0.0238	0.0012	-	-	-	0.0952	0.0150
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_emetica	-	-	-	0.1714	0.0087	-	-	-	0.0476	0.0075
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_cy stojenkinii	0.0086	-	0.0133	-	0.0011	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_Hyponectriaceae_Hyponectriace ae_sp	0.0057	-	0.0600	-	0.0033	0.0143	-	0.0667	-	0.0128
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_Incertaesedis_Rhodo torula_cresolica	0.0129	-	0.0067	-	0.0010	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_sp_2371	0.2271	-	-	-	0.0115	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Pochonia_sp	0.0057	-	0.0133	-	0.0010	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_ascomycete_sp_KS10 210	-	-	-	0.0190	0.0010	-	-	-	0.0952	0.0150
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Dissophora_sp	0.0486	-	-	-	0.0025	0.0857	-	-	-	0.0135
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Thelepho raceae_sp_B275	-	-	0.1067	-	0.0054	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Paxillaceae_Melanogaster_sp	0.1357	-	-	-	0.0069	0.0571	-	-	-	0.0090
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hymenogaster _sp_2_SGT_2012	0.0100	-	0.0067	-	0.0008	0.0286	-	0.0667	-	0.0150
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_vesca	0.0014	-	-	0.1190	0.0061	0.0143	-	-	0.0476	0.0098
Ascomycota_Leotiomyces_Rhytismatales_Rhytismataceae_Lophodermiu m_piceae	0.0071	-	0.0533	-	0.0031	0.0143	-	0.0667	-	0.0128
Ascomycota_Leotiomyces_Helotiales_Incertaesedis_Cadophora_sp_REF0 39	0.0157	-	-	0.0143	0.0015	0.0429	-	-	0.0476	0.0143
Basidiomycota_Tremellomycetes_Cystofilobasidiales_Cystofilobasidiaceae_ Cystofilobasidiaceae_sp	-	-	0.0867	-	0.0044	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Helvellosebaci na_helvelloides	0.0286	-	0.0133	-	0.0021	0.0143	-	0.0667	-	0.0128
Basidiomycota_Agaricomycetes_unidentified_unidentified_uncultured_Aga ricomycetidae	0.0686	-	-	-	0.0035	0.0714	-	-	-	0.0113
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_puellaris	0.0043	-	0.0333	-	0.0019	0.0143	-	0.0667	-	0.0128
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Otidea_onotica	0.2000	-	-	-	0.0101	0.0286	-	-	-	0.0045
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_badios anguineus	0.0214	-	-	-	0.0011	0.0857	-	-	-	0.0135
Ascomycota_Leotiomyces_Leotiales_Leotiaceae_Alatospora_acuminata	0.0029	-	0.0333	-	0.0018	0.0143	-	0.0667	-	0.0128

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Pseudeurotiaceae_Pseudogymnoascus_sp	0.0029	-	0.0267	-	0.0015	0.0143	-	0.0667	-	0.0128
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_sp_M_11_43_36	-	-	0.0733	-	0.0037	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinariaceae_sp_AT4_3OI	-	-	0.0733	-	0.0037	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_sp_MH_OBL_01	-	-	0.0733	-	0.0037	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_unidentified_Pezizales_sp	0.0014	-	0.0267	-	0.0014	0.0143	-	0.0667	-	0.0128
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Boletus_chrysenteron	0.0557	-	-	-	0.0028	0.0714	-	-	-	0.0113
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_unidentified_uncultured_Devriesia	0.0543	-	-	-	0.0027	0.0714	-	-	-	0.0113
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Microascaceae_Wardomyces_inflatus	0.0100	-	0.0133	-	0.0012	0.0143	-	0.0667	-	0.0128
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Hymenoscyphus_sp	0.0129	-	-	0.0238	0.0019	0.0286	-	-	0.0476	0.0120
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_ssauensis	0.0057	-	0.0133	-	0.0010	0.0143	-	0.0667	-	0.0128
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_nivalis	0.0029	-	0.0133	-	0.0008	0.0143	-	0.0667	-	0.0128
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Thelephoraceae_sp_B326	0.0029	-	0.0133	-	0.0008	0.0143	-	0.0667	-	0.0128
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_aurantiomarginata	-	-	0.0600	-	0.0030	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_Ascomycota_sp_AR_2010	0.0200	-	-	0.0095	0.0015	0.0286	-	-	0.0476	0.0120
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_pura	0.0071	-	-	0.0190	0.0013	0.0286	-	-	0.0476	0.0120
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Cystolepiota_bucknallii	0.1743	-	-	-	0.0088	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Meliniomyces_sp_2_RT_2012	-	-	-	0.1143	0.0058	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_bongardii	0.1286	-	-	-	0.0065	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Leptosphaeriaceae_Leptosphaeria_sp_F101	0.0029	-	0.0067	-	0.0005	0.0143	-	0.0667	-	0.0128
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Ceratocystidaceae_Ceratocystis_paradoxa	0.0029	-	0.0067	-	0.0005	0.0143	-	0.0667	-	0.0128

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Ascomycota_Incertaedis_Incertaedis_Incertaedis_Pleurophragmium_sp_J530	-	-	0.0533	-	0.0027	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Pholiota_squarrosa	0.1714	-	-	-	0.0087	0.0286	-	-	-	0.0045
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae_Membranomyces_spurius	0.1700	-	-	-	0.0086	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_unidentified_uncultured_Pezizales	0.1657	-	-	-	0.0084	0.0286	-	-	-	0.0045
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Mycenella_bryophila	-	-	0.0467	-	0.0024	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Cosmospora_viliuscula	0.0071	-	-	0.0095	0.0008	0.0286	-	-	0.0476	0.0120
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_sp_CT3_3OI	0.0300	-	-	-	0.0015	0.0714	-	-	-	0.0113
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella_sp_O53	0.1186	-	-	-	0.0060	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae_Lecanicillium_fusisporum	-	-	0.0400	-	0.0020	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaedis_Trichothecium_crotocinigenum	-	-	0.0400	-	0.0020	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Agaricus_excellens	-	-	0.0400	-	0.0020	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_cf_pseudoreducta_EL24B07	-	-	0.0400	-	0.0020	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_geophylla_var._geophylla	-	-	0.0400	-	0.0020	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_Incertaedis_Auricularia_sp	-	-	0.0400	-	0.0020	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_excavatum	0.2014	-	-	-	0.0102	0.0143	-	-	-	0.0023
Zygomycota_Incertaedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_simplex	0.0229	-	-	-	0.0012	0.0714	-	-	-	0.0113
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Metacordyceps_sp	-	-	0.0333	-	0.0017	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_hercynicus	-	-	0.0333	-	0.0017	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Marasmiellus_ramealis	0.0600	-	-	-	0.0030	0.0571	-	-	-	0.0090

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Hydnoaceae_uncultured_Hydnum	0.1471	-	-	-	0.0074	0.0286	-	-	-	0.0045
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Hemimycena_pseudolactea	-	-	0.0267	-	0.0013	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_semisanguifluus	-	-	0.0267	-	0.0013	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hypholoma_fasciculare	0.0057	-	-	0.0333	0.0020	0.0143	-	-	0.0476	0.0098
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Repetobasidiaceae_Rickenella_fibula	-	-	-	0.0810	0.0041	-	-	-	0.0476	0.0075
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Chalara_pseudoaffinis	-	-	0.0200	-	0.0010	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_europaea	-	-	0.0200	-	0.0010	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Otidea_mirabilis	-	-	0.0200	-	0.0010	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Cotylidia_undulata	-	-	0.0200	-	0.0010	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Thelephora_sp_B110	-	-	0.0200	-	0.0010	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Infundichalara_micrlochona	-	-	-	0.0762	0.0039	-	-	-	0.0476	0.0075
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_Helotiales_sp_BH5	0.0457	-	-	-	0.0023	0.0571	-	-	-	0.0090
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactifluus_bertillonii	0.0014	-	-	0.0286	0.0015	0.0143	-	-	0.0476	0.0098
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Chaetothyriaceae_Cyphellophora_pluriseptata	-	-	0.0133	-	0.0007	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_thomii	-	-	0.0133	-	0.0007	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_sp_PDKA10	-	-	0.0133	-	0.0007	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_Saccharomycetes_unidentified_unidentified_Saccharomycetes_sp	-	-	0.0133	-	0.0007	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_olivaceofuscus	-	-	0.0133	-	0.0007	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_sp_TO_2011	-	-	0.0133	-	0.0007	-	-	0.0667	-	0.0105

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales_Archaeosporaceae_uncultured_Archaeospora	0.0043	-	-	0.0238	0.0014	0.0143	-	-	0.0476	0.0098
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Acephala_sp_7_MV_2011	0.0086	-	-	0.0190	0.0014	0.0143	-	-	0.0476	0.0098
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meruliaceae_Hypochnicium_geogenium	-	-	-	0.0714	0.0036	-	-	-	0.0476	0.0075
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Microascaceae_Cephalotrichum_nanum	0.0386	-	-	-	0.0020	0.0571	-	-	-	0.0090
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Agaricus_lanipes	-	-	-	0.0667	0.0034	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_rimosa	0.0814	-	-	-	0.0041	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Dothideomycetes_Botryosphaeriales_Botryosphaeriaceae_Neofusicoccum_australe	-	-	0.0067	-	0.0003	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Pseudeurotiaceae_Pseudeurotium_sp	-	-	0.0067	-	0.0003	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Triscelophorus_monosporus	-	-	0.0067	-	0.0003	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_turicensis	-	-	0.0067	-	0.0003	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_ascomycete_sp_olrim79	-	-	0.0067	-	0.0003	-	-	0.0667	-	0.0105
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_Ascomycota_sp_N32	-	-	0.0067	-	0.0003	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Cystoderma_jasonis_var._jasonis	-	-	0.0067	-	0.0003	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_uncultured_Alnicola	-	-	0.0067	-	0.0003	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella_bryophila	-	-	0.0067	-	0.0003	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_unidentified_Thelephorales_sp_MS20	-	-	0.0067	-	0.0003	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales_Incertaesedis_Dioszegia_sp_DBVPG_10049	-	-	0.0067	-	0.0003	-	-	0.0667	-	0.0105
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Mucoraceae_uncultured_Mucor	-	-	0.0067	-	0.0003	-	-	0.0667	-	0.0105
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Lepista_sordida	0.0800	-	-	-	0.0040	0.0429	-	-	-	0.0068
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Galerina_nana	0.0014	-	-	0.0190	0.0010	0.0143	-	-	0.0476	0.0098
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_angusta	0.0343	-	-	-	0.0017	0.0571	-	-	-	0.0090

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Ceratobasidiaceae_Cerato basidium_sp_Rr82	-	-	-	0.0619	0.0031	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_plumbe a	0.0314	-	-	-	0.0016	0.0571	-	-	-	0.0090
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Tricholoma_sulphureum	0.0729	-	-	-	0.0037	0.0429	-	-	-	0.0068
Basidiomycota_Tremellomycetes_Filobasidiales_Filobasidiaceae_Cryptococ cus_terricola	0.0086	-	-	0.0048	0.0007	0.0143	-	-	0.0476	0.0098
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Umbelopsidaceae_Umbelopsis_ang ularis	0.0086	-	-	0.0048	0.0007	0.0143	-	-	0.0476	0.0098
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_Helotiales_sp_4_KO_ 2013	-	-	-	0.0571	0.0029	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Agaricomycetes_Phallales_Phallaceae_Phallus_impudicus	-	-	-	0.0571	0.0029	-	-	-	0.0476	0.0075
Ascomycota_Sordariomycetes_Coniochaetales_Coniochaetaceae_Coniocha eta_mutabilis	0.0271	-	-	-	0.0014	0.0571	-	-	-	0.0090
Ascomycota_Orbiliomycetes_Orbiliales_Orbiliaceae_Dactylella_mammillat a	0.0057	-	-	0.0048	0.0005	0.0143	-	-	0.0476	0.0098
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Xerocomellus_pru i natus	0.0043	-	-	0.0048	0.0005	0.0143	-	-	0.0476	0.0098
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Cistella_sp_EF_8	0.0229	-	-	-	0.0012	0.0571	-	-	-	0.0090
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Bondarzewiaceae_Heterobasid ion_sp_Cui78	0.0029	-	-	0.0048	0.0004	0.0143	-	-	0.0476	0.0098
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_AspERGillus_kan agawaensis	0.0014	-	-	0.0048	0.0003	0.0143	-	-	0.0476	0.0098
Glomeromycota_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_Glom eromycota	0.0014	-	-	0.0048	0.0003	0.0143	-	-	0.0476	0.0098
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Cadophora_sp_REF0 33	0.0200	-	-	-	0.0010	0.0571	-	-	-	0.0090
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Cantharellaceae_Craterellu s_sp	0.0200	-	-	-	0.0010	0.0571	-	-	-	0.0090
Ascomycota_Leotiomycetes_Thelebolales_Thelebolaceae_Pezizella_discret a	0.1514	-	-	-	0.0077	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae_Gymnostell atospora_sp_SL0219	0.0171	-	-	-	0.0009	0.0571	-	-	-	0.0090
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales_unidentified_uncultur ed_Archaeosporales	-	-	-	0.0429	0.0022	-	-	-	0.0476	0.0075

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_fibrosoides	0.0529	-	-	-	0.0027	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Mytiliniaceae_Lophium_sp	-	-	-	0.0333	0.0017	-	-	-	0.0476	0.0075
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_uncultured_Lachnum	-	-	-	0.0333	0.0017	-	-	-	0.0476	0.0075
Ascomycota_Orbiliomycetes_Orbiliales_Orbiliaceae_Dactylellina_ellipsospora	-	-	-	0.0333	0.0017	-	-	-	0.0476	0.0075
Zygomycota_Incertaedis_Mucorales_Cunninghamellaceae_Absidia_cylindrospora	-	-	-	0.0333	0.0017	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_unidentified_uncultured_Agaricales	-	-	-	0.0286	0.0014	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Thelephora_terrestris	-	-	-	0.0286	0.0014	-	-	-	0.0476	0.0075
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_sp_FF52	-	-	-	0.0238	0.0012	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_filipes	-	-	-	0.0238	0.0012	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Sebacina_diminitica	0.0371	-	-	-	0.0019	0.0429	-	-	-	0.0068
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_rosea	0.0343	-	-	-	0.0017	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Phialocephala_sp_V3	-	-	-	0.0190	0.0010	-	-	-	0.0476	0.0075
Ascomycota_Orbiliomycetes_unidentified_unidentified_Orbiliomycetes_sp	-	-	-	0.0190	0.0010	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Phaeocollybia_graveolens	-	-	-	0.0190	0.0010	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_purpureofusca	-	-	-	0.0190	0.0010	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Sclerodermataceae_Scleroderma_citrinum	-	-	-	0.0190	0.0010	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Tremellomycetes_unidentified_unidentified_Tremellomyces_sp	-	-	-	0.0190	0.0010	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Clavariaceae_Clavaria_sp	0.0314	-	-	-	0.0016	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae_Helvella_sp_UC_1999_221	0.0300	-	-	-	0.0015	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Acephala_sp_4_MV_2011	-	-	-	0.0143	0.0007	-	-	-	0.0476	0.0075
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Trichoderma_p	-	-	-	0.0143	0.0007	-	-	-	0.0476	0.0075

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
araviridescens										
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_casimiri	-	-	-	0.0143	0.0007	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Amaurodon_sp	-	-	-	0.0143	0.0007	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hymenogaster_sp_1_SGT_2012	0.0257	-	-	-	0.0013	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Pleosporaceae_Alternaria_triticina	-	-	-	0.0095	0.0005	-	-	-	0.0476	0.0075
Ascomycota_Lecanoromycetes_Teloschistales_Teloschistaceae_Sirenophila_sp_45_UA_2013	-	-	-	0.0095	0.0005	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Polyporaceae_Diplomitoporus_rimosus	-	-	-	0.0095	0.0005	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Agaricostilbomycetes_Agaricostilbales_unidentified_Agaricostilbales_sp	-	-	-	0.0095	0.0005	-	-	-	0.0476	0.0075
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_endophyte_sp_AP466	-	-	-	0.0095	0.0005	-	-	-	0.0476	0.0075
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_SLZ14	-	-	-	0.0095	0.0005	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Tremellomycetes_Tremellales_Incertaedis_Dioszegia_hungarica	0.0243	-	-	-	0.0012	0.0429	-	-	-	0.0068
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Thelephoraceae_sp_P320	0.1114	-	-	-	0.0056	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Tremellomycetes_Cystofilobasidiales_Incertaedis_Mrakieilla_aquatica	0.0214	-	-	-	0.0011	0.0429	-	-	-	0.0068
Glomeromycota_Glomeromycetes_Archaeosporales_Archaeosporaceae_Archaeospora_trappei	0.1100	-	-	-	0.0056	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Genea_sp	0.0200	-	-	-	0.0010	0.0429	-	-	-	0.0068
Basidiomycota_Agaricomycetes_Geastrales_Geastraceae_Geastrum_fimbriatum	0.0643	-	-	-	0.0033	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_nodositatum	-	-	-	0.0048	0.0002	-	-	-	0.0476	0.0075
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Hyaloscyphaceae_Lachnum_pygmaeum	-	-	-	0.0048	0.0002	-	-	-	0.0476	0.0075
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Marasmius_tricolor	-	-	-	0.0048	0.0002	-	-	-	0.0476	0.0075
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_Lasiochaetaceae_uncultured_	0.0171	-	-	-	0.0009	0.0429	-	-	-	0.0068

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Immersiella										
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Antennulariaceae_Heteroconium_sp_115_114E	0.0114	-	-	-	0.0006	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae_Oidiodendron_truncatum	0.0114	-	-	-	0.0006	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Tetracladium_breve	0.0114	-	-	-	0.0006	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Valsaceae_Valsa_ambiens	0.0114	-	-	-	0.0006	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Minutisphaera_sp_G156_2	0.0100	-	-	-	0.0005	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae_Mycosphaerellaceae_sp_SD_01	0.0543	-	-	-	0.0027	0.0286	-	-	-	0.0045
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_foetens	0.0543	-	-	-	0.0027	0.0286	-	-	-	0.0045
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_uncultured_Hebeloma	0.0071	-	-	-	0.0004	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Sarcocladium_oryzae	0.0057	-	-	-	0.0003	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Ophiocordycipitaceae_Tolypocladium_geodes	0.0057	-	-	-	0.0003	0.0429	-	-	-	0.0068
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Trichoderma_rossicum	0.0486	-	-	-	0.0025	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_Lemonnieria	0.0471	-	-	-	0.0024	0.0286	-	-	-	0.0045
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_abjecta	0.0457	-	-	-	0.0023	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Leotiomycetes_Geoglossales_Geoglossaceae_Geoglossum_fallax	0.0871	-	-	-	0.0044	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Chloridium_sp	0.0414	-	-	-	0.0021	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Helicodendron_westerdijkae	0.0386	-	-	-	0.0020	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Tumularia_sp_Rr27	0.0371	-	-	-	0.0019	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Saccharomycetaceae_Lachancea_kluyveri	0.0786	-	-	-	0.0040	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Herpotrichiellaceae_Phialophora_mustea	0.0771	-	-	-	0.0039	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Sordariomycetes_Diaporthales_Melanconidaceae_Melanconi	0.0771	-	-	-	0.0039	0.0143	-	-	-	0.0023

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
um_sp_MAFF_237111										
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_unidentified_uncultured_Auriculariales	0.0271	-	-	-	0.0014	0.0286	-	-	-	0.0045
Basidiomycota_Tremellomycetes_Filobasidiales_Filobasidiaceae_Cryptococcus_wieringae	0.0271	-	-	-	0.0014	0.0286	-	-	-	0.0045
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales_Glomeraceae_uncultured_Rhizophagus	0.0257	-	-	-	0.0013	0.0286	-	-	-	0.0045
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Paxillaceae_uncultured_Paxillus	0.0686	-	-	-	0.0035	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_unidentified_Helotiales_sp_B54J3	0.0229	-	-	-	0.0012	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Neonectria_sp_C_1_BESC_294u	0.0229	-	-	-	0.0012	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Phialea_sp	0.0214	-	-	-	0.0011	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Leotiomycetes_Rhytismatales_unidentified_Rhytismatales_sp_5552	0.0214	-	-	-	0.0011	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Aschersonia_minutispora	0.0214	-	-	-	0.0011	0.0286	-	-	-	0.0045
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella_cinereoumbrina	0.0200	-	-	-	0.0010	0.0286	-	-	-	0.0045
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Cunninghamellaceae_Absidia_glauc_a	0.0200	-	-	-	0.0010	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_unidentified_Hypocreales_sp	0.0186	-	-	-	0.0009	0.0286	-	-	-	0.0045
Basidiomycota_Agaricomycetes_Hymenochaetales_Schizoporaceae_Hyphodontia_sp	0.0186	-	-	-	0.0009	0.0286	-	-	-	0.0045
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_obscurus	0.0186	-	-	-	0.0009	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pezizaceae_uncultured_Hydnobolites	0.0171	-	-	-	0.0009	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Nectriaceae_sp	0.0171	-	-	-	0.0009	0.0286	-	-	-	0.0045
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Umbelopsidaceae_Umbelopsis_ramanniana	0.0171	-	-	-	0.0009	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Lecanoromycetes_Teloschistales_unidentified_Teloschistales_sp	0.0157	-	-	-	0.0008	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Flagellospora_cuvula	0.0157	-	-	-	0.0008	0.0286	-	-	-	0.0045
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Marasmius_rotula	0.0157	-	-	-	0.0008	0.0286	-	-	-	0.0045

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Ceratobasidiaceae_Cerato basidiaceae_sp	0.0157	-	-	-	0.0008	0.0286	-	-	-	0.0045
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_75_AM_20 13	0.0157	-	-	-	0.0008	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Geopyxis_sp	0.0600	-	-	-	0.0030	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae_Passalor a_sp_CPC_11147	0.0143	-	-	-	0.0007	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Flagellospora_leu corhynchos	0.0143	-	-	-	0.0007	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Saccharomycetes_Saccharomycetales_Incertaesedis_Candida _palmioleophila	0.0586	-	-	-	0.0030	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Entolomataceae_Entoloma_str igosissimum	0.0586	-	-	-	0.0030	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_rhodiola	0.0129	-	-	-	0.0007	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_Cryptosporiopsis_r hizophila	0.0114	-	-	-	0.0006	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Ilyonectria_radi cicola	0.0114	-	-	-	0.0006	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_unidentified_unidentified_unidentified_uncultured_Tetracladi um	0.0114	-	-	-	0.0006	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae_Balsamia_sp	0.0557	-	-	-	0.0028	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Dothideomycetes_Botryosphaeriales_Botryosphaeriaceae_Bo tryosphaeria_dothidea	0.0100	-	-	-	0.0005	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Incertaesedis_Dictyosporium _toruloides	0.0100	-	-	-	0.0005	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Tarzetta_catinus	0.0100	-	-	-	0.0005	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Sordariomycetes_Microascales_Halosphaeriaceae_Tirispora_s p	0.0100	-	-	-	0.0005	0.0286	-	-	-	0.0045
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Tricholoma _sp	0.0100	-	-	-	0.0005	0.0286	-	-	-	0.0045
Zygomycota_Incertaesedis_Mucorales_Mucoraceae_Mucor_genevensis	0.0543	-	-	-	0.0027	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_aestivum	0.0086	-	-	-	0.0004	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Hypocreaceae_Trichoderma_s p_JZ_66	0.0086	-	-	-	0.0004	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Lophiostomataceae_Lophiost oma_corticola	0.0071	-	-	-	0.0004	0.0286	-	-	-	0.0045

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Eladia_saccula	0.0071	-	-	-	0.0004	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Cudoniella_clavus	0.0071	-	-	-	0.0004	0.0286	-	-	-	0.0045
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hebeloma_leucosarx	0.0071	-	-	-	0.0004	0.0286	-	-	-	0.0045
Zygomycota_Incertaedis_Mucorales_Mucoraceae_Mucor_sp_XSCG02	0.0514	-	-	-	0.0026	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_Neonectria_sp	0.0057	-	-	-	0.0003	0.0286	-	-	-	0.0045
Ascomycota_Sordariomycetes_Sordariales_unidentified_uncultured_Sordariales	0.0057	-	-	-	0.0003	0.0286	-	-	-	0.0045
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae_Hymenopellis_radicata	0.0057	-	-	-	0.0003	0.0286	-	-	-	0.0045
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Botryobasidiaceae_Botryobasidium_sp	0.0057	-	-	-	0.0003	0.0286	-	-	-	0.0045
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_Epacris_microphylla_root_associated_fungus_12	0.0057	-	-	-	0.0003	0.0286	-	-	-	0.0045
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella_ellisii	0.0471	-	-	-	0.0024	0.0143	-	-	-	0.0023
Glomeromycota_Glomeromycetes_Glomerales_Claroideoglomeraceae_uncultured_Claroideoglomus	0.0443	-	-	-	0.0022	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Sagenomella_humicola	0.0414	-	-	-	0.0021	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae_Ramichloridium_anceps	0.0400	-	-	-	0.0020	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Physalacriaceae_Cibaomyces_glutinis	0.0400	-	-	-	0.0020	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_sp	0.0400	-	-	-	0.0020	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Incertaedis_Malasseziales_unidentified_Malasseziales_sp	0.0400	-	-	-	0.0020	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Sebacinales_Sebacinaceae_Sebacina_helvelloides	0.0357	-	-	-	0.0018	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_lanceolatus	0.0314	-	-	-	0.0016	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Macrolepiota_mastoidea	0.0300	-	-	-	0.0015	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Marasmiaceae_Gymnopus_peronatus	0.0300	-	-	-	0.0015	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_Mycosphaerellaceae_Xenostigmia_zilleri	0.0286	-	-	-	0.0014	0.0143	-	-	-	0.0023

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_sp_SB60	0.0286	-	-	-	0.0014	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Clitocybe_sp	0.0286	-	-	-	0.0014	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Melanophyllum_haematospermum	0.0271	-	-	-	0.0014	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_uncultured_Tricholoma	0.0271	-	-	-	0.0014	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_Incertaesedis_Oliveonia_paxillata	0.0271	-	-	-	0.0014	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Microbotryomycetes_Sporidiobolales_Incertaesedis_Rhodotorula_sp	0.0271	-	-	-	0.0014	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Eurotiomycetes_Onygenales_Onygenaceae_Amauroascus_albicans	0.0243	-	-	-	0.0012	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Gloeotinia_temulentata	0.0243	-	-	-	0.0012	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Petrakia_sp	0.0229	-	-	-	0.0012	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hygrophoraceae_Hygrocybe_conica	0.0229	-	-	-	0.0012	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_lanuginosa_var_ovatocystis	0.0229	-	-	-	0.0012	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Meruliaceae_Phlebia_uda	0.0214	-	-	-	0.0011	0.0143	-	-	-	0.0023
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_exigua	0.0214	-	-	-	0.0011	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Glomerellaceae_Colletotrichum_sp_S358	0.0200	-	-	-	0.0010	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Corynesporascaceae_Corynespora_smithii	0.0186	-	-	-	0.0009	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_oboletus	0.0186	-	-	-	0.0009	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Lophiostomataceae_Lophiostoma_compressum	0.0171	-	-	-	0.0009	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Zignoella_pulviscula	0.0171	-	-	-	0.0009	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Dothideomycetes_Hysteriales_Gloniaceae_Gloniaceae_sp	0.0157	-	-	-	0.0008	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_auriscalceolatus	0.0157	-	-	-	0.0008	0.0143	-	-	-	0.0023

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_angulatosquamulosa	0.0157	-	-	-	0.0008	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Boletales_Boletaceae_Tylopilus_felleus	0.0157	-	-	-	0.0008	0.0143	-	-	-	0.0023
Glomeromycota_Glomeromycetes_Diversisporales_Acaulosporaceae_uncultured_Acaulosporaceae	0.0157	-	-	-	0.0008	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Eurotiomycetes_Chaetothyriales_Herpotrichiellaceae_uncultured_Cladophialophora	0.0143	-	-	-	0.0007	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Plectosphaerellaceae_uncultured_Plectosphaerella	0.0143	-	-	-	0.0007	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Amanitaceae_Amanita_phalloides	0.0143	-	-	-	0.0007	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_brunneoviolacea	0.0143	-	-	-	0.0007	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Genea_sp_P020	0.0129	-	-	-	0.0007	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Sordariomycetes_Chaetosphaeriales_Chaetosphaeriaceae_Thozetella_havanensis	0.0129	-	-	-	0.0007	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Agaricaceae_Lepiota_clypeolaria	0.0129	-	-	-	0.0007	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_sp_MCV E_997	0.0129	-	-	-	0.0007	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Mycenella_lasiosperma	0.0129	-	-	-	0.0007	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Atheliales_Atheliaceae_Piloderma_sp	0.0129	-	-	-	0.0007	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Clavulinaceae_Clavulina_sp_BZ24089	0.0129	-	-	-	0.0007	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_ruginosus	0.0129	-	-	-	0.0007	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Thelephorales_Thelephoraceae_Tomentella_lilacinogrisea	0.0129	-	-	-	0.0007	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Chalara_sp_YTH_2012b	0.0114	-	-	-	0.0006	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Chalara_vaccinii	0.0114	-	-	-	0.0006	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Tetracladium_sp_WMM_2012d	0.0114	-	-	-	0.0006	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Nectriaceae_uncultured_Nectriaceae	0.0114	-	-	-	0.0006	0.0143	-	-	-	0.0023

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Ophiocordycipitaceae_Ophiocordyceps_sp_TW_2014	0.0114	-	-	-	0.0006	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Strophariaceae_Hymenogaster_huthii	0.0114	-	-	-	0.0006	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Ceratobasidiaceae_Ceratobasidium_sp	0.0114	-	-	-	0.0006	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_Polyporaceae_Daedaleopsis_rubescens	0.0114	-	-	-	0.0006	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Incertaesedis_Incertaesedis_Incertaesedis_Pseudoclathrosphaerina_sp	0.0100	-	-	-	0.0005	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Sclerotiniaceae_Botrytis_cinerea	0.0100	-	-	-	0.0005	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Helvellaceae_uncultured_Helvella	0.0100	-	-	-	0.0005	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_Tuber_fulgens	0.0100	-	-	-	0.0005	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Trechisporales_Hydnoodontaceae_Trechispora_hymenocystis	0.0100	-	-	-	0.0005	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_unidentified_Pleosporales_sp_F277808	0.0086	-	-	-	0.0004	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Ceratobasidiaceae_Ceratobasidium_sp_AG_I	0.0086	-	-	-	0.0004	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Cantharellales_Ceratobasidiaceae_uncultured_Ceratobasidiaceae	0.0086	-	-	-	0.0004	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Helotiaceae_Articulospora_sp	0.0071	-	-	-	0.0004	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Cadophora_luteoolivacea	0.0071	-	-	-	0.0004	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Pyronemataceae_Otidea_alutacea	0.0071	-	-	-	0.0004	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Incertaesedis_Cephalosporium_gramineum	0.0071	-	-	-	0.0004	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae_Laccaria_sp_HKAS53725	0.0071	-	-	-	0.0004	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Russula_heterophylla	0.0071	-	-	-	0.0004	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Leptosphaeriaceae_Leptosphaeriaceae_sp	0.0057	-	-	-	0.0003	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Elaphomycetaceae_Elaphomyces_decipiens	0.0057	-	-	-	0.0003	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Aspergillus_sp	0.0057	-	-	-	0.0003	0.0143	-	-	-	0.0023

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Meliniomyces_sp_GK_2010	0.0057	-	-	-	0.0003	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Pezizomycetes_Pezizales_Tuberaceae_uncultured_Tuber	0.0057	-	-	-	0.0003	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Cordycipitaceae_Akanthomyces_novoguineensis	0.0057	-	-	-	0.0003	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_hinuleoarmillatus	0.0057	-	-	-	0.0003	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Auriculariales_Incertaesedis_Auricularia_auricula_judae	0.0057	-	-	-	0.0003	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Dothideomycetes_Incertaesedis_Myxotrichaceae_Gymnostellatospora_sp	0.0043	-	-	-	0.0002	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Dothideomycetes_Pleosporales_Montagnulaceae_Paraconiotyrium_fuckelii	0.0043	-	-	-	0.0002	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Sordariomycetes_Incertaesedis_Plectosphaerellaceae_uncultured_Colletotrichum	0.0043	-	-	-	0.0002	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_uncultured_Tricholomataceae	0.0043	-	-	-	0.0002	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_olivinus	0.0043	-	-	-	0.0002	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Cadophora_malorum	0.0029	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Incertaesedis_Tetracladium_sp_GMU_LL_02_C2	0.0029	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Orbiliomycetes_Orbiliales_Orbiliaceae_Dactylellina_drechsleri	0.0029	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Sordariomycetes_Xylariales_unidentified_uncultured_Microdochium	0.0029	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Cortinariaceae_Cortinarius_largus	0.0029	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Hydangiaceae_Laccaria_sp_GMM7601	0.0029	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_lilacina	0.0029	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Inocybaceae_Inocybe_transitoria	0.0029	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Tricholomataceae_Pseudoomphalina_pachyphylla	0.0029	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Russulales_Russulaceae_Lactarius_flexuos	0.0029	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023

Species	Mean number of sequences from each Taxon per Plot					Mean number of OTUs from each Taxon per Plot				
	Beech	Oak	Spruce	Pine	%	Beech	Oak	Spruce	Pine	%
us_var._roseozonatus										
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_EXP0528F	0.0029	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023
unidentified_unidentified_unidentified_unidentified_fungal_sp_MT0838	0.0029	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023
Zygomycota_Incertaesedis_Mortierellales_Mortierellaceae_Mortierella_verticillata	0.0029	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Dothideomycetes_Capnodiales_unidentified_Capnodiales_sp	0.0014	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Eurotiomycetes_Eurotiales_Trichocomaceae_Penicillium_sp_30_BRO_2013	0.0014	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Dermateaceae_uncultured_Mollisia	0.0014	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Leotiomycetes_Helotiales_Vibrissaceae_Acephala_sp_WGS1780	0.0014	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Leotiomycetes_Incertaesedis_Incertaesedis_Geomyces_pannorum_var_asperulatus	0.0014	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Leotiomycetes_Leotiales_Leotiaceae_Alatospora_sp	0.0014	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023
Ascomycota_Sordariomycetes_Hypocreales_Clavicipitaceae_Pochonia_billobilosa	0.0014	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Mycenaceae_Mycena_sp_MKACC51882	0.0014	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Agaricales_Psathyrellaceae_Coprinellus_micaceus	0.0014	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023
Basidiomycota_Agaricomycetes_Polyporales_unidentified_Polyporales_sp	0.0014	-	-	-	0.0001	0.0143	-	-	-	0.0023