

Tabelle 45 (1/2): Einzeltypisierungsergebnisse zur AB0-Blutgruppen-Bestimmung

Individuum	FundNr	Element	Extrakt	PCR #	µl	SBE #	802	796	297	261	Blutgruppe
DO FK/HS/RG 35 (M4)	DO 35	Femur li.	Ex 6	LIH6 AB0 II	8	LIH6 AB0 SBE I	C/-	C/-	-/-	-/-	
			Ex 7	LIH6 AB0 III	10,1	LIH6 AB0 SBE II	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
			Ex 6	LIH6 AB0 IV	10,1	LIH6 AB0 SBE III	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
			Ex 7	LIH6 AB0 IV	10,1	LIH6 AB0 SBE III	C/-	C/-	A/-	G/-	AA
			Ex 6	LIH6 AB0 VI	10,1	LIH6 AB0 SBE V	C/-	C/-	-/-	-/-	
			Ex 7	LIH6 AB0 VI	7,9	LIH6 AB0 SBE V	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
Genotyp						C/C	C/C	A/A	(G/A)	(A)01	
DO FK/RG/BS 38 (F1)	DO 39	Tibia re.	Ex 3	LIH6 AB0 II	5	LIH6 AB0 SBE I	C/-	C/-	A/-	G/A	A01
			Ex 4	LIH6 AB0 III	8	LIH6 AB0 SBE II	C/-	C/-	A/-	G/-	AA
			Ex 3	LIH6 AB0 IV	5	LIH6 AB0 SBE III	C/-	C/-	A/-	G/A	A01
			Ex 4	LIH6 AB0 IV	10,1	LIH6 AB0 SBE III	C/-	C/-	A/-	G/-	AA
			Ex 5	LIH6 AB0 VIIa	5	LIH6 AB0 SBE VI	C/-	C/-	A/-	G/A	A01
			Ex 5	LIH6 AB0 VIIb	8	LIH6 AB0 SBE VI	C/-	C/-	A/-	G/A	A01
Genotyp						C/C	C/C	A/A	G/A	A01	
DO RG/FK 57.02 (M17/M19)	DO 153.01	Tibia re.	Ex 3	LIH6 AB0 II	6	LIH6 AB0 SBE I	C/-	C/A	G/A	A/-	(B01)
			Ex 4	LIH6 AB0 III	8	LIH6 AB0 SBE II	C/-	C/-	G/A	A/-	0101v
			Ex 3	LIH6 AB0 V	8	LIH6 AB0 SBE IV	C/-	C/-	G/A	G/A	A01v
			Ex 4/1	LIH6 AB0 V	10,1	LIH6 AB0 SBE IV	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
			Ex 3	LIH6 AB0 VI	10,1	LIH6 AB0 SBE V	C/-	C/A	G/A	G/A	B01
Genotyp						C/C	C/A	G/A	G/A	B01	
DO RG/FK 58.03 (M13)	DO 58.03	Femur li.	Ex 3	LIH6 AB0 II	5	LIH6 AB0 SBE I	C/-	C/-	G/A	G/A	A01v
			Ex 4	LIH6 AB0 III	8	LIH6 AB0 SBE II	C/-	C/-	G/A	G/A	A01v
			Ex 3	LIH6 AB0 IV	5	LIH6 AB0 SBE III	C/-	C/-	G/(A)	G/A	A01v
			Ex 4	LIH6 AB0 IV	5	LIH6 AB0 SBE III	C/-	C/-	G/A	G/A	A01v
Genotyp						C/C	C/C	G/A	G/A	A01v	
DO RG/FK 67.03 (F10/F17)	DO 300.01	Femur li.	Ex 1	LIH6 AB0 II	8	LIH6 AB0 SBE I	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
			B	LIH6 AB0 IV	10,1	LIH6 AB0 SBE III	-/-	-/-	-/-	-/-	
			Eppi	LIH6 AB0 IV	10,1	LIH6 AB0 SBE III	C/-	C/-	A/-	G/(A)	A(01)
			Ex 2	LIH6 AB0 VII	8	LIH6 AB0 SBE VI	C/-	C/-	A/-	G/A	A01
			Ex 3	LIH6 AB0 VII	8	LIH6 AB0 SBE VI	C/-	C/-	A/-	G/A	A01
Genotyp						C/C	C/C	A/A	G/A	A01	
DO FK/RG/HS/BS 901.01 (M18/F16)	DO 901.01	Femur li.	Ex 4	LIH6 AB0 II	6	LIH6 AB0 SBE I	C/-	C/-	G/A	A/-	0101v
			Ex 5	LIH6 AB0 III	8	LIH6 AB0 SBE II	C/-	C/-	G/-	A/-	01v01v
			Ex 4	LIH6 AB0 IV	6	LIH6 AB0 SBE III	-/-	-/-	G/-	A/-	01v01v
			Ex 5	LIH6 AB0 IV	10,1	LIH6 AB0 SBE III	C/-	C/-	G/A	G/A	A01v
			Ex 4	LIH6 AB0 VI	10,1	LIH6 AB0 SBE V	C/-	C/-	G/-	A/-	01v01v
			Ex 5	LIH6 AB0 VI	10,1	LIH6 AB0 SBE V	C/-	C/-	G/-	A/-	01v01v
Genotyp						C/C	C/C	G/A	(G/A)	(A)01v	
DO FK/RG 905.01 (M14)	DO 901.02	Humerus li.	Ex 3/4	LIH6 AB0 II	8	LIH6 AB0 SBE I	-/-	-/-	-/-	-/-	
			Ex 4/1	LIH6 AB0 IV	10,1	LIH6 AB0 SBE III	-/-	-/-	-/-	-/-	
			Ex 5	LIH6 AB0 VII	8	LIH6 AB0 SBE VI	C/-	C/A/(T)	A/-	A/-	(B01)
	DO 905.01	Femur li.	Ex 6	LIH6 AB0 VII	8	LIH6 AB0 SBE VI	C/-	C/A/(T)	A/-	A/-	(B01)
			Ex 2	LIH6 AB0 II	6	LIH6 AB0 SBE I	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
			Ex 3	LIH6 AB0 III	8	LIH6 AB0 SBE II	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
			Ex 2/1	LIH6 AB0 V	8	LIH6 AB0 SBE IV	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
Ex 3	LIH6 AB0 V	8	LIH6 AB0 SBE IV	C/-	C/-	A/-	A/-	0101			
Genotyp						C/C	C/(A)	A/-	A/-	(B)01	
DO FK/RG/BS 907.01	DO 907.01	Femur li.	Ex 3	LIH6 AB0 II	8	LIH6 AB0 SBE I	C/-	C/-	A/-	G/A	A01
			Ex 4	LIH6 AB0 IV	8	LIH6 AB0 SBE III	C/-	C/-	A/-	G/A	A01
			Ex 3	LIH6 AB0 VI	10,1	LIH6 AB0 SBE V	C/-	C/(T)	A/-	G/A	A01
			Ex 4	LIH6 AB0 VI	10,1	LIH6 AB0 SBE V	C/-	C/-	A/-	G/A	A01
Genotyp						C/C	C/-	A/-	G/A	A01	
DO RG/FK 1076 (M1)	DO 1076	Femur li.	A	LIH6 AB0 II	5	LIH6 AB0 SBE I	C/-	C/-	A/-	G/A	A01
			B	LIH6 AB0 III	10,1	LIH6 AB0 SBE II	C/-	C/-	A/-	G/A	A01
			A	LIH6 AB0 IV	5	LIH6 AB0 SBE III	C/-	C/-	-/-	-/-	
			B	LIH6 AB0 IV	8	LIH6 AB0 SBE III	C/-	C/-	A/-	G/A	A01
			A	LIH6 AB0 VI	10,1	LIH6 AB0 SBE V	C/-	C/-	(G/A)	G/A	A01v
Genotyp						C/C	C/C	A/-	G/A	A(01)	
DO FK/RG/BS 1078 (F13)	DO 1044	Femur li.	Ex 8	LIH6 AB0 II	8	LIH6 AB0 SBE I	-/-	-/-	A/-	G/-	AA
			Ex 9	LIH6 AB0 III	10,1	LIH6 AB0 SBE II	-/-	-/-	A/-	G/-	AA
			Ex 8	LIH6 AB0 IV	10,1	LIH6 AB0 SBE III	-/-	-/-	A/-	G/-	AA
			Ex 9	LIH6 AB0 IV	10,1	LIH6 AB0 SBE III	C/-	C/-	A/-	G/-	AA
			Ex 8	LIH6 AB0 VI	10,1	LIH6 AB0 SBE V	C/-	C/-	A/-	G/-	AA
			Ex 9	LIH6 AB0 VII	10,1	LIH6 AB0 SBE VI	C/-	C/-	A/-	G/-	AA
Genotyp						C/C	C/C	A/A	G/G	AA	
DO BS 1102 (M2)	DO 1102	Femur li.	B	LIH6 AB0 II	5	LIH6 AB0 SBE I	-/-	-/-	A/-	G/-	AA
			Ex 1 M2	LIH6 AB0 V	10,1	LIH6 AB0 SBE IV	-/-	-/-	A/-	G/-	AA
			B	LIH6 AB0 V	10,1	LIH6 AB0 SBE IV	C/-	C/-	A/-	G/-	AA
			Ex 1 M2	LIH6 AB0 VI	10,1	LIH6 AB0 SBE V	C/-	C/-	-/-	-/-	
			Ex 2	LIH6 AB0 VI	10,1	LIH6 AB0 SBE V	C/-	C/-	A/-	G/-	AA
Genotyp						C/C	C/C	A/A	G/G	AA	
DO BS/RG 1103 (F14)	DO 1103	Femur li.	Ex 2	LIH6 AB0 II	8	LIH6 AB0 SBE I	C/-	C/-	G/A	G/A	A01v
			Ex 3	LIH6 AB0 III	8	LIH6 AB0 SBE II	-/-	-/-	A/-	G/-	(AA)
			Ex 2	LIH6 AB0 V	10,1	LIH6 AB0 SBE IV	-/-	-/-	G/-	A/-	01v01v
			Ex 3	LIH6 AB0 V	10,1	LIH6 AB0 SBE IV	C/-	C/-	G/A	G/A	A01v
			Ex 2	LIH6 AB0 VI	10,1	LIH6 AB0 SBE V	C/-	C/-	G/A	G/A	A01v
			Ex 3	LIH6 AB0 VI	10,1	LIH6 AB0 SBE V	C/-	C/-	G/A	G/A	A01v
Genotyp						C/C	C/C	G/A	G/A	A01v	
DO BS/RG 1176 (F18)	DO 199	Femur li.	Ex 2	LIH6 AB0 II	6	LIH6 AB0 SBE I	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
			Ex 3	LIH6 AB0 III	8	LIH6 AB0 SBE II	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
			Ex 2	LIH6 AB0 IV	10,1	LIH6 AB0 SBE III	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
			Ex 3	LIH6 AB0 IV	10,1	LIH6 AB0 SBE III	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
Genotyp						C/C	C/C	A/A	A/A	0101	

Fortsetzung Tabelle 45 (2/2): Einzeltypisierungsergebnisse zur AB0-Blutgruppen-Bestimmung

Individuum	FundNr	Element	Extrakt	PCR #	µl	SBE #	802	796	297	261	Blutgruppe
DO BS/RG/FK 1247 (F7)	DO 1206.01	Femur li.	Ex 8	LIH6 AB0 II	6	LIH6 AB0 SBE I	C/-	C/-	-/-	-/-	
			Ex 1	LIH6 AB0 V	10,1	LIH6 AB0 SBE IV	-/-	-/-	-/-	-/-	
			Ex 8	LIH6 AB0 V	10,1	LIH6 AB0 SBE IV	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
			Genotyp								
							C/-	C/-	(A)/-	(A)/-	(0101)
DO RG/BS/DS 1482 (M3)	DO 1911	Femur li.	Ex 2	LIH6 AB0 II	8	LIH6 AB0 SBE I	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
			Ex 3	LIH6 AB0 III	8	LIH6 AB0 SBE II	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
			Ex 2	LIH6 AB0 V	8	LIH6 AB0 SBE IV	C/-	C/-	(G)/A	A/-	0101v
			Ex 3	LIH6 AB0 V	8	LIH6 AB0 SBE IV	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
			Ex 2	LIH6 AB0 VI	6,7	LIH6 AB0 SBE V	C/-	C/-	A/A	A/A	0101
Genotyp											
							C/C	C/C	A/A	A/A	0101
DO RG/BS 1500 (F2)	DO 1827.01	Femur re.	Ex 2	LIH6 AB0 II	5	LIH6 AB0 SBE I	C/-	C/A	G/A	G/A	B01
			Ex 3	LIH6 AB0 V	5	LIH6 AB0 SBE IV	-/-	-/-	G/-	A/-	01v01v
			Genotyp								
							C/-	C/(A)	G/(A)	(G)/A	(B01)
DO HS/GK 1585.03 (F19)	DO 1585.03	Humerus re.	Ex 1	LIH6 AB0 II	8	LIH6 AB0 SBE I	C/T	C/-	G/(A)	G/A	(0102)
			Ex 2	LIH6 AB0 III	10,1	LIH6 AB0 SBE II	(C)/T	C/-	G/-	G/-	(0202)
			Ex 1	LIH6 AB0 VII	10,1	LIH6 AB0 SBE VI	C/T	C/-	G/-	G/A	01v02
			Ex 2	LIH6 AB0 VII	10,1	LIH6 AB0 SBE VI	C/T	C/-	G/-	G/A	01v02
Genotyp											
							C/T	C/C	G/G	G/A	01v02
DO RG/BS 1905 (M9)	DO 1917	Humerus re.	Ex 1	LIH6 AB0 II	6	LIH6 AB0 SBE I	-/-	-/-	G/A	G/-	
			Ex 3	LIH6 AB0 III	10,1	LIH6 AB0 SBE II	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
			Ex 3	LIH6 AB0 VI	10,1	LIH6 AB0 SBE V	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
			Ex 4	LIH6 AB0 VII	8	LIH6 AB0 SBE VI	C/-	C/-	A/-	G/A	A01
Genotyp											
							C/C	C/C	(G)/A	G/A	(A01v)
DO BS/FK 2030.01 (M6)	DO 2030.01	Femur li.	Ex 1	LIH6 AB0 II	5	LIH6 AB0 SBE I	C/-	C/-	(G)/A	G/A	(A01v)
			Ex 2	LIH6 AB0 V	8	LIH6 AB0 SBE IV	C/-	C/-	A/-	G/A	A01
			Ex 1	LIH6 AB0 VI	8	LIH6 AB0 SBE V	C/-	C/-	A/-	G/A	A01
			Ex 2	LIH6 AB0 VI	8	LIH6 AB0 SBE V	C/-	C/-	A/-	G/A	A01
Genotyp											
							C/C	C/C	A/A	G/A	A01
DO GK/HS/RG 2588 (F15)	DO 2588	Tibia re.	Ex 4	LIH6 AB0 II	5	LIH6 AB0 SBE I	-/-	-/-	-/-	-/-	
			Ex 4	LIH6 AB0 III	10,1	LIH6 AB0 SBE II	C/T	C/-	G/-	G/A	01v02
			Ex 3	LIH6 AB0 V	10,1	LIH6 AB0 SBE IV	C/T	C/-	G/-	G/A	01v02
			Ex 3/4	LIH6 AB0 VII	10,1	LIH6 AB0 SBE VI	C/T	C/-	G/-	G/A	01v02
			Ex 4	LIH6 AB0 VII	10,1	LIH6 AB0 SBE VI	C/T	C/-	G/-	G/A	01v02
Genotyp											
							C/T	C/C	G/G	G/A	01v02
DO BS 3695 (F4)	DO 4013	Humerus re.	Ex 2	LIH6 AB0 II	8	LIH6 AB0 SBE I	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
			Ex 3	LIH6 AB0 V	10,1	LIH6 AB0 SBE IV	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
			Ex 2	LIH6 AB0 VI	10,1	LIH6 AB0 SBE V	C/-	C/-	G/A	A/-	0101v
			Ex 3	LIH6 AB0 VI	6,59	LIH6 AB0 SBE V	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
Genotyp											
							C/C	C/C	(G)/A	A/A	01(01v)
DO BS 3706 (F5/F11)	DO 3756	Femur li.	A	LIH6 AB0 II	6	LIH6 AB0 SBE I	C/-	C/-	G/A	A/-	0101v
			A	LIH6 AB0 III	8	LIH6 AB0 SBE II	C/-	C/-	A/-	(G)/A	(0101), (A01)
			Ex 5	LIH6 AB0 V	8	LIH6 AB0 SBE IV	C/(T)	C/-	G/A	A/-	
			A	LIH6 AB0 V	10,1	LIH6 AB0 SBE IV	C/-	C/-	G/A	A/-	0101v
			Ex 5	LIH6 AB0 VII	10,1	LIH6 AB0 SBE VI	C/-	C/-	G/A	A/-	0101v
Genotyp											
							C/C	C/C	G/A	A/A	0101v
DO BS/FK 3742 (F9)	DO 3742	Femur li.	Ex 1	LIH6 AB0 II	5	LIH6 AB0 SBE I	C/-	C/-	G/A	G/A	A01v
			Ex 2	LIH6 AB0 III	8	LIH6 AB0 SBE II	C/-	C/-	A/-	G/(A)	(AA), (A01)
			Ex 1	LIH6 AB0 V	8	LIH6 AB0 SBE IV	C/-	C/-	G/A	G/A	A01v
			Ex 2	LIH6 AB0 V	10,1	LIH6 AB0 SBE IV	C/-	C/-	G/A	G/A	A01v
			Ex 2	LIH6 AB0 VI	10,1	LIH6 AB0 SBE V	C/-	C/-	G/A	G/A	A01v
Genotyp											
							C/C	C/C	G/A	G/A	A01v
DO BS/RG 3748 (F8)	DO 3635	Femur re.	Ex 4	LIH6 AB0 II	6	LIH6 AB0 SBE I	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
			Ex 5	LIH6 AB0 III	8	LIH6 AB0 SBE II	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
			Ex 3 /I	LIH6 AB0 VII	10,1	LIH6 AB0 SBE VI	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
			Ex 5	LIH6 AB0 VII	8	LIH6 AB0 SBE VI	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
Genotyp											
							C/C	C/C	A/A	A/A	0101
DO BS 5517 (F6)	DO 3994	Humerus li.	Ex 3	LIH6 AB0 II	5	LIH6 AB0 SBE I	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
			Ex 4	LIH6 AB0 III	8	LIH6 AB0 SBE II	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
			Ex 3	LIH6 AB0 VII	5	LIH6 AB0 SBE VI	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
			Ex 4	LIH6 AB0 VII	5	LIH6 AB0 SBE VI	C/-	C/-	A/-	A/-	0101
Genotyp											
							C/C	C/C	A/A	A/A	0101

Tabelle 46 (1/2): Einzeltypisierungsergebnisse zur Augenfarben-Bestimmung

Individuum	Element	Extrakt	PCR #	µl	180	168	122	129	139	128	Blue	Intermediate	Brown
DO FK/RG/BS 38 (F1)	DO 39	Ti re	Ex 4	IP 1	6	C/-	G/-	A/-	C/-	C/-	T/-		
			Ex 6	IP 1	7	C/-	G/-	(G)/A	C/-	C/-	T/-		
			Ex 5	IP 6	7	C/-	G/-	G/A	C/-	C/-	G/T		
			Ex 6	IP 6	5	C/-	G/-	G/A	C/-	C/-	G/T		
Genotyp					C/C	G/G	G/A	C/C	C/C	G/T	0,9315	0,04985	0,01867
DO RG/FK 57.02 (M17/M19)	DO 57.02	Fe li	Ex 17	IP 1	8	(C)-	G/-	G/-	C/T	C/-	G/T		
			Ex 18	IP 1	7	C/-	G/-	G/-	C/T	C/-	G/T		
			Ex 17	IP 6	7	C/-	G/-	G/-	C/T	C/-	G/T		
			Ex 18	IP 6	7	C/-	G/-	G/-	C/T	C/-	G/T		
Genotyp					C/C	G/G	G/G	C/T	C/C	G/T	0,1511	0,1317	0,7173
DO RG/FK 58.03 (M13)	DO 58.03	Fe li	Ex 1	IP 1	7	-/-	G/-	G/-	C/T	C/-	T/-		
			Ex 3	IP 1	6	C/-	G/-	G/-	C/T	C/T	T/-		
				IP 6	6	C/T	G/-	G/-	C/T	C/T	T/-		
			Ex 5	IP 9a	5	C/T	G/-	G/-	C/T	C/T	T/-		
Genotyp					C/T	G/G	G/G	C/T	C/T	T/T	0,5032	0,2106	0,2862
DO FK/RG/HS/BS 901.01 (M18/F16)	DO 901.01	Fe li	Ex 6	IP 1	5	C/-	G/-	G/-	C/-	C/-	G/-		
			Ex 7	IP 1	5	C/-	G/-	G/-	C/-	C/-	G/-		
			Ex 6	IP 6	4	C/-	G/-	G/-	C/-	C/-	G/-		
			Ex 7	IP 6	4	C/-	G/-	G/-	C/-	C/-	G/-		
Genotyp					C/C	G/G	G/G	C/C	C/C	G/G	0,8788	0,06716	0,054
DO FK/RG/HS 902.01 (M10)	DO 902.01	Fe li	T	IP 1	8	-/-	G/-	A/-	-/-	C/-	-/-		
			K	IP 1	8	C/-	G/-	G/A	C/T	C/-	T/-		
			T/Ex 4	IP 6	9,5	C/-	G/-	G/A	C/T	C/-	T/-		
			Ex 5	IP 6	5	C/-	G/-	G/A	C/T	C/-	T/-		
Genotyp					C/C	G/G	G/A	C/T	C/C	T/T	0,3165	0,1933	0,4902
DO RG/FK 1076 (M1)	DO 1076	Fe li	A	IP 2	8	C/T	G/A	G/A	C/T	C/-	G/A		
			A	IP 6	7	C/T	G/-	G/-	C/T	C/-	G/-		
			Ex 3	IP 6	7	T/-	-/-	-/-	T/-	C/-	-/-		
			a	IP 9	9	C/T	G/-	G/-	C/T	C/-	G/-		
Genotyp					C/T	G/-	G/-	C/T	C/C	G/-	0,2098	0,2587	0,5315
DO RG/FK/BS 1078 (F13)	DO 1044	Fe li	Ex 8	IP 2	7	T/-	G/-	G/-	T/-	C/-	G/-		
			Ex 9	IP 2	7	-/-	-/-	G/-	C/T	-/-	G/-		
			Ex 11	IP 7	9,5	T/-	-/-	G/-	C/T	C/-	G/-		
			Ex 10	IP 7	7	C/T	G/-	G/-	C/T	C/-	G/-		
Genotyp					C/T	G/G	G/G	C/T	C/C	G/G	0,2098	0,2587	0,5315
DO BS 1102 (M2)	DO 3670	Hu li	Ex 2	IP 2	9,5	-/-	-/-	-/-	-/-	-/-	-/-		
			Ex 3	IP 2	9,5	C/T	G/-	G/A	C/T	C/-	G/T		
			Ex 3	IP 7	9,5	C/T	G/-	G/A	T/-	C/-	G/T		
			Ex 4/5	IP 7	8	C/T	G/-	G/A	C/T	C/-	G/-		
Genotyp					C/T	G/G	G/A	C/T	C/C	G/T	0,3718	0,3211	0,3072
DO BS/RG 1103 (F14)	DO 1103	Fe li	Ex 1	IP 2	8	(C)-	G/-	-/-	C/T	C/-	G/-		
			Ex 2	IP 2	7	C/-	-/-	G/-	C(T)	C/-	G/A		
			Ex 1/3	IP 7	9,5	C/T	G/-	G/-	T/-	C/-	G/-		
			Ex 2/4	IP 7	9,5	C/T	G/-	G/-	C/T	C/-	G/-		
Genotyp					C/T	G/G	G/G	C/T	C/C	G/-	0,2098	0,2587	0,5315
DO BS/RG 1176 (F18)	DO 199	Fe li	A	IP 2	9,5	-/-	G/-	-/-	-/-	-/-	-/-		
			B	IP 2	9,5	'-/-	'-/-	G/-	'-/-	'-/-	'-/-		
			Ex 11	IP 7	9,5	'-/-	'-/-	'-/-	C/-	C/-	'-/-		
			Ex 4	IP 7	9,5	'-/-	'-/-	G/-	'-/-	C/-	G/-		
Genotyp					C/C	G/G	G(A)	C/-	C/C	G/G	0,8788	0,06716	0,054
DO BS/RG/FK 1247 (F7)	DO 6495	Hu re	Ex 1	IP 2	9,5	-/-	G/-	-/-	C/-	-/-	-/-		
			Ex 3	IP 2	7	C/-	G/-	G/-	C/-	C/T	G/T		
			Ex 3	IP 7	6	C/-	G/-	G/A	C(T)	C/T	G/T		
			Ex 4	IP 7	6	C/-	G/-	G/-	C/-	C/T	T/-		
Genotyp					C/C	G/G	G/-	C/T	C/T	G/T	0,9399	0,3816	0,02193
DO RG/BS/DS 1482 (M3)	DO 1911	Fe li	Ex 3	IP T1	6	C/-	G/-	G/A	C/T	C/-	G/T		
			Ex 4	IP T1	6	C/-	G/-	G/A	C/T	C/-	G/T		
			Ex 3	IP 3	6	C/-	G/-	G/A	C/T	C/-	G/T		
			Ex 4	IP 3	6	C/-	G/-	G/A	C/T	C/-	G/T		
Genotyp					C/C	G/G	G/A	C/T	C/C	G/T	0,2186	0,209	0,5724
DO RG/BS 1500 (F2)	DO 1827.01	Fe re	Ex 18	IP 3	4	C/-	G/C	G/A	C/-	C/-	G/T		
			Ex 19	IP 3	4	C/-	G/C	G/A	C/-	C/-	G/T		
			Ex 18	IP 7	3	C/-	C/-	G/A	C/-	C/-	G/T		
			Ex 19	IP 7	3	C/-	G/C	G/A	C/-	C/-	G/T		
Genotyp					C/C	G/C	G/A	C/C	C/C	G/T	0,9902	0,005518	0,004315
DO HS/GK 1585.03 (F19)	DO 1585.03	Hu re	Ex 1	IP 4	7	C/-	G/-	G/-	C(T)	C(T)	G/T		
			Ex 2	IP 4	7	C/-	G/-	-/-	C/-	C/-	G/T		
			Ex 1	IP 9	6	C/-	G/-	G/-	C/-	C/-	G/T		
			Ex 2	IP 9	6	C/-	G/-	G/-	C/-	C/-	T/-		
Genotyp					C/C	G/G	G/G	C/-	C/-	G/T	0,9215	0,04498	0,03349

Fortsetzung Tabelle 46 (2/2): Einzeltypisierungsergebnisse zur Augenfarben-Bestimmung

Individuum		Element	Extrakt	PCR #	µl	180	168	122	129	139	128	Blue	Intermediate	Brown
DO RG/BS 1905 (M9)	DO 1917	Hu re	Ex 3	IP 3	5	C/-	G/-	G/-	C/T	C/-	G/T			
			Ex 4	IP 3	5	C/(T)	G/-	G/-	C/T	C/-	G/T			
			Ex 3	IP 8	4	C/-	G/-	G/-	C/T	C/-	G/T			
			Ex 4	IP 8	4	C/-	G/-	G/-	C/T	C/-	G/T			
Genotyp					C/-	G/G	G/G	C/T	C/C	G/T	0,1511	0,1317	0,7173	
DO BS/FK 2030.01 (M6)	DO 2030.01	Fe li	A	IP 3	9,5	C/-	G/-	G/A	C/T	C/-	T/-			
			Ex 1	IP 3	5	C/-	G/-	G/A	C/T	C/-	T/-			
			A	IP 8	7	C/-	G/-	G/A	C/T	C/(T)	T/-			
			Ex 3/B	IP 8	7	C/-	-/-	G/A	C/-	C/-	(T)-			
Genotyp					C/C	G/G	G/A	C/T	C/-	T/T	0,3165	0,1933	0,4902	
DO GK/HS/RG 2588 (F15)	DO 2588	Ti re	Ex 4	IP 4	6	(C)-	G/C	G/-	C/-	C/-	G/T			
			Ex 5	IP 4	6	C/-	G/C	G/-	C/(T)	C/(T)	G/T			
			Ex 5	IP 9	5	C/-	G/C	G/(A)	C/(T)	C/(T)	G/T			
			Ex 6	IP 9	5	C/-	G/C	G/(A)	C/(T)	C/(T)	G/T			
Genotyp					C/C	G/C	G/(A)	C/(T)	C/(T)	G/T	0,9872	0,005018	0,007801	
DO BS 3706 (F5/F11)	DO 3706	Calv	Ex IV	IP T1	6	C/(T)	G/-	G/-	T/-	C/T	G/T			
			Ex V	IP T1	6	C/-	G/-	G/-	T/-	C/T	G/T			
			Ex IV	IP T1_2	6	(C)/(T)	(G)-	(G)-	(T)-	(C)/(T)	(G)/(T)			
			Ex V	IP T1_2	6	C/-	G/-	G/-	T/-	C/T	G/T			
			Ex IV	IP 5	8	C/(T)	G/-	G/-	T/-	C/T	G/T			
	DO 3756	Fe li	A	IP 3	9,5	C/T	G/-	G/-	T/-	C/T	G/T			
			Ex 5	IP 3	6	C/T	G/-	G/-	T/-	C/T	G/T			
			A	IP 8	7	T/-	G/-	G/-	T/-	C/T	G/T			
			Ex 6	IP 8	4	C/T	G/-	G/-	T/-	C/T	G/T			
			Genotyp					C/T	G/G	G/G	T/T	C/T	G/T	0,007226
DO BS/FK 3714	DO 3714	Hu li	Ex 1	IP 3	9,5	C/-	-/-	-/-	T/-	C/-	G/T			
			Ex 5	IP 3	6	C/-	G/-	G/-	C/T	C/(T)	G/T			
			Ex 5	IP 8	5	C/-	G/-	G/-	C/T	C/-	G/T			
			Ex 4/6	IP 8	5	-/-	G/-	G/-	C/T	C/-	G/T			
			Ex 7	IP 9	4	C/T	G/-	G/-	C/T	C/-	G/T			
Genotyp					C/(T)	G/G	G/G	C/T	C/-	G/T	0,3044	0,2397	0,4559	
DO BS/FK 3742 (F9)	DO 3742	Fe li	Ex 2	IP 3	6	C/-	G/-	G/-	C/T	C/-	G/-			
			Ex 3	IP 3	6	C/-	G/-	G/-	C/T	C/(T)	G/-			
			A	IP 8	7	-/-	G/-	G/-	T/-	C/-	G/-			
			Ex 3	IP 8	5	C/-	G/-	G/-	C/T	C/-	G/-			
Genotyp					C/C	G/G	G/G	C/T	C/-	G/G	0,09621	0,1313	0,7725	
DO BS/RG 3748 (F8)	DO 5521	Hu re	Ex 1	IP 4	9,5	C/-	-/-	A/-	C/T	C/T	T/-			
			Ex 2	IP 4	7	(C)-	G/-	G/A	C/T	C/T	T/-			
			Ex 2/4	IP 9	8	C/-	G/-	G/A	C/T	C/T	T/-			
			Ex 5	IP 9	7	C/-	G/-	G/A	C/T	C/T	G/T			
Genotyp					C/C	G/G	G/A	C/T	C/T	(G)/T	0,2876	0,2287	0,4836	
DO BS/FK 4008 (M5)	DO 2096	Ti re	Ex 1	IP 4	7	C/(T)	G/-	G/-	C/-	C/T	T/-			
			Ex 3	IP 4	7	C/-	G/-	G/-	C/-	C/T	T/-			
			Ex 1	IP 8	6	C/-	G/-	G/-	C/-	C/T	T/-			
			Ex 4	IP 8	6	C/-	G/-	G/-	C/-	C/T	T/-			
Genotyp					C/-	G/G	G/G	C/C	C/T	T/T	0,9618	0,02494	0,01327	
DO BS 5517 (F6)	DO 3710	Hu re	Ex 2	IP 4	5	C/T	G/-	G/A	T/-	C/-	G/-			
			Ex 3	IP 4	5	(C)/(T)	G/-	G/A	T/-	C/-	G/-			
			Ex 2	IP 9	5	C/T	G/-	G/A	T/-	C/-	G/-			
			Ex 3	IP 9	5	C/T	G/-	G/A	T/-	C/-	G/-			
			Ex 3	IP 9	5	C/T	G/-	G/A	T/-	C/-	G/-			
	DO 3750	Fe li	Ex 4	IP T1	6	C/(T)	G/-	G/A	T/-	C/-	G/-			
			Ex 5	IP T1	6	C/-	G/-	G/-	T/-	C/-	G/-			
			Ex 4	IP T1_2	6	C/T	G/-	G/A	T/-	C/-	G/-			
			Ex 5	IP T1_2	6	(C)-	(G)-	(G)-	(T)-	(C)-	(G)-			
			Ex 4	IP 5	6	C/T	G/-	G/A	T/-	C/-	G/-			
Ex 5	IP 5	8	T/-	-/-	-/-	T/-	C/-	G/-						
Genotyp					C/T	G/G	G/A	T/T	C/C	G/G	0,004814	0,1163	0,8789	

Tabelle 48: Einzeltypisierungsergebnisse zur Bestimmung des Δ F508-Genotypen im Zusammenhang mit der Krankheit Cystische Fibrose

Individuum	FundNr	Element	Extrakt	PCR #	Δ F508
DO FK/HS/RG 35 (M4)	DO 900.03	Calv	IIIa	2	-/-
			II	3	wt/-
			IIIb	6	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO FK/RG/BS 38 (F1)	DO 152	Calv	I	3	wt/-
			II	4	wt/-
			II	6	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO RG/FK 58.03 (M13)	DO 58.03	Fe li	II	4	wt/-
			II	6	wt/-
			II	7	-/-
			II	8	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO RG/FK/KS 58.08 (M7)	DO 910.01	Calv	II	2	wt/-
			II	3	wt/-
			II	7	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO RG/FK 67.03 (F10/F17)	DO 300.01	Fe li	II	5	-/-
			II	6	-/-
			II	7	-/-
			II	8	wt/-
	DO 1046	Calv	I	2	wt/-
			II	3	wt/-
			II	4	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO RG/GK/BS 183.01 (M11)	DO 183.01	Fe li	III	3	-/-
			III	4	-/-
			III	5	wt/-
			III	6	-/-
Genotyp					wt/-
DO FK/RG/HS/BS 901.01 (M18/F16)	DO R 2	Calv	IV b	3	wt/-
			IV a	4	-/-
			IV a	6	wt/-
			IV b	7	wt/-
			IV b	8	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO FK/RG/HS 902.01 (M10)	DO 902.01	Fe li	III	5	wt/-
			III	6	wt/-
			III	7	-/-
			III	8	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO FK/RG 905.01 (M14)	DO 918.01	Calv	I	3	wt/-
			III	4	wt/-
			IV	5	wt/-
			IV	6	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO RG/FK 1076 (M1)	DO 1485	Calv	I	2	wt/-
			III	3	wt/-
Genotyp					wt/wt

Individuum	FundNr	Element	Extrakt	PCR #	Δ F508
DO RG/FK/BS 1078 (F13)	DO 1078	Mand	I	2	wt/-
			II	3	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO BS 1102 (M2)	DO 3644	Mand	I	3	wt/-
			II	5	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO BS/GS 1103 (F14)	DO 4309	Mand	II	2	wt/-
			I	3	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO BS/BS 1176 (F18)	DO 1176	Calv	II	2	wt/-
			III	3	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO BS/BS/BS 1247 (F7)	DO 65.06	Calv	I	3	wt/-
			II	4	-/-
			II	6	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO RG/BS/DS 1482 (M3)	DO 1482	Mand	I	2	wt/-
			III	3	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO RG/BS 1500 (F2)	DO 1500	Fe li	III	5	wt/-
			III	7	wt/-
			III	8	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO HS/GK 1585.03 (F19)	DO 1585.04	Calc li	II	2	wt/-
			III	3	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO RG/BS 1905 (M9)	DO 1473	Calv	II	2	wt/-
			I	3	wt/-
	DO 2749	Mand	I	2	wt/-
			III	3	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO BS/FK 2030.01 (M6)	DO R 3	Calv	II	2	-/-
			II	3	wt/-
			II	4	-/-
	DO 447	Ti re	I	8	-/-
Genotyp					wt/-
DO BS 2263 (M15)	DO 2263	Mand	III	4	wt/-
			II	6	wt/-
			III	8	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO GK/HS/BS 2588 (F15)	DO 2589	Mand	I	3	wt/-
			I	3	wt/-
			I	4	wt/-
			II	6	wt/-
			I	7	wt/-
Genotyp					wt/wt

Individuum	FundNr	Element	Extrakt	PCR #	Δ F508
DO BS 3628 (F3)	DO 1746.06	Calv	III	3	wt/-
			III	4	wt/-
			III	5	wt/-
			III	7	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO BS 3695 (F4)	DO 4078	Mand	I	2	wt/-
			II	3	wt/-
	DO 5516	Calv	I	2	wt/-
			II	3	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO BS 3706 (F5/F11)	DO 3713	Mand	IV	5	(Δ F508)/wt
			IV	6	-/-
			IV	7	-/-
			III	8	-/-
	DO 3706	Calv	II	2	wt/-
			III	3	wt/-
Genotyp					wt/-
DO BS/FK 3742 (F9)	DO 3705	Calv	III	2	-/-
			IV	3	wt/-
	DO 3746	Mand	III	2	wt/-
			III	3	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO BS/BS 3748 (F8)	DO 3631	Calv	III	2	wt/-
			II	3	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO BS 3757 (M8)	DO 3757	Calv	II	2	wt/-
			II	3	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO BS 3886 (M16)	DO 3886	pp	II	3	wt/-
			III	4	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO BS/FK 4008 (M5)	DO 908	Calv	II	2	wt/-
			I	3	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO BS 5517 (F6)	DO 3709	Mand	I	2	wt/-
			III	3	wt/-
	DO 5517	Calv	IIIb	2	wt/-
			IIIc	3	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO E 33 (M12)	DO E 33	Mand	III	3	-/-
			III	4	-/-
			IV	5	wt/-
			IV	6	wt/-
Genotyp					wt/wt
DO RG/FK R 1 (F12)	DO R 1	Calv	I	2	-/-
			I	3	wt/-
			I	4	-/-
			II	6	wt/-
			I	7	wt/-
Genotyp					wt/wt

Tabelle 49: Einzeltypisierungsergebnisse des VNTRs im Dopamin Rezeptor D4 (DRD4) Gen

Individuum	FundNr	Element	Extrakt	PCR #	VNTR	Kontrollfragment
DO FK/RG/HS/BS 901.01 (M18/F16)	DO 901.01	Femur li.	Ex 6	DRD4 1	4/-	-
			Ex 6	DRD4 2	-	-
			Ex 7	DRD4 1	4/-	X
			Ex 7	DRD4 2	4/7	-
Genotyp					4/(7)	
DO FK/RG/HS 902.01 (M10)	DO 480.01	Mandibula	Ex 4	DRD4 1	2/-	X
			Ex 4	DRD4 2	2/-	-
			Ex 5	DRD4 1	2/-	X
			Ex 5	DRD4 2	2/-	-
Genotyp					2/-	
DO RG/FK 1076 (M1)	DO 201	Tibia re.	Ex 1	DRD4 1	4/-	X
			Ex 1	DRD4 2	4/-	-
			Ex 2	DRD4 1	4/-	X
			Ex 2	DRD4 2	4/-	-
Genotyp					4/-	
DO BS/RG 1176 (F18)	DO 2133	Mandibula	Ex 5	DRD4 1	4/-	-
			Ex 5	DRD4 2	-	-
			Ex 6	DRD4 1	(2)/4	X
			Ex 6	DRD4 2	(2)/4	X
Genotyp					2/4	
DO BS/RG/FK 1247 (F7)	DO 6495	Humerus re.	Ex 3	DRD4 1	4/-	-
			Ex 3	DRD4 2	4/-	X
			Ex 4	DRD4 1	4/-	-
			Ex 4	DRD4 2	4/-	-
Genotyp					4/-	
DO RG/BS/DS 1482 (M3)	DO 1911	Femur li.	Ex 12/5	DRD4 1	4/-	X
			Ex 5	DRD4 2	4/-	-
			Ex 10	DRD4 1	4/-	X
			Ex 10	DRD4 2	4/-	X
Genotyp					4/-	
DO BS/RG/FK/HS 3886 (M16)	DO 3886	Pars petrosum	M16	DRD4 1	4/-	X
			M16	DRD4 2	(3)/4	X
			Ex 1	DRD4 1	4/-	X
			Ex I/II	DRD4 2	3/4	X
Genotyp					3/4	

Fortsetzung Tabelle 50 (2/2): Einzeltypisierungsergebnisse zur Haarfarben-Bestimmung

Individuum	FundNr	Element	Extrakt	PCR #	µl	SBE #	005 f	007 f	008 r	350 r	399 f	777 r	832 r	982 r	Haarfarbe
DO RG/BS 1905 (M9)	DO 1917	Hu re	Ex 1/3	HP 4 PCR	9	HP SBE 2	G/-	C/-	G/-	C/-	G/T	T/-	C/T	C/-	
			Ex 4	HP 4 PCR	7	HP SBE 2	G/-	C/-	G/-	C/-	G/T	T/-	C/T	C/-	
			Ex 3	HP 7 PCR	7	HP SBE 3	G/T	C/-	G/-	C/-	G/T	T/-	C/T	C/-	
			Ex 4	HP 7 PCR	5	HP SBE 3	G/T	C/-	G/-	C/-	G/T	T/-	C/T	C/-	
Genotyp						G/T	C/C	G/G	C/C	G/T	T/T	C/T	C/C	dunkelblond	
DO BS/FK 2030.01 (M6)	DO 2030.01	Fe li	Ex 1	HP 4 PCR	5	HP SBE 2	G/-	C/-	G/-	C/-	T/-	T/-	C/T	C/-	
			Ex 2/B	HP 4 PCR	5	HP SBE 2	G/-	C/-	G/-	C/-	T/-	T/-	C/T	C/-	
			Ex B	HP 7 PCR	4	HP SBE 3	G/-	-	-	-	T/-	-	-	-	
			Ex 3	HP 7 PCR	4	HP SBE 3	G/-	C/-	G/-	C/-	T/-	T/-	C/T	C/-	
Genotyp						G/G	C/C	G/G	C/C	T/T	T/T	C/T	C/C	blond	
DO GK/HS/RG 2588 (F15)	DO 2588	Ti re	Ex 5	HP 5 PCR	7	HP SBE 2	G/-	C/-	G/-	C/-	G/T	G/T	C/-	G/C	
			Ex 6	HP 5 PCR	5	HP SBE 2	G/-	C/-	G/-	C/-	G/T	G/T	C/-	G/C	
			Ex 5	HP 8 PCR	5	HP SBE 4	G/-	C/T	G/-	C/-	G/T	G/T	C/-	G/C	
			Ex 6	HP 8 PCR	5	HP SBE 4	G/-	C/-	G/-	C/-	G/T	G/T	C/T	G/C	
			Ex 7				G/-	C/-	G/-	C/(T)	G/T	G/T	C/-	G/C	
			Ex 7				G/-	C/T	G/-	C/-	G/T	G/T	C/-	G/C	
			Genotyp						G/G	C/T	G/G	C/-	G/T	G/T	C/C
DO BS 3706 (F5/F11)	DO 3756	Fe li	Ex 6	HP 5 PCR	5	HP SBE 2	G/-	C/-	G/-	C/T	G/T	T/-	T/-	C/-	
			Ex 7	HP 5 PCR	5	HP SBE 2	G/-	C/-	G/-	C/T	G/T	T/-	T/-	C/-	
			Ex 6	HP 8 PCR	4	HP SBE 4	G/-	C/-	G/-	C/T	G/T	T/-	T/-	C/-	
			Ex 7	HP 8 PCR	4	HP SBE 4	G/-	C/-	G/-	C/T	G/T	T/-	T/-	C/-	
Genotyp						G/G	C/C	G/G	C/T	G/T	T/T	T/T	C/C	hellbraun	
DO BS/FK 3714	DO 3714	Hu li	Ex 5	HP 5 PCR	7	HP SBE 2	G/-	C/-	G/-	C/T	G/T	T/-	C/T	C/-	
			Ex 6	HP 5 PCR	5	HP SBE 2	-	C/-	G/-	C/-	G/T	T/-	C/T	C/-	
			Ex 5	HP 8 PCR	8	HP SBE 4	G/-	C/-	G/-	C/T	G/T	T/-	C/-	C/-	
			Ex 6	HP 8 PCR	8	HP SBE 4	G/-	C/-	G/-	C/T	G/T	T/-	C/T	C/-	
Genotyp						G/G	C/C	G/G	C/T	G/T	T/T	C/T	C/C	hellbraun	
DO BS/FK 3742 (F9)	DO 3742	Fe li	Ex 2/3	HP 5 PCR	7	HP SBE 2	G/-	C/-	G/-	C/-	G/-	T/-	C/T	C/-	
			Ex 3	HP 5 PCR	7	HP SBE 2	G/-	C/-	G/-	C/-	G/-	T/-	C/T	C/-	
			Ex 3	HP 8 PCR	7	HP SBE 4	G/-	C/-	G/A	C/-	G/-	T/-	C/T	C/-	
			Ex 4				G/-	C/-	G/-	C/-	G/-	T/-	C/T	C/-	
			Ex 4				G/-	C/-	G/-	C/-	G/-	T/-	C/T	C/-	
Genotyp						G/G	C/C	G/-	C/C	G/G	T/T	C/T	C/C	dunkel	
DO BS/RG 3748 (F8)	DO 5521	Hu re	Ex 1	HP 5 PCR	9	HP SBE 2	-	C/-	G/-	C/T	T/-	T/-	C/T	C/-	
			Ex 4	HP 5 PCR	7	HP SBE 2	G/T	C/-	G/-	C/T	T/-	T/-	C/T	C/-	
			Ex 2	HP 8 PCR	5	HP SBE 4	G/T	C/-	G/-	C/T	T/-	T/-	C/T	-	
			Ex 4	HP 8 PCR	8	HP SBE 4	G/T	C/-	G/-	C/T	T/-	T/-	C/T	C/-	
Genotyp						G/T	C/C	G/G	C/T	T/T	T/T	C/T	C/C	dunkelblond-braun	
DO BS/FK 4008 (M5)	DO 2096	Ti re	Ex 4	HP 5 PCR	5	HP SBE 2	G/-	C/-	G/-	C/T	T/-	T/-	C/-	C/-	
			Ex 5	HP 5 PCR	5	HP SBE 2	G/-	C/-	G/-	C/T	T/-	T/-	C/-	C/-	
			Ex 4	HP 8 PCR	4	HP SBE 4	G/-	C/-	G/-	C/T	T/-	T/-	C/-	C/-	
			Ex 5	HP 8 PCR	4	HP SBE 4	G/-	C/-	G/-	C/T	T/-	T/-	C/-	C/-	
Genotyp						G/G	C/C	G/G	C/T	T/T	T/T	C/C	C/C	dunkelblond-braun	
DO BS 5517 (F6)	DO 3710	Hu re	Ex 2	HP 5 PCR	7	HP SBE 2	G/-	C/-	G/-	C/-	G/-	T/-	T/-	C/-	
			Ex 3	HP 5 PCR	7	HP SBE 2	G/-	C/-	G/-	C/-	G/-	T/-	T/-	C/-	
			Ex 2	HP 8 PCR	7	HP SBE 4	G/-	C/T	G/-	C/-	G/-	T/-	T/-	C/-	
			Ex 3	HP 8 PCR	7	HP SBE 4	G/-	C/-	G/-	C/-	G/-	T/-	T/-	C/-	
			Ex 3	HP 9 PCR	9	HP SBE 5	G/-	C/-	G/-	C/-	G/-	T/-	T/-	C/-	
Genotyp						G/G	C/-	G/G	C/C	G/G	T/T	T/T	C/C	dunkel	

Tabelle 51: Einzeltypisierungsergebnisse der Marker C282Y und H63D im Zusammenhang mit der Krankheit Hämochromatose

Individuum	FundNr	Element	Extrakt	C282Y	H63D
DO FK/HS/RG 35 (M4)	DO 900.03	Calv	I	G/-	C/-
			IIIb	G/-	C/-
			IIIc	G/-	C/-
Genotyp				G/G	C/C
DO FK/RG/BS 38 (F1)	DO 152	Calv	II	G/-	C/G
			LFS	G/-	C/G
	DO 38	Mand	I	G/-	C/G
Genotyp				G/G	C/G
DO RG/FK 58.03 (M13)	DO 58.03	Fe li	II	G/-	C/-
			a	G/-	C/-
			b 2µl	G/-	C/-
			b 9µl	G/-	C/-
Genotyp				G/G	C/C
DO RG/FK/KS 58.08 (M7)	DO 910.01	Calv	I	G/-	C/-
			IIIb	-/-	-/-
			IIIc	G/-	-/-
	DO 929.02	Calc li	B	G/-	C/-
Genotyp				G/G	C/C
DO RG/FK 67.03 (F10/F17)	DO 300.01	Fe li	a 9µl	G/-	C/G
			b 9µl	G/-	G/-
	DO 1046	Calv	I	G/-	C/-
			a	G/-	C/-
Genotyp				G/G	C/G
DO RG/GK/BS 183.01 (M11)	DO 183.01	Fe li	III	-/-	C/-
Genotyp				-/-	C/-
DO FK/RG/HS/BS 901.01 (M18/F16)	DO R 2	Calv	IV b	-/-	C/-
			IV c	G/-	-/-
			16 a	G/-	C/-
			IV b	G/-	C/-
			IV c	G/-	-/-
Genotyp				G/G	C/C
DO FK/RG/HS 902.01 (M10)	DO 902.01	Fe li	III	-/-	-/-
			Kiste	A/G	C/-
			Kiste	A/G	C/-
Genotyp				A/G	C/C
DO FK/RG 905.01 (M14)	DO 918.01	Calv	III	G/-	C/-
			IV	G/-	C/-
			III (WH)	G/-	-/-
Genotyp				G/G	C/C
DO RG/FK 1076 (M1)	DO 1485	Calv	I	G/-	C/-
	DO 1076	Fe li	a	G/-	-/-
			b	G/-	C/-
Genotyp				G/G	C/-
DO RG/FK/BS 1078 (F13)	DO 1078	Mand	I	G/-	C/-
			III	G/-	C/-
Genotyp				G/G	C/C
DO BS 1102 (M2)	DO 3644	Mand	b	-/-	C/-
			2	G/-	G/-
Genotyp				G/-	C/G

Individuum	FundNr	Element	Extrakt	C282Y	H63D
DO BS/RG 1103 (F14)	DO 4309	Mand	I	G/-	C/-
			II	G/-	C/-
Genotyp				G/G	C/C
DO BS/RG 1176 (F18)	DO 2133	Mand		A/G	C/-
	DO 1176	Calv	I	A/G	C/-
			II	A/G	C/-
Genotyp				A/G	C/C
DO BS/RG/FK 1247 (F7)	DO 65.06	Calv	I	G/-	-/-
			II	G/-	C/-
Genotyp				G/G	C/-
DO RG/BS/DS 1482 (M3)	DO 1482	Mand		G/-	C/-
			IV	G/-	C/-
	DO 1911	Fe li	a	G/-	C/-
			b	G/-	C/-
Genotyp				G/G	C/C
DO RG/BS 1500 (F2)	DO 1500	Fe li	a 9µl	G/-	-/-
			b 9µl	G/-	C/-
	DO 319	Ti re	SC	G/-	-/-
Genotyp				G/G	C/-
DO HS/GK 1585.03 (F19)	DO 1585.04	Calc li	I	G/-	C/-
				G/-	C/-
Genotyp				G/G	C/C
DO RG/BS 1905 (M9)	DO 2749	Mand	I	G/-	C/G
			II	G/-	C/-
			III	-/-	C/-
	DO 1473	Calv	I	G/-	C/-
Genotyp				G/G	C/(G)
DO BS/FK 2030.01 (M6)	DO 2030.01	Fe li	a	G/-	G/-
			b	G/-	G/-
Genotyp				G/G	G/G
DO BS 2263 (M15)	DO 2263	Mand	III	-/-	-/-
Genotyp				-/-	-/-
DO GK/HS/RG 2588 (F15)	DO 2589	Mand	I	G/-	-/-
			SC	G/-	C/-
			I	G/-	-/-
	DO 2588	Ti re	SC	G/-	-/-
Genotyp				G/G	C/-
DO BS 3628 (F3)	DO 1746.06	Calv	1 I	G/-	C/-
			a	G/-	C/G
			1 II	G/-	C/G
Genotyp				G/G	C/G
DO BS 3695 (F4)	DO 5516	Calv	II	G/-	G/-
			III	G/-	C/G
	DO 4078	Mand	I	G/-	C/G
Genotyp				G/G	C/G

Individuum	FundNr	Element	Extrakt	C282Y	H63D
DO BS 3706 (F5/F11)	DO 3706	Calv	I	G/-	G/-
			II	G/-	G/-
			III	G/-	G/-
Genotyp				G/G	G/G
DO BS/FK 3742 (F9)	DO 3705	Calv	I	G/-	-/-
			III	G/-	-/-
			IV	G/-	C/-
	DO 3746	Mand	III	G/-	-/-
			SC	G/-	-/-
	DO 3654	Ti re	SC	G/-	-/-
Genotyp				G/G	C/-
DO BS/RG 3748 (F8)	DO 3631	Calv	III	G/-	C/G
			a 2µl	G/-	C/G
			a 9µl	G/-	C/G
			b 2µl	G/-	C/G
			b 9µl	G/-	G/-
Genotyp				G/G	C/G
DO BS 3886 (M16)	DO 3886	pp	I	G/-	G/-
			II	G/-	G/-
Genotyp				G/G	G/G
DO BS/FK 4008 (M5)	DO 908	Calv	I	G/-	C/-
			II	G/-	C/-
			LFS	G/-	C/-
Genotyp				G/G	C/C
DO BS 5517 (F6)	DO 3709	Mand	I	-/-	C/G
			II	G/-	C/G
			III	G/-	G/-
	DO 5517	Calv	II	-/-	-/-
	DO 4032.01	Calc li	I	G/-	C/G
			II	G/-	-/-
Genotyp				G/G	C/G
DO E 33 (M12)	DO E 33	Mand	IV	-/-	-/-
Genotyp				-/-	-/-
DO RG/FK R 1 (F12)	DO R 1	Calv	I	G/-	C/-
			II 16	G/-	C/-
Genotyp				G/G	C/C

Tabelle 52 (1/5): Einzeltypisierungsergebnisse zur Bestimmung der Genotypen für drei SNPs im IL10-Gen

Individuum	FundNr	Element	Extrakt	Produktlänge [bp]	PCR #	DNA-Menge [µl]	SNP - 1082 A/G	SNP - 819 C/T	SNP - 592 C/A			
DO FK/HS/RG 35 (M4)	DO 35	Fe li	1	339	3 -	10	-/-	-/-	-/-			
				339	9 -	20	-/-	-/-	-/-			
				371	1 -	5	-/-	-/-	-/-			
				371	2 -	10	-/-	-/-	-/-			
				371	5 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	11 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	12 -	20	-/-	-/-	-/-			
				152	13 -	10	-/-	-/-	-/-			
				155	15 -	10	-/-	-/-	-/-			
				193	14 -	10	-/-	-/-	-/-			
				DO 900.03	Calv	2	339	6 -	10	-/-	-/-	-/-
				339			10 -	20	-/-	-/-	-/-	
				371			1 -	5	-/-	-/-	-/-	
				371			2 -	10	-/-	-/-	-/-	
				371			7 -	10	-/-	-/-	-/-	
				406			11 -	10	-/-	-/-	-/-	
				406			12 -	20	-/-	-/-	-/-	
339	16 -	5	-/-	-/-			-/-					
339	21 -	15	-/-	-/-			-/-					
406	17 -	5	-/-	-/-			-/-					
406	22 -	15	-/-	-/-	-/-							
Genotyp							-/-	-/-	-/-			

DO FK/RG/BS 38 (F1)	DO 26	Fe li	1	339	3 -	10	-/-	-/-	-/-			
				339	9 -	20	-/-	-/-	-/-			
				371	1 -	5	-/-	-/-	-/-			
				371	2 +	10	-/-	C/-	C/-			
				371	5 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	11 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	12 -	20	-/-	-/-	-/-			
				152	13 +	10	-/-	C/-	C/-			
				155	15 +	10	-/-	-/-	C/-			
				193	14 +	10	A/G	-/-	-/-			
				406	17 +	10	-/-	C/-	C/-			
				DO 38	Mand	2	339	6 +	10	A/-	C/-	C/-
				371			1 -	5	-/-	-/-	-/-	
				371			2 -	10	-/-	-/-	-/-	
				371			7 +	10	-/-	C/-	C/-	
				406			11 +	10	-/-	C/-	C/-	
				406			12 -	10	-/-	-/-	-/-	
				339			16 +	10	A/G	C/-	C/-	
				406			22 +	10	-/-	-/-	-/-	
				Genotyp						A/G	C/C	C/C

DO RG/FK 57.02 (M17/M19)	DO 57.02	Fe li	1	339	16 -	10	-/-	-/-	-/-			
				339	21 -	5	-/-	-/-	-/-			
				339	21 -	20	-/-	-/-	-/-			
				406	17 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	22 -	5	-/-	-/-	-/-			
				406	22 -	20	-/-	-/-	-/-			
				339	16 -	10	-/-	-/-	-/-			
				339	21 -	5	-/-	-/-	-/-			
				339	21 -	20	-/-	-/-	-/-			
				406	17 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	22 -	5	-/-	-/-	-/-			
				406	22 -	20	-/-	-/-	-/-			
				DO 153.01	Ti re	1	339	3 -	10	-/-	-/-	-/-
				339			9 -	20	-/-	-/-	-/-	
				371			4 -	10	-/-	-/-	-/-	
				371			5 -	10	-/-	-/-	-/-	
				406			11 -	10	-/-	-/-	-/-	
				406			12 -	20	-/-	-/-	-/-	
				339			6 -	10	-/-	-/-	-/-	
				339			10 -	20	-/-	-/-	-/-	
				371			7 -	10	-/-	-/-	-/-	
				406			11 -	10	-/-	-/-	-/-	
				406			12 -	20	-/-	-/-	-/-	
				152			13 -	10	-/-	-/-	-/-	
				155			15 -	10	-/-	-/-	-/-	
				187			24 +	20	-/-	C/-	C/-	
				193			23 +	20	A/-	-/-	-/-	
				339	16 -	5	-/-	-/-	-/-			
				406	17 -	5	-/-	-/-	-/-			
				155	23 -	20	-/-	-/-	-/-			
				187	24 -	20	-/-	-/-	-/-			
				193	23 -	20	-/-	-/-	-/-			
				339	16 -	5	-/-	-/-	-/-			
406	17 -	5	-/-	-/-	-/-							
Genotyp						(A)-	(C)-	-/-				

DO RG/GK/BS 183.01 (M11)	DO 183.01	Fe li	III	339	16 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	17 -	10	-/-	-/-	-/-			
				I EZ1.13	193	23 -	15	-/-	-/-	-/-		
				339	16 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	17 -	10	-/-	-/-	-/-			
				Ex III	193	23 -	15	-/-	-/-	-/-		
				I EZ1.9	155	25 -	15	-/-	-/-	-/-		
				187	24 -	15	-/-	-/-	-/-			
				155	25 +	15	-/-	-/-	A/-			
				II EZ1.9	187	24 -	15	-/-	-/-	-/-		
				187	24 -	15	-/-	-/-	-/-			
				Genotyp						-/-	-/-	(A)-

Fortsetzung Tabelle 52 (2/5): Einzeltypisierungsergebnisse zur Bestimmung der Genotypen für drei SNPs im IL10-Gen

Individuum	FundNr	Element	Extrakt	Produktlänge [bp]	PCR #	DNA-Menge [µl]	SNP - 1082 A/G	SNP - 819 C/T	SNP - 592 C/A			
DO RG/FK 1076 (M1)	DO 1076	Fe li	1	339	3 +	10	A/-	C/T	-/-			
				339	9 -	10	-/-	-/-	-/-			
				371	1 -	5	-/-	-/-	-/-			
				371	2 +	10	-/-	C/-	C/-			
				371	5 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	11 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	12 +	20	-/-	C/T	C/-			
				339	16 +	10	A/-	T/-	-/-			
				DO 1172.01	Mand	2	339	6 +	10	A/-	C/-	-/-
							339	10 +	10	A/-	C/-	-/-
							371	1 -	5	-/-	-/-	-/-
							371	7 +	10	-/-	C/-	C/-
							406	11 +	10	-/-	T/-	A/-
							339	16 +	10	A/-	T/-	-/-
		4	406	17 -	10	A/-	T/-	-/-				
			406	22 +	10	-/-	C/T	C/A				
			Genotyp							A/A	C/T	C/A
DO RG/FK/BS 1078 (F13)	DO 1044	Fe li	A	155	28 -	7,5	-/-	-/-	-/-			
				187	27 -	7,5	-/-	-/-	-/-			
				193	26 +	7,5	A/-	-/-	-/-			
				339	16 -	5	-/-	-/-	-/-			
				339	21 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	17 +	5	-/-	C/-	C/-			
				406	22 -	10	-/-	-/-	-/-			
				B	155	28 +	7,5	-/-	-/-	C/-		
					187	27 +	7,5	-/-	C/T	-/-		
					193	26 -	7,5	-/-	-/-	-/-		
					339	16 +	5	A/-	C/-	-/-		
					339	21 +	10	A/-	C/-	-/-		
					406	17 -	5	-/-	-/-	-/-		
				406	22 +	10	-/-	T/-	A/-			
Genotyp							A/A	C/T	C(A)			
DO BS 1102 (M2)	DO 1102	Fe li	1	339	3 -	10	-/-	-/-	-/-			
				339	9 -	20	-/-	-/-	-/-			
				371	1 -	5	-/-	-/-	-/-			
				371	2 -	10	-/-	-/-	-/-			
				371	5 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	11 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	12 -	20	-/-	-/-	-/-			
				2	339	6 -	10	-/-	-/-	-/-		
					339	10 -	20	-/-	-/-	-/-		
					371	7 -	10	-/-	-/-	-/-		
				406	11 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	12 -	20	-/-	-/-	-/-			
				3	152	13 +	10	-/-	C/-	-/-		
					155	15 +	10	-/-	-/-	(C)-		
					155	25 +	10	-/-	-/-	C/-		
				A	187	24 -	10	-/-	-/-	-/-		
					193	23 +	10	A/G	-/-	-/-		
					339	18 +	10	A/-	C/-	-/-		
					406	17 -	10	-/-	-/-	-/-		
Genotyp							A(G)	C/-	C/-			
DO BS/RG/FK 1247 (F7)	DO 1247	Mand	1	339	3 -	10	-/-	-/-	-/-			
				339	9 -	20	-/-	-/-	-/-			
				371	1 -	5	-/-	-/-	-/-			
				371	2 -	10	-/-	-/-	-/-			
				371	5 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	11 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	12 -	20	-/-	-/-	-/-			
				2	339	6 -	10	-/-	-/-	-/-		
					339	10 -	20	-/-	-/-	-/-		
					371	7 -	10	-/-	-/-	-/-		
				406	11 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	12 -	20	-/-	-/-	-/-			
				3	152	13 +	10	-/-	C/T	-/-		
					155	15 +	10	-/-	-/-	C/A		
					339	16 +	10	A/-	T/-	-/-		
				339	16 -	10	-/-	-/-	-/-			
				339	21 +	10	G/-	C/-	-/-			
				406	17 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	17 +	10	-/-	C/-	C/-			
4	339	21 -	10	-/-	-/-	-/-						
	339	21 -	10	-/-	-/-	-/-						
	406	22 -	10	-/-	-/-	-/-						
	406	22 -	10	-/-	-/-	-/-						
Genotyp							(A)(G)	C/T	C(A)			
DO RG/BS/DS 1482 (M3)	DO 1911	Fe li	2	339	6 -	10	-/-	-/-	-/-			
				339	21 +	10	A/-	T/-	-/-			
				371	1 -	5	-/-	-/-	-/-			
				371	2 -	10	-/-	-/-	-/-			
				371	7 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	11 +	10	-/-	T/-	-/-			
				406	12 +	10	-/-	C/-	C/-			
				406	22 -	10	-/-	-/-	-/-			
				4	155	28 +	10	-/-	-/-	A/-		
					187	27 +	10	-/-	T/-	-/-		
					193	26 -	10	-/-	-/-	-/-		
					339	16 -	10	-/-	-/-	-/-		
				339	21 +	10	A/-	T/-	-/-			
				339	21 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	17 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	22 -	10	-/-	-/-	-/-			
406	22 -	10	-/-	-/-	-/-							
Genotyp							A/-	(C)/T	(C)(A)			

Fortsetzung Tabelle 52 (3/5): Einzeltypisierungsergebnisse zur Bestimmung der Genotypen für drei SNPs im IL10-Gen

Individuum	FundNr	Element	Extrakt	Produktlänge [bp]	PCR #	DNA-Menge [µl]	SNP - 1082 A/G	SNP - 819 C/T	SNP - 592 C/A				
DO RG/BS 1500 (F2)	DO 1500	Fe li	1	339	3 -	10	-/-	-/-	-/-				
				339	9 -	20	-/-	-/-	-/-				
				371	1 -	5	-/-	-/-	-/-				
				371	2 -	10	-/-	-/-	-/-				
				371	5 -	10	-/-	-/-	-/-				
				406	11 -	10	-/-	-/-	-/-				
				406	12 -	20	-/-	-/-	-/-				
				339	6 -	10	-/-	-/-	-/-				
				339	10 -	20	-/-	-/-	-/-				
				371	7 -	10	-/-	-/-	-/-				
				406	11 -	10	-/-	-/-	-/-				
				406	12 -	20	-/-	-/-	-/-				
				152	13 -	10	-/-	-/-	-/-				
				155	15 -	10	-/-	-/-	-/-				
				193	14 -	10	-/-	-/-	-/-				
				A	339	16 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	17 -	10	-/-	-/-	-/-				
				B	339	16 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	17 -	10	-/-	-/-	-/-				
				EZ1.3	155	25 -	15	-/-	-/-	-/-			
187	24 -	15	-/-	-/-	-/-								
193	23 +	15	A/-	-/-	-/-								
ET1.10	155	25 -	15	-/-	-/-	-/-							
187	24 -	10	-/-	-/-	-/-								
193	23 -	10	-/-	-/-	-/-								
Genotyp							(A)-	-/-	-/-				
DO BS 3628 (F3)	DO 1746.06	pp	1	339	3 +	10	A/-	T/-	-/-				
				339	21 +	10	A/-	T/-	-/-				
				371	1 -	5	-/-	-/-	-/-				
				371	2 +	10	-/-	C/-	C/-				
				372	5 +	10	-/-	C/-	C/-				
				406	12 +	10	-/-	C/T	C/A				
				406	22 -	5	-/-	-/-	-/-				
				b	339	16 +	10	A/G	C/T	-/-			
				339	21 +	5	A/G	C/T	-/-				
				406	17 +	10	-/-	C/T	C/A				
				406	22 +	5	-/-	T/-	A/-				
				DO 1746.05	pp	2	339	6 -	10	-/-	-/-	-/-	
				339	10 -	20	-/-	-/-	-/-				
				371	1 -	5	-/-	-/-	-/-				
				371	2 -	10	-/-	-/-	-/-				
				371	7 -	10	-/-	-/-	-/-				
				406	11 -	10	-/-	-/-	-/-				
				406	12 +	20	-/-	-/-	C/-				
				339	16 -	5	-/-	-/-	-/-				
				406	17 -	5	-/-	-/-	-/-				
Genotyp						A/G	C/T	C/A					
DO BS 3695 (F4)	DO 4078	Mand	1	339	3 -	10	-/-	-/-	-/-				
				371	1 -	5	-/-	-/-	-/-				
				371	2 -	10	-/-	-/-	-/-				
				371	5 -	10	-/-	-/-	-/-				
				406	11 -	10	-/-	-/-	-/-				
				406	12 -	20	-/-	-/-	-/-				
				2	339	6 +	10	G/-	C/-	-/-			
				339	10 -	10	-/-	-/-	-/-				
				371	7 -	10	-/-	-/-	-/-				
				406	11 -	10	-/-	-/-	-/-				
				406	12 -	20	-/-	-/-	-/-				
				3	152	13 +	10	-/-	C/-	-/-			
				155	15 +	10	-/-	-/-	C/-				
				155	25 +	10	-/-	-/-	C/-				
				187	24 +	10	-/-	-/-	C/-				
				193	14 +	10	G/-	-/-	-/-				
				193	23 +	10	G/-	-/-	-/-				
				DO 5516	Calv	155	25 +	5	-/-	-/-	C/-		
				187	24 -	5	-/-	-/-	-/-				
				193	23 -	5	-/-	-/-	-/-				
339	16 +	5	G/-	C/-	-/-								
339	21 -	5	-/-	-/-	-/-								
406	17 -	5	-/-	-/-	-/-								
Genotyp						G/G	C/C	C/C					
DO BS 3706 (F5/F11)	DO 3756	Fe li	1	339	3 -	10	-/-	-/-	-/-				
				339	9 +	20	(G)-	(C)-	-/-				
				371	4 -	10	-/-	-/-	-/-				
				371	5 -	10	-/-	-/-	-/-				
				406	11 -	10	-/-	-/-	-/-				
				406	12 +	20	-/-	C/-	C/-				
				2	339	6 -	10	-/-	-/-	-/-			
				371	7 +	10	-/-	C/-	C/-				
				406	11 -	10	-/-	-/-	-/-				
				406	12 +	20	-/-	C/-	C/-				
				3	152	13 -	10	-/-	-/-	-/-			
				155	15 -	10	-/-	-/-	-/-				
				339	16 -	20	-/-	-/-	-/-				
				339	16 -	20	-/-	-/-	-/-				
				339	21 +	20	G/-	C/-	-/-				
				339	21 +	20	G/-	C/-	-/-				
				406	22 +	20	-/-	C/-	C/-				
				406	22 -	20	-/-	-/-	-/-				
				Genotyp						G/G	C/C	C/C	

Fortsetzung Tabelle 52 (4/5): Einzeltypisierungsergebnisse zur Bestimmung der Genotypen für drei SNPs im IL10-Gen

Individuum	FundNr	Element	Extrakt	Produktlänge [bp]	PCR #	DNA-Menge [µl]	SNP - 1082 A/G	SNP - 819 C/T	SNP - 592 C/A			
DO BS/FK 3742 (F9)	DO 3742	Fe li	B	339	16 -	5	-/-	-/-	-/-			
				339	21 -	15	-/-	-/-	-/-			
				406	17 -	5	-/-	-/-	-/-			
				406	22 +	15	-/-	C/-	C/-			
				EZ1.6	155	28 -	10	-/-	-/-	-/-		
				187	27 -	10	-/-	-/-	-/-			
				193	26 -	10	-/-	-/-	-/-			
				339	16 -	5	-/-	-/-	-/-			
				339	21 -	15	-/-	-/-	-/-			
				406	17 -	5	-/-	-/-	-/-			
406	22 -	15	-/-	-/-	-/-							
Genotyp							-/-	(C)-	(C)-			
DO BS/RG 3748 (F8)	DO 3631	Calv	1	155	20 +	10	-/-	-/-	C/-			
				187	19 +	10	-/-	C/T	-/-			
				193	18 +	10	A/-	-/-	-/-			
				339	3 +	10	A/-	C/T	-/-			
				371	1 -	5	-/-	-/-	-/-			
				371	2 +	10	-/-	C/T	C/-			
				406	11 +	10	-/-	C/T	C/-			
				406	12 +	10	-/-	C/T	C/A			
				2	155	20 +	10	-/-	-/-	C/A		
				187	19 +	10	-/-	C/T	-/-			
				193	18 +	10	A/-	-/-	-/-			
				339	6 +	10	A/G	C/-	-/-			
				339	10 +	5	(A/G)	-/-	-/-			
				371	7 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	12 +	10	-/-	C/-	C/-			
Genotyp						A/G	C/T	C/A				
DO BS 3757 (M8)	DO 3757	Calv	1	339	3 +	10	A/G	C/-	-/-			
				339	9 +	10	(G)-	-/-	-/-			
				339	21 +	10	A/-	T/-	-/-			
				371	4 +	10	-/-	C/T	C/A			
				371	5 +	10	-/-	C/-	C/-			
				406	11 +	10	-/-	C/-	C/-			
				406	12 +	10	-/-	C/T	A/-			
				DO 4003	Mand	2	339	6 +	10	A/-	T/-	-/-
				339	10 -	10	-/-	-/-	-/-			
				339	16 -	10	-/-	-/-	-/-			
				371	7 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	11 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	12 +	20	-/-	C/T	C/-			
				406	17 -	10	-/-	-/-	-/-			
				339	21 +	10	A/G	C/T	-/-			
406	22 +	10	-/-	C/-	C/-							
Genotyp						A/G	C/T	C/A				
DO BS 3886 (M16)	DO 3886	Calv	1	339	3 +	5	A/G	C/T	-/-			
				339	9 +	5	(A/G)	(C)	-/-			
				406	11 +	5	-/-	C/T	C/-			
				406	12 +	5	-/-	C/T	C/A			
				2	339	6 +	10	A/G	C/T	-/-		
				339	10 +	5	(A/G)	(C)	-/-			
				339	16 +	5	A/G	C/T	-/-			
				406	11 +	5	-/-	C/T	C/A			
				406	12 +	5	-/-	C/T	C/A			
				3	339	16 +	5	A/G	-/-	-/-		
				339	16 +	5	A/G	C/T	-/-			
				Genotyp						A/G	C/T	C/A
DO BS/FK 4008 (M5)	DO 908	Calv	1	339	3 +	10	A/-	C/-	-/-			
				371	1 -	5	-/-	-/-	-/-			
				371	2 -	10	-/-	-/-	-/-			
				371	5 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	11 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	12 +	20	-/-	C/-	C/-			
				3	155	28 -	10	-/-	-/-	-/-		
				187	27 -	10	-/-	-/-	-/-			
				193	26 +	10	G/-	-/-	-/-			
				339	21 -	10	-/-	-/-	-/-			
				406	22 +	20	-/-	T/-	A/-			
				155	28 +	7,5	-/-	-/-	C/-			
				187	27 -	7,5	-/-	-/-	-/-			
				193	26 +	7,5	A/G	-/-	-/-			
				339	16 +	5	G/-	C/-	-/-			
				339	21 -	5	-/-	-/-	-/-			
				406	17 -	5	-/-	-/-	-/-			
				406	22 -	10	-/-	-/-	-/-			
				DO 3380.01	Mand	2	339	6 -	10	-/-	-/-	-/-
				339	10 -	20	-/-	-/-	-/-			
				371	1 -	5	-/-	-/-	-/-			
				371	2 -	10	-/-	-/-	-/-			
371	7 -	10	-/-	-/-	-/-							
406	11 -	10	-/-	-/-	-/-							
406	12 -	20	-/-	-/-	-/-							
Genotyp						A/G	C(T)	C(A)				

Fortsetzung Tabelle 52 (5/5): Einzeltypisierungsergebnisse zur Bestimmung der Genotypen für drei SNPs im IL10-Gen

Individuum	FundNr	Element	Extrakt	Produktlänge [bp]	PCR #	DNA-Menge [µl]	SNP - 1082 A/G	SNP - 819 C/T	SNP - 592 C/A			
DO BS 5517 (F6)	DO 3750	Fe li	1	339	3 -	10	-/-	-/-	-/-			
				371	1 -	5	-/-	-/-	-/-			
				371	2 -	10	-/-	-/-	-/-			
				3	155	15 -	10	-/-	-/-	-/-		
					155	20 -	10	-/-	-/-	-/-		
					187	19 -	10	-/-	-/-	-/-		
				193	14 -	10	-/-	-/-	-/-			
				193	18 +	10	G/-	-/-	-/-			
				339	16 -	5	-/-	-/-	-/-			
				339	16 -	10	-/-	-/-	-/-			
				DO 5517	Calv	2	339	6 +	10	G/-	C/-	-/-
							339	21 -	10	-/-	-/-	-/-
							371	1 -	5	-/-	-/-	-/-
							371	2 -	10	-/-	-/-	-/-
							371	7 -	10	-/-	-/-	-/-
							406	11 +	10	-/-	T/-	A/-
							406	12 +	10	-/-	C/-	C/-
4	155	28 +	10				-/-	-/-	C/-			
	187	27 +	10				-/-	C/-	-/-			
	193	26 +	10				A/G	-/-	-/-			
339	21 +	10	G/-				C/-	-/-				
339	21 +	10	G/-				C/-	-/-				
406	22 -	10	-/-				-/-	-/-				
406	22 -	10	-/-				-/-	-/-				
Genotyp										(A)/G	C/(T)	(A)/C

DO E 33 (M12)	DO E 33	Mand	1	339	3 -	10	-/-	-/-	-/-	
				371	4 +	10	-/-	T/-	A/-	
				371	5 -	10	-/-	-/-	-/-	
				406	11 +	10	-/-	C/T	C/A	
				406	12 +	10	-/-	C/-	C/-	
				2	193	23 +	10	A/G	-/-	-/-
					339	6 +	10	G/-	C/-	-/-
					339	10 -	10	-/-	-/-	-/-
				339	16 +	10	A/-	T/-	-/-	
				371	7 -	10	-/-	-/-	-/-	
				406	11 +	10	-/-	C/-	C/-	
				406	12 -	10	-/-	-/-	-/-	
				406	17 +	10	-/-	T/-	A/-	
				3	155	20 -	10	-/-	-/-	-/-
					187	19 -	10	-/-	-/-	-/-
					339	16 -	10	-/-	-/-	-/-
				406	17 -	10	-/-	-/-	-/-	
Genotyp							A/G	C/T	C/A	

DO E 37 (F21)	DO E 37	Calv	1	155	25 -	20	-/-	-/-	-/-	
				187	24 -	20	-/-	-/-	-/-	
				193	23 -	20	-/-	-/-	-/-	
				339	16 -	10	-/-	-/-	-/-	
				406	17 -	10	-/-	-/-	-/-	
				2	155	25 -	20	-/-	-/-	-/-
					187	24 -	20	-/-	-/-	-/-
					193	23 -	20	-/-	-/-	-/-
				339	16 -	10	-/-	-/-	-/-	
				406	17 -	10	-/-	-/-	-/-	
Genotyp							-/-	-/-	-/-	

DO RG/FK R 1 (F12)	DO R 1	Calv	1	155	28 +	7,5	-/-	-/-	C/A	
				187	27 +	7,5	-/-	C/-	-/-	
				193	26 +	7,5	A/-	-/-	-/-	
				339	16 +	5	A/-	C/-	-/-	
				339	21 -	10	-/-	-/-	-/-	
				406	17 -	5	-/-	-/-	-/-	
				406	22 +	10	-/-	T/-	A/-	
				2	155	28 +	7,5	-/-	-/-	C/-
					187	27 +	7,5	-/-	C/T	-/-
					193	26 +	7,5	A/-	-/-	-/-
				339	16 +	5	A/-	T/-	-/-	
				339	21 -	10	-/-	-/-	-/-	
				406	17 -	5	-/-	-/-	-/-	
				406	22 -	10	-/-	-/-	-/-	
Genotyp							A/A	C/T	C/A	

Tabelle 53 (1/3): Einzeltypisierungsergebnisse zur Bestimmung der Genotypen für immunogenetisch relevante SNPs in Genen für verschiedene Interleukine (ILs) und toll like receptors (TLRs)

Individuum	FundNr	Element	Extrakt	PCR #	SBE	IL6 - 174	TLR2 753	TLR4 399	IL10 - 2849	IL10 - 1087	TLR4 299	IL4Ra 576	IL4 - 524
DO FK/HS/RG 35 (M4)	DO 900.03	Calv	DOS Ex4	4-20 4-21	56 67					-/- -/-	(A)/- -/-	A/- -/-	-/- -/-
	DO 35	Fe li	ExI	6-03	17	-/-	-/-	-/-					
	DO 900.03	Calv	DOS Ex4 IIIb	6-35 6-T6	67 10	G/- G/C	G/- G/-	C/- C/-	A/-				
Genotyp						(G)/C	(G)/-	(C)/-	(A)/-	-/-	-/-	(A)/-	-/-
DO FK/RG/BS 38 (F1)	DO 26	Fe li	DOS Ex3	4-20 4-21	56 65					G/- -/-	A/- A/-	A/- (G)/A	-/- -/-
			TC	4-24	68					G/A	A/-	G/A	-/-
				6-03	17	G/-	G/-	C/-					
	DO 38	Mand		6-20	36	G/-	G/-	C/-	G/A				
			DOS Ex4	6-22	42	G/-	G/-	C/-	G/-				
				6-23 a	45	G/C	G/-	C/T	G/A				
				6-23 b	45	G/-	G/-	C/-	A/-				
	DO 26	Fe li	DOS Ex3	6-35	65	-/-	G/-	-/-	A/-				
Genotyp						G/C	G/G	C/T	G/A	G/A	A/A	G/A	-/-
DO RG/FK 57.02 (M17/M19)	DO 57.02	Fe li	DOS Ex1	4-20 4-21	56 67					A/- -/-	-/- -/-	A/- G/A	(C)/- C/-
			b SKR	6-03	17	C/-	-/-	-/-					
			DOS Ex1	6-35	67	-/-	-/-	-/-	A/-				
	DO 153.01	Ti re	DOS Ex4	4-20 4-21	56 67					-/- -/-	-/- -/-	A/- A/-	-/- -/-
			DOS Ex2	4-24	68					A/-	-/-	A/-	-/-
			Ex2	6-03	17	C/-	G/-	C/-					
			DOS Ex4	6-35	67	-/-	-/-	-/-	A/-				
			ExII	6-37L	68	C/-	G/-	C/-	G/A				
			DOS Ex2	6-37L	68	G/-	-/-	-/-	A/-				
Genotyp						(G)/C	G/-	C/-	(G)/A	A/-	-/-	(G)/A	C/-
DO RG/FK 58.03 (M13)	DO 58.03	Fe li	TracePh	4-20 4-21	56 67					A/- -/-	A/- -/-	A/- -/-	-/- -/-
			TracePhe	4-21	67								
			A UB	4-24	68					A/-	A/-	A/-	C/-
			b SKR	6-03	17	G/-	G/-	C/-					
			TracePhe	6-35	67	G/-	-/-	C/-	G/A				
				6-37L	68	G/-	G/-	-/-	G/A				
			A UB	6-37L	68	-/-	G/-	C/-	(G)/A				
Genotyp						G/G	G/G	C/C	G/A	A/-	A/-	A/-	(C)/-
DO RG/FK/KS 58.08 (M7)	DO 3.01	pp	ExI F	4-20 4-21	56 67					G/A -/-	A/- -/-	G/A -/-	C/- -/-
	DO 910.01	Calv	IIIa	4-24	68					G/A	A/-	G/A	C/-
	DO 3.01	pp	ExI	6-03	17	G/C	G/-	C/-					
			Ex1 F	6-35	67	G/C	G/-	C/-	G/A				
	DO 910.01	Calv	III FS	6-37La	68	-/-	G/-	C/-	A/-				
Genotyp						G/C	G/G	C/C	(G)/A	G/A	A/-	G/A	C/-
DO RG/FK 67.03 (F10/F17)	DO 302	Mand	ExIIb	4-20 4-21	56 67					G/- G/-	A/- -/-	G/A A/-	C/- -/-
	DO 1046	Calv	a	4-24	68					G/-	A/-	G/A	C/-
	DO 302	Mand	4 6 ExI	6-03	17	-/-	-/-	-/-					
			ExIIb	6-35	67	G/C	G/-	C/-	A/-				
	DO 1046	Calv	a SKR	6-37L	68	G/-	G/-	C/-	G/A				
			b SKR	6-37L	68	G/-	G/-	C/-	G/A				
			a SKR	6-T6	10	G/-	G/-	C/-					
	DO 300.01	Fe li	B UB	4-20 4-21	56 67					-/- -/-	-/- A/-	A/- G/A	-/- C/-
			B UB/EA	6-03	17	G/-	-/-	C/-					
				6-35	67	-/-	G/A	C/-	A/-				
Genotyp						G/C	(G)/A	C/C	G/A	G/G	A/A	G/A	C/C
DO RG/GK/BS 183.01 (M11)	DO 183.01	Fe li	II Ez13	4-20 4-21	56 67					A/- -/-	-/- -/-	A/- -/-	-/- -/-
			Ez1.12	6-03	17	-/-	-/-	-/-					
			Ez13	6-35	67	C/-	G/-	C/-	G/A				
Genotyp						(C)/-	(G)/-	(C)/-	(G)/A	(A)/-	-/-	(A)/-	-/-
DO FK/RG/HS/BS 901.01 (M18/F16)	DO 901.01	Fe li	b SKR	6-03	17	C/-	-/-	-/-					
	DO R 2	Calv	16b SKR	4-20 4-21	56 67					A/- A/-	-/- -/-	A/- A/-	-/- C/-
			Ex2	4-24	68					-/-	A/G	-/-	-/-
			1.6b SKR	6-03	17	-/-	-/-	-/-					
			1.6 b SKR	6-35	67	-/-	G/-	C/-	A/-				
			ExIV	6-37L	68	-/-	G/-	C/-	G/-				
Genotyp						(C)/-	G/-	C/-	(G)/A	A/-	(A)/G	A/-	(C)/-
DO FK/RG/HS 902.01 (M10)	DO 902.01	Fe li	A UB	4-20 4-21	56 67					G/A -/-	A/G -/-	G/A -/-	C/- -/-
			B UB	4-24	68					G/A	A/G	G/A	C/-
	DO 480.01	Mand	ExII	6-03	17	-/-	-/-	-/-					
	DO 902.01	Fe li	A UB/EA	6-35	67	C/-	G/-	C/-	(G)/A				
			B UB	6-37L	68	C/(G)	G/-	C/-	A/-				
			A UB	6-37L	68	C/-	G/-	C/-	A/-				
Genotyp						C/-	G/G	C/C	A/-	G/A	A/G	G/A	C/C
DO FK/RG 905.01(M14)	DO 905.01	Fe li	a	4-20 4-21	56 67					-/- -/-	-/- -/-	G/- -/-	C/- -/-
			b SKR	6-03	17	-/-	(G)/-	-/-					
			b	6-35	67	-/-	-/-	-/-	G/A				
Genotyp						-/-	(G)/-	-/-	(G)/A	-/-	-/-	(G)/-	(C)/-

Fortsetzung Tabelle 53 (3/3): Einzeltypisierungsergebnisse zur Bestimmung der Genotypen für immungenetisch relevante SNPs in Genen für verschiedene Interleukine (ILs) und toll like receptors (TLRs)

Individuum	FundNr	Element	Extrakt	PCR #	SBE	IL6 - 174	TLR2 753	TLR4 399	IL10 - 2849	IL10 - 1087	TLR4 299	IL4Ra 576	IL4 - 524		
DO BS 3695 (F4)	DO 4078	Mand	DOS Ex4	4-20	56					G/-	A/-	A/-	C/-		
				4-21	65						G/-	A/-	A/-	-/-	
				DOS Ex3	4-24	68					G/-	A/-	A/-	-/-	
					6-03	17	C/-	G/-	C/-						
			Calv	ExI	6-20	42	G/-	G/-	C/(T)	G/A					
					6-22	42	-/-	-/-	-/-						
				Neu	6-23	45	-/-	-/-	-/-	-/-					
					6-23 a	45	C/-	G/-	C/-						
		DO 4078	Mand	DOS Ex4	6-23 b	45	C/-	G/-	C/-	A/-					
					6-35	65	C/-	G/-	C/-	A/-					
	DO 5516	Calv	II	6-T6	10	C/-	G/-	C/-							
Genotyp															
C/(G) G/G C/- G/A G/G A/A A/A (C)/-															
DO BS 3706 (F5/F11)	DO 3713	Mand	a SKR	4-20	56					-/-	A/-	-/-	-/-		
				4-21	67						-/-	A/-	A/-	-/-	
				6-03	17	-/-	-/-	-/-							
			Calv	a SKR	6-35	67	-/-	-/-	C/-	G/-					
					4-20	56						-/-	A/-	A/-	C/-
					4-21	65						-/-	A/-	A/-	C/-
				ExIV	4-24	68					G/-	A/-	A/-	C/-	
					6-03	17	C/-	G/-	C/-						
					6-20	42	C/-	G/-	C/-	A/-					
		DO 3756	Fe li	DOS Ex3	6-22	42	-/-	-/-	-/-		G/(A)				
					6-23	45	C/-	G/-	C/-	(G/A)					
					6-23 a	45	G/C	G/-	C/-	G/A					
				B UB	6-23 b	45	C/-	G/-	C/-	A/-					
					6-35	65	C/-	G/-	C/-	(G/A)					
					4-20	56									
	DO 3706	Calv	ExV	6-35	65	C/-	G/-	C/-	(G/A)						
Genotyp															
G/G (G)/C G/G C/C G/A (G)/- A/- A/- C/-															
DO BS/FK 3742 (F9)	DO 3705	Calv	Ex2	4-20	56					-/-	A/-	G/A	C/-		
				4-21	67						G/A	A/-	G/A	C/-	
		DO 3746	Mand	Ex II	4-24	68					G/A	A/-	A/-	C/(T)	
					6-03	17	C/-	-/-	C/-						
		DO 3705	Calv	Ex2	6-35	67	G/-	G/-	C/-	G/A					
		DO 3746	Mand	ExII	6-37L	68	C/-	G/-	C/-	G/-					
				a SKR	6-37L	68	G/-	G/-	C/-	A/-					
Genotyp															
G/C G/G C/C G/A G/A A/A G/A C/-															
DO BS/RG 3748 (F8)	DO 3631	Calv	DOS Ex3	4-20	56					G/A	A/-	A/-	C/-		
				4-21	65						G/A	A/-	A/-	C/-	
				6-03	17	-/-	G/-	-/-							
				6-35	65	C/-	G/-	C/-	G/A						
				6-T6	10	C/-	G/-	C/-							
Genotyp															
C/- G/G C/- (G)/(A) G/A A/A A/A C/C															
DO BS 3757 (M8)	DO 3757	Calv	DOS Ex3	4-20	56					G/A	A/-	A/-	C/-		
				4-21	67						-/-	-/-	-/-	-/-	
				6-20	36	C/-	G/-	C/-	G/-						
				6-22	42	C/-	G/-	C/-	G/-						
				6-23 a	45	C/-	G/-	C/-	G/-						
				6-23 b	45	C/-	G/-	C/-	G/-						
				6-35	67	C/-	G/-	C/-	G/(A)						
Genotyp															
C/C G/G C/C G/- (G)/(A) (A)/- (A)/- (C)/-															
DO BS 3886 (M16)	DO 3886	Calv	DOS Ex2	4-20	56					G/A	A/-	A/-	C/-		
				4-21	67						G/A	A/-	A/-	C/-	
				6-03	17	G/C	G/-	C/-							
				6-20	36	G/C	G/-	C/-	G/A						
				6-22	42	G/C	G/-	C/-	G/-						
				6-23 a	45	G/C	G/-	C/-	G/-						
				6-23 b	45	G/C	G/-	C/-	G/(A)						
				6-35	67	G/C	G/-	C/-	G/A						
Genotyp															
G/C G/G C/C G/A G/A A/A A/A C/C															
DO BS/FK 4008 (M5)	DO 3380			4-20	56					-/-	-/-	A/-	-/-		
				4-21	67						-/-	-/-	-/-	-/-	
				6-35	67	-/-	-/-	-/-	A/-						
Genotyp															
-/- -/- -/- (A)/- -/- -/- (A)/- -/-															
DO BS 5517 (F6)	DO 5517	Calv	ExIIIa	4-20	56					G/A	A/-	A/-	C/-		
				4-21	65						G/A	A/-	A/-	C/-	
		DO 3709	Mand	ExIII	6-03	17	C/-	G/-	C/-						
					6-35	65	C/-	G/-	C/-	A/-					
	DO 5517	Calv	ExIIIa	6-35	65	C/-	G/-	C/-	A/-						
Genotyp															
C/- G/- C/- (A)/- G/A A/A A/A C/C															
DO E 33 (M12)	DO E 33	Mand	DOS Ex4	4-20	56					-/-	-/-	A/-	-/-		
				4-21	67						-/-	-/-	-/-	-/-	
				6-35	67	-/-	G/-	C/-	A/-						
Genotyp															
-/- -/- (G)/- (C)/- (A)/- -/- -/- (A)/- -/-															
DO E 37 (F21)	DO E 37		Ex2	4-20	56					-/-	-/-	-/-	-/-		
				4-21	67						-/-	(A)/-	A/-	-/-	
				6-35	67	-/-	-/-	-/-	A/-						
Genotyp															
-/- -/- -/- (A)/- -/- (A)/- (A)/- -/-															
DO RG/FK R 1 (F12)	DO R 1	Calv	DOS Ex1	4-20	56					A/-	A/-	A/-	-/-		
				4-21	67						-/-	-/-	-/-	-/-	
				4-24	68						A/-	A/-	A/-	-/-	
				6-03	17	C/-	G/-	C/-							
				6-35	67	C/-	G/-	C/-	G/-						
				6-37L	68	C/-	G/-	C/-	G/A						
				6-37L	68	C/-	G/-	C/-	G/A						
6-T6	10	C/-	G/-	C/-											
Genotyp															
C/C G/G C/C G/A A/- A/- A/- -/-															

Tabelle 54 (1/2): Einzeltypisierungsergebnisse zur Untersuchung auf Milchzuckerträglichkeit

Individuum	FundNr	Element	Extrakt	PCR #	µl	Lac	Lac verdaut
DO FK/HS/RG 35 (M4)	DO 900.03	Calv	I NEU	T I	5	-/-	-/-
			I NEU	T II	8,05	142.71 / 6557	C/-
			I NEU	T III	8,5	142.71 / 6398	C/-
			Ex2 DOS	X	8,05	-/-	x
			Ex4 DOS	X	8,05	-/-	x
Genotyp							C/-
DO FK/RG BS 38 (F1)	DO 38	Mand	F1 DOS Ex2	T I	5	142.98 / 5648	C/-
			F1 DOS Ex2	T II	5	142.43 / 4471	C/-
			F1 DOS Ex2	T III	8,5	142.83 / 5651	C/-
			Genotyp				
DO RG/FK/KS 58.08 (M7)	DO 58.08	Fe re	Ex 1 JYS	X	8,05	-/-	x
			Ex 2	X	8,05	-/-	x
			Ex 1	X	8,05	-/-	x
			Genotyp				
DO RG/FK/BS 516	DO 516	Hu li	JYS Ex1	III	8,2	-/-	x
			JYS Ex1	IV	8,5	-/-	x
			Ex2 VSE	IV	5	-/-	x
			Genotyp				
DO FK/RG/HS/BS 901.01 (M18/F16)	DO 901.01	Fe li	JYS Ex1	III	8,2	-/-	x
			JYS Ex1	IV	8,5	142.51 / 6452	C/T
			Ex2 VSE	VI	5	142.88 / 5394	C/-
			Ex3 VSE	V	5	142.96 / 5383	C/T
			Ex2 VSE	X	8,5	142.85 / 5867	C/T
			Ex3 VSE	X	8,5	142.85 / 4670	C/T
Genotyp						C/T	
DO FK/RG/JS 904.04	DO 904.05	Ti re	Ex1	I	5	x	x
			Ex1	II	8,5	-/-	x
			Ex1	III	8,2	142.32 / 5834	C/-
			Ex2	VII	8,5	-/-	x
			Genotyp				
DO FK/RG 905.01 (M14)	DO 901.02	Hu li	Ex1 DM	III	8,2	-/-	x
			Ex1 DM	IV	8,5	-/-	x
			Ex3 VSE	VI	5	-/-	x
			Ex4 VSE	V	5	-/-	x
			Ex4 VSE	X	8,5	-/-	x
Genotyp						x	
DO RG/FK/BS 1078 (F13)	DO 385	Fe re	JYS Ex1	III	8,2	-/-	x
			JYS Ex1	IV	8,5	-/-	x
			Ex3 VSE	VI	5	141.85 / 4999	C/-
			Ex4 VSE	V	5	-/-	x
			Ex4 VSE	IX	8,05	-/-	x
			Ex3 VSE	X	8,5	142.73 / 7057	C/-
Genotyp						C/-	
DO BS/RG 1103 (F14)	DO 4309	Mand	Ex1	T I	5	-/-	-/-
			Ex1	T II	7	-/-	-/-
			Ex1	T III	8,5	143.07 / 6725	C/T
	DO 1103	Fe li	B	VII	8,5	143.08 / 5653	C/-
			A	X	8,5	142.80 / 5025	C/-
			Genotyp				

Individuum	FundNr	Element	Extrakt	PCR #	µl	Lac	Lac verdaut	
DO BS/RG/FK 1247 (F7)	DO 1247	Mand	Ex4 DOS	VII	8,5	-/-	x	
			Ex2 DOS	VII	8,5	-/-	x	
			Ex2 VSE	VI	5	143.12 / 6486	T/-	
	DO 1928	Fe re	Ex3 VSE	VI	5	-/-	x	
			Ex2 VSE	T IV	8,05	142.81 / 5353	T/-	
			Ex3 VSE	T IV	8,05	-/-	x	
Genotyp						T/-		
DO HS/GK 1461	DO 3157	Ti li	Ex1	I	5	x	x	
			Ex1	II	8,5	-/-	x	
			Ex1	III	8,2	-/-	x	
			Genotyp					
DO HS/BS 1467.01	Do 1467.01	Hu li	Ex3 VSE	V	5	-/-	x	
			Genotyp					
DO HS/GK 1547.01	DO 3000.22	Ra li	Ex1	I	5	x	x	
			Ex1	II	8,5	-/-	x	
			Ex1	III	8,2	-/-	x	
	DO 1775.03	Hu li	Ex2 DMU	IV	8,5	-/-	x	
			DO 1547.01	Ti re	I	5	x	x
			Ex1	II	8,5	-/-	x	
			Ex1	III	8,2	-/-	x	
Genotyp						x		
DO HS/GK 1547.03	DO 3299	Ti re	Ex1 VSE	VI	5	-/-	x	
			Ex1 VSE	V	5	-/-	x	
Genotyp						x		
DO HS/GK 1548.01	DO 1548.01	Ti re	Ex1	I	5	x	x	
			Ex1	II	8,5	142.34 / 6648	C/-	
			Ex1	III	8,2	-/-	x	
			Ex5	VI	5	142.88 / 6816	C/-	
			Ex5	XI	8,5	142.11 / 5315	C/-	
			Ex6	XI	8,5	142.47 / 6857	C/-	
			Genotyp					
DO HS/GK 1585.03 (F19)	DO N 968.04	Hu li	Ex1	I	5	x	x	
			Ex1	II	8,5	142.73 / 6082	C/-	
			Ex1	III	8,2	-/-	x	
			Ex5	VI	5	142.81 / 6752	C/-	
			Ex5	XI	8,5	142.59 / 6737	C/-	
			Ex6	XI	8,5	-/-	x	
Genotyp						C/C		
DO BS/FK/GK/HS 1745.02	DO 1745.02	Os coxae li	Ex1	I	5	x	x	
			Ex1	II	8,5	142.42 / 6446	C/-	
			Ex1	III	8,2	142.33 / 5638	C/-	
			Ex2	X	8,5	142.80 / 6396	C/-	
			Ex3	X	8,5	142.31 / 7090	C/-	
Genotyp						C/C		
DO RG/BS 1905 (M9)	DO 1917	Hu re	Ex2 VSE	VI	5	142.76 / 6886	C/-	
			Ex1 JYS	V	5	142.76 / 5963	C/-	
			Ex1 JYS	T IV	8,05	-/-	x	
			Ex2 VSE	T IV	5	142.51 / 5649	C/-	
Genotyp						C/C		

Tabelle 54 (2/2): Einzeltypisierungsergebnisse zur Untersuchung auf Milchzuckerträglichkeit

Individuum	FundNr	Element	Extrakt	PCR #	µl	Lac	Lac verdaut		
DO BS/FK 2030.01 (M6)	DO 2030.01	Fe li	B	T I	5	-/-	-/-		
			B	T II	8,05	142.39 / 3991	C/-		
			B	T III	8,5	-/-	-/-		
			a	VII	8,5	-/-	x		
			DO 2030.01	IX	8,05	142.45 / 6349	C/-		
			DO 2111.01	Mand	Ex1 96	X	8,05	-/-	-/-
			DO 2030.01	Fe li	b	X	8,05	142.47 / 7190	C/-
Genotyp						C/(C)			
DO GK/HS/RG 2588 (F15)	DO 2588	Ti re	Ex1 VSE	IX	8,05	142.64 / 1089	C/-		
			Ex1 VSE	XI	8,5	142.47 / 6843	C/-		
			Ex2 VSE	XI	8,5	142.59 / 6430	C/-		
			Genotyp					C/C	
DO BS 3628 (F3)	DO 4372	Fe li	Ex2 VSE	VI	5	142.28 / 6324	C/-		
			Ex2 VSE	XI	8,5	-/-	x		
			Genotyp					(C)/-	
DO BS 3695 (F4)	DO 3727	Fe li	Ex3 VSE	VI	5	-/-	x		
			Ex4 VSE	V	5	142.76 / 6736	T/-		
			Ex3 VSE	XI	8,5	-/-	-/-		
			Ex4 VSE	XI	8,5	-/-	-/-		
			Genotyp					(T)/-	
DO BS/RG 3748 (F8)	DO 5521	Hu re	Ex2 VSE	VI	5	143.00 / 6132	C/T		
			Ex3 VSE	V	5	142.88 / 5611	C/T		
			DEx2 VSE	T IV	8,5	142.38 / 6483	C/T		
			Ex3 VSE	T IV	8,5	142.43 / 5521	C/T		
			DO 3635	Fe re	Ex3 VSE	VI	5	143.05 / 6033	T/-
			Ex4 VSE	V	5	-/-	x		
			Ex3 VSE	XI	8,5	-/-	x		
			Ex4 VSE	XI	8,5	142.71 / 6743	C/T		
	Genotyp						C/T		
	DO BS 3757 (M8)	DO 3757	Calv	Ex3 DOS	VII	8,5	142.64 / 6583	C/T	
Ex III				VII	8,5	-/-	-/-		
Ex3 DOS				XI	8,5	142.59 / 6851	C/-		
Genotyp						C/(T)			
DO BS/FK 4008 (M5)	DO 908	Calv	Ex3 DOS	T I	5	143.10 / 6653	C/C		
			Ex3 DOS	T II	6	142.32 / 4269	C/C		
			Ex3 DOS	T III	8,5	143.00 / 6093	C/C		
			M5 NEU	VII	8,5	143.00 / 6845	C/C		
			DO 3752	Fe re	Ex3 VSE	VI	5	142.60 / 6162	C/-
			Ex4 VSE	V	5	-/-	x		
			Ex4 VSE	XI	8,5	-/-	x		
	Genotyp						C/C		
DO BS/GK 4310.01	DO 3812	Hu li	Ex4 VSE	VI	5	-/-	x		
			Ex5 VSE	V	5	-/-	x		
Genotyp						x			
DO BS/FK/RG/HS/GK/KS N 962.01	DO N 962.01	Ra li	Ex1	I	5	x	x		
			Ex1	II	8,5	142.60 / 5758	T/-		
			Ex1	III	8,2	142.42 / 6479	T/-		
			Genotyp					T/-	

Tabelle 55 (1/3): Einzeltypisierungsergebnisse zur Bestimmung der Ausprägung des Rhesusfaktors D

Individuum	FundNr	Element	Extrakt	PCR #	µl	RhDCE3	RhD4	RhDCE9	RhD1	RhD	Konsensus			
DO FK/HS/RG 35 (M4)	DO 35	Fe li	Ex 4 VSE	5	7	X	-	X	-	neg				
			Ex 4 VSE	7	7	X	-	X	-	neg				
			Ex 1 JYS	7	9,3	X	-	X	-	neg				
			Ex 1 JYS	14	9,3	X	-	-	-	(neg)				
			Ex 3	20	9,3	-	-	-	-	nd				
			Ex 3	22	9,3	-	-	-	-	nd				
			Ex 5 VSE	25	9,3	-	-	X	-	(neg)	(Rhesus negativ)			
DO FK/RG BS 38 (F1)	DO 38	Mand	Ex 2 DOS	1	5	X	X	X	X	pos				
			Ex 2 DOS	3	5	X	X	X	X	pos				
	DO 39	Ti re	Ex 3 VSE	7	5	X	X	X	X	pos				
			Ex 3 VSE	13	5	X	X	X	X	pos	Rhesus positiv			
DO RG/FK 57.02 (M17/M19)	DO 153.01	Ti re	Ex 2	2	6	-	-	X	-	(neg)				
			Ex 2/Ex 1	7	9,3	-	X	(X)	X	pos				
			Ex 3 VSE	17	7	X	X	X	X	pos				
			Ex 3 VSE	19	7	X	X	X	X	pos				
			Ex 4 VSE	22	9,3	X	-	X	-	neg				
			Ex 4 VSE	23	7	X	X	X	-	pos	Rhesus positiv			
DO RG/FK 58.03 (M13)	DO 58.03	Fe li	Ex 1 JYS	5	9,3	X	-	X	-	neg				
			A	7	9,3	X	-	X	X	pos				
			Ex 1 JYS	7	9,3	X	X	X	X	pos				
			B	14	9,3	-	X	-	-	(pos)				
			III	18	9,3	X	X	X	-	pos				
			II/Ex 1 JYS	19	9,3	X	-	X	-	neg				
			a/Ex 1 JYS	23	9,3	X	(X)	X	X	pos	Rhesus positiv			
DO RG 66.02	DO 66.02	Fe li	Ex II JYS	4	7	X	-	-	-	(neg)	nd			
DO RG/FK 67.03 (F10/F17)	DO 300.01	Fe li	Ex 1 JYS	5	9,3	X	X	X	X	pos				
			b	7	9,3	-	-	X	X	pos				
			Ex 1 JYS	7	7	-	X	X	X	pos				
			b	13	9,3	X	X	X	X	pos	Rhesus positiv			
DO RG/GK/BS 183.01 (M11)	DO 204.02	Fe re	Ex 1 JYS	5	5	-	-	-	-	nd	nd			
DO FK/RG/HS/BS 901.01 (M18/F16)	DO 901.01	Fe li	Ex 2 VSE	1	6	X	X	X	X	pos				
			Ex 2 VSE	3	6	X	X	X	X	pos				
			Ex 1 JYS	7	9,3	X	X	-	X	pos				
			Ex 1 JYS	8	9,3	X	X	X	-	pos	Rhesus positiv			
DO FK/RG/HS 902.01 (M10)	DO 902.01	Fe li	A	5	5	X	X	X	-	(pos)				
			A	8	9,3	X	-	X	-	neg				
			B	8	9,3	X	X	X	-	(pos)				
			Tüte	14	9,3	-	-	-	-	nd				
			B	14	9,3	X	X	X	X	pos				
			III/Kiste	18	9,3	X	-	X	-	neg				
			A	20	7	X	-	X	-	neg				
			Ex 4 VSE	25	5	X	-	X	-	neg				
			Ex 4 VSE	25	7	X	-	X	-	neg	nd			
DO FK/HS/RG/BS 903.01	DO 903.01	Fe li	Ex 2	5	7	X	X	X	-	(pos)				
			Ex II JYS	8	9,3	-	-	-	X	(pos)				
			Ex 1 JYS	12	9,3	-	-	-	-	nd				
			Ex 3 VSE	17	9,3	-	-	(X)	-	(neg)	nd			
DO FK/RG 905.01 (M14)	DO 905.01	Fe li	Ex 3 VSE	2	5	X	X	X	X	pos				
			Ex 3 VSE	3	5	X	X	X	X	pos				
			Ex 2 VSE	8	5	X	X	X	X	pos				
			Ex 1 JYS	8	9,3	X	-	X	-	neg				
			Ex 2 VSE	13	5	X	X	X	X	pos				
	DO 901.02	Hu li	Ex 4 VSE	5	9,3	X	X	X	X	pos				
			Ex 1 JYS	8	9,3	-	-	-	-	nd				
			Ex 4 VSE	8	9,3	X	X	-	-	pos				
			Ex 3 VSE	8	9,3	X	X	X	X	pos				
			Ex 3 VSE	13	9,3	X	X	X	X	pos	Rhesus positiv			
DO FK/RG/BS 907.01	DO 907.01	Fe li	Ex 3 VSE	2	5	X	X	X	X	pos				
			Ex 3 VSE	3	5	X	X	X	X	pos				
			Ex 2/EZ1	8	9,3	-	X	-	X	(pos)				
			EZ1	8	9,3	-	X	(X)	X	pos				
			EZ1	13	9,3	X	-	X	X	pos	Rhesus positiv			
DO RG/FK 1076 (M1)	DO 1076	Fe li	Ex 1	5	5	X	-	X	X	pos				
			B	8	9,3	X	X	X	X	pos				
			Ex 1	8	9,3	X	X	X	X	pos				
			B	13	9,3	X	X	X	X	pos	Rhesus positiv			
DO RG/FK/BS 1078 (F13)	DO 1044	Fe li	I GP06	2	6	X	-	X	-	neg				
			I GP06	3	5	X	-	(X)	-	(neg)				
			A	8	9,3	-	-	X	X	(pos)				
			I GP06/A	8	9,3	X	X	(X)	X	pos				
			BZ Tiex II/EZ1	15	9,3	X	-	X	-	neg				
			Ex 6	15	9,3	-	-	X	-	(neg)				
			Ex 7	22	9,3	X	-	X	-	neg				
			Ex 7	24	9,3	X	-	X	-	neg				
				DO 385	Fe re	Ex 4 VSE	4	7	-	-	X	-	(neg)	(Rhesus negativ)
			DO BS 1102 (M2)	DO 1102	Fe li	Ex 2	5	7	X	-	-	X	(pos)	
B	8	9,3				X	X	X	X	pos				
Ex 2	8	9,3				X	X	X	-	pos				
Ex 2	15	9,3				X	-	X	X	pos				
B	15	9,3				X	X	X	X	pos	Rhesus positiv			

Fortsetzung Tabelle 55 (2/3): Einzeltypisierungsergebnisse zur Bestimmung der Ausprägung des Rhesusfaktors D

Individuum	FundNr	Element	Extrakt	PCR #	µl	RhDCE3	RhD4	RhDCE9	RhD1	RhD	Konsensus		
DO BS/RG 1103 (F14)	DO 1103	Fe II	B	1	5	X	X	X	X	pos			
			Ex 1 GP06	3	5	-	-	-	X	(pos)			
			Ex 1 GP06	9	9,3	X	X	X	X	X	pos		
			XVII	9	9,3	X	-	X	X	X	pos		
			Ex 1 GP06	15	9,3	X	X	(X)	X	X	pos		
			XVII	15	9,3	-	X	-	-	-	(pos)	Rhesus positiv	
DO BS/RG 1176 (F18)	DO 199	Fe II	Ex 1 JYS	2	5	X	(X)	X	-	(pos)			
			Ex 1 JYS	3	5	-	X	-	-	(pos)			
			Ex 1 JYS	9	9,3	-	(X)	-	X	(pos)			
			B	9	9,3	-	-	-	X	(pos)			
			Ex I/A	15	9,3	X	-	X	X	pos			
			Ex II	15	9,3	-	X	-	-	(pos)	Rhesus positiv		
DO BS/RG/FK 1247 (F7)	DO 1247	Mand	Ex 2 DOS/Ex 3 DOS	2	6	-	-	-	X	(pos)			
	DO 1206.01	Fe II	Ex 1	9	9,3	-	-	-	X	(pos)			
			Ex 6	9	9,3	X	X	X	X	pos			
			DS7	15	9,3	X	X	X	X	pos			
			Ex 6	15	9,3	-	-	-	X	(pos)			
			Ex 8 VSE	17	9,3	X	-	X	-	neg			
			DS7	18	9,3	X	X	X	X	pos			
			Ex 8 VSE	20	9,3	X	X	X	X	pos			
			DO 1928	Fe re	Ex I JYS	6	9,3	-	-	-	-	nd	Rhesus positiv
			DO HS/GK 1461	DO 3157	Ti II	Ex 5 VSE	4	6	X	-	(X)	-	neg
Ex 5 VSE	12	9,3				X	-	X	X	pos			
Ex 6 VSE	12	9,3				-	-	X	-	(neg)			
Ex I VSE	18	9,3				X	-	-	-	(neg)			
Ex 5 VSE	19	9,3				-	-	(X)	-	(neg)			
Ex 7 VSE	22	9,3				X	-	X	-	neg			
Ex 7 VSE	24	9,3				X	-	X	X	pos			
Ex 5 VSE	25	<15				X	-	X	X	pos			
Ex 6 VSE	25	15				X	-	X	-	neg			
Ex 7 VSE	25	<15				X	-	X	-	neg	(Rhesus positiv)		
DO HS/GK/BS 1471	DO 1471	Fe II	Ex 2	6	5	-	-	X	-	(neg)			
			Ex 2/MP XIX	12	9,3	-	X	-	-	(pos)			
			L-Mex XXIII	12	9,3	-	X	-	-	(pos)			
			Ex 3 VSE	17	9,3	X	X	X	X	pos			
			Ex 3 VSE	19	9,3	X	X	X	X	pos			
			Ex 4 VSE	22	9,3	X	X	X	X	pos	Rhesus positiv		
DO RG/BS/DS 1482 (M3)	DO 1911	Fe II	Ex 1 VSE	2	5	X	X	X	X	pos.			
			Ex 1 VSE	3	5	X	X	X	X	pos.			
			EZ1/Ex 1	9	9,3	X	X	X	X	pos.			
			Ex 2 VSE	18	5	X	X	X	X	pos.	Rhesus positiv		
DO RG/BS 1500 (F2)	DO 1827.01	Fe re	Ex 1 JYS	5	5	X	X	X	X	pos			
			Ex 1 JYS	9	5	X	X	X	X	pos			
			Ex 2 VSE	17	5	X	X	X	X	pos			
			Ex 2 VSE	19	4	X	X	X	X	pos	Rhesus positiv		
DO HS/GK 1547.03	DO 3299	Ti re	Ex 2 VSE	4	5	X	X	X	X	pos			
			XXXI	12	9,3	-	-	X	-	(neg)			
			Ex 2 VSE	14	5	X	-	X	-	neg			
			Ex 3 VSE	18	5	-	X	X	X	pos			
			Ex 3 VSE	20	7	X	X	X	X	pos			
			Ex 2 VSE/XXXI	23	7	-	-	X	-	(neg)			
Ex 1 VSE	24	9,3	X	-	X	X	pos	Rhesus positiv					
DO HS/GK 1548.01	DO 1548.01	Ti re	Ex 5 VSE	4	5	X	X	X	X	pos			
			Ex 3 VSE	12	7	-	-	-	-	nd			
			Ex 5 VSE	14	5	X	X	X	X	pos			
			Ex 7 VSE	18	9,3	X	X	X	-	pos			
			Ex 7 VSE	19	9,3	X	-	X	X	pos	Rhesus positiv		
DO HS/GK 1585.03 (F19)	DO N 968.04	Hu II	Ex 6 VSE	1	5	X	X	X	X	pos			
	Ex 6 VSE		3	5	X	X	-	-	pos				
	Ex 3 VSE		11	9,3	-	-	X	X	pos				
	Ex 8 VSE		18	9,3	X	-	X	-	neg				
	Ex 10b		25	9,3	X	X	-	X	pos				
	DO 1585.07	Fe II	Ex 5 VSE	4	5	X	(X)	X	(X)	(pos)	Rhesus positiv		
DO BS/FK/GK/HS 1745.02	DO 3622	Fe II	Ex II THL	6	9,3	X	-	-	-	(neg)			
			Ex 1 PhChl	10	9,3	-	-	-	-	nd			
			XXVI/Ex 1 PhChl	10	9,3	X	-	X	X	pos	nd		
DO RG/BS 1905 (M9)	DO 1916	Fe II	Ex 2	6	5	X	X	X	X	pos			
	B		9	9,3	X	X	X	X	pos				
	B		16	9,3	X	X	X	X	pos				
	A		16	9,3	X	X	X	X	pos				
	DO 1917	Hu re	Ex 2 VSE	4	4	X	X	X	X	pos			
			Ex 2 VSE	10	4	X	X	X	X	pos			
			Ex 1 JYS	10	9,3	X	-	(X)	X	pos			
			Ex 1 JYS	16	9,3	X	-	(X)	X	pos	Rhesus positiv		
DO BS/FK 2030.01 (M6)	DO 2030.01	Fe II	b	2	6	-	-	X	-	(neg)			
			b	10	9,3	-	-	X	-	(neg)			
			A	10	9,3	-	-	X	-	(neg)			
			B	10	9,3	-	-	X	-	(neg)			
			Ex 1 VSE	17	7	X	-	X	-	neg			
			Ex 1 VSE	19	7	X	-	X	-	neg			
			Ex 2 VSE	22	7	X	-	X	X	pos			
			Ex 1 VSE	23	9,3	X	-	X	-	neg			
			Ex 2 VSE	24	7	X	-	X	-	neg	Rhesus negativ		

Fortsetzung Tabelle 55 (3/3): Einzeltypisierungsergebnisse zur Bestimmung der Ausprägung des Rhesusfaktors D

Individuum	FundNr	Element	Extrakt	PCR #	µl	RhDCE3	RhD4	RhDCE9	RhD1	RhD	Konsensus
DO GK/HS/RG 2588 (F15)	DO 2588	Ti re	Ex 2 VSE	1	5	X	-	(X)	-	(neg)	
			Ex 2 VSE	11	9,3	X	-	X	-	neg	
			SC/Ex 2 VSE	12	9,3	X	-	X	-	neg	
			Ex 1 VSE/Ex 2 VSE	18	9,3	X	-	X	-	neg	
			Ex 3 VSE	22	9,3	X	-	X	-	neg	Rhesus negativ
DO BS 3628 (F3)	DO 4374	Fe re	Ex 2	4	6	-	-	X	-	(neg)	
			Ex 3 VSE	11	9,3	X	-	X	-	neg	
			Ex 2/Ex 3	11	9,3	X	-	X	-	neg	
			Ex 3 VSE	16	9,3	-	-	X	-	(neg)	
			Ex 1 THL	16	9,3	-	-	-	-	nd	
			PhChl	16	9,3	-	-	X	-	(neg)	
			Ex 4 VSE	22	9,3	-	-	X	-	(neg)	
			Ex 4 VSE	23	9,3	X	-	-	-	(neg)	
			Ex 4 VSE	24	9,3	-	-	X	-	(neg)	(Rhesus negativ)
DO BS 3695 (F4)	DO 4013	Hu re	Ex 1 THL	6	9,3	-	-	-	-	nd	
			Ex 2 VSE	17	9,3	X	X	X	X	pos	
			Ex 2 VSE	19	9,3	X	X	X	X	pos	
			Ex 3 VSE	22	9,3	X	X	X	X	pos	
			Ex 3 VSE	23	9,3	X	X	X	X	pos	Rhesus positiv
DO BS 3706 (F5/F11)	DO 3756	Fe li	A	6	5	X	X	X	X	pos	
			B	11	5	X	-	X	X	pos	
			B/A	14	5	X	X	X	X	pos	
			A	14	5	X	X	X	X	pos	Rhesus positiv
DO BS/FK 3742 (F9)	DO 3742	Fe li	A	6	6	X	-	X	-	neg	
			A	11	9,3	X	-	X	X	pos	
			B	12	9,3	X	X	X	X	pos	
			A	16	9,3	X	X	X	X	pos	
			B/A	16	9,3	X	X	X	X	pos	Rhesus positiv
DO BS/RG 3748 (F8)	DO 3635	Fe re	Ex 3 VSE	2	5	X	X	X	X	pos	
			Ex 3 VSE	3	5	X	X	X	X	pos	
			Ex 1 THL	11	9,3	X	X	-	X	pos	
			Ex 1 THL	16	9,3	-	-	X	-	(neg)	
	DO 5521	Hu re	Ex 4 VSE	20	9,3	X	X	X	X	pos	
			Ex 3 VSE	1	5	X	X	X	X	pos	
			Ex 3 VSE	3	5	X	X	X	X	pos	
			Ex 1 THL	11	9,3	X	X	X	X	pos	
			Ex 1 THL	14	9,3	X	X	X	X	pos	Rhesus positiv
DO BS 3757 (M8)	DO 3757	Calv	Ex 3 DOS	1	5	X	X	X	X	pos	
			Ex 3 DOS	3	5	X	X	(X)	X	pos	
			Ex 1 DOS	11	5	X	X	X	X	pos	
			Ex 1 DOS	13	9,3	X	X	X	-	pos	Rhesus positiv
DO BS/FK 4008 (M5)	DO 908	Calv	M5 NEU	1	5	X	-	(X)	-	neg	
			II	10	9,3	X	X	-	-	pos	
			I	10	9,3	-	-	-	-	nd	
			Ex 3	10	9,3	X	-	X	-	neg	
			DO 2096	Ti re	Ex 1 VSE	17	5	X	X	X	-
			Ex 1 VSE	19	6	X	X	X	-	pos	
			Ex 2 VSE	22	9,3	X	-	X	-	neg	
			Ex 2 VSE	23	9,3	X	-	X	-	neg	
			Ex 2 VSE	24	6	X	-	X	-	neg	
			Ex 1 VSE	25	15	X	-	X	-	neg	
			Ex 2 VSE	25	<15	X	X	-	X	pos	
	DO 3752	Fe re	Ex 3 VSE	4	7	-	-	(X)	-	(neg)	
	DO 4767	Hu re	Ex 2 VSE	17	7	X	-	X	-	neg	
			Ex 1 THL	18	9,3	-	-	(X)	-	(neg)	
			Ex 2 VSE	19	7	X	-	X	-	neg	
		Ex 3 VSE	22	9,3	X	-	X	X	pos		
		Ex 2 VSE	23	9,3	X	-	X	-	neg		
		Ex 3 VSE	24	9,3	X	-	X	-	neg	(Rhesus positiv)	
DO BS 5517 (F6)	DO 4032.01	Calc li	Ex 1	6	5	X	-	X	-	neg	
			Ex 1	11	9,3	X	-	X	-	neg	
			Ex 2/Ex 4	12	9,3	X	-	X	-	neg	
			Ex 4	16	9,3	-	-	X	-	(neg)	
			Ex 4	22	9,3	X	-	X	-	neg	Rhesus negativ