Aus der Abteilung Kardiologie und Pneumologie (Prof. Dr. med. G. Hasenfuß) im Zentrum Innere Medizin der Medizinischen Fakultät der Universität Göttingen

Regulation nukleoplasmatischer Kalziumtransienten in Kardiomyozyten

INAUGURAL - DISSERTATION

zur Erlangung des Doktorgrades

der Medizinischen Fakultät

der Georg-August-Universität zu Göttingen

vorgelegt von

Mojib Ahmad Asgarzoei

aus

Kabul (Afghanistan)

Göttingen 2012

De k a n: Prof. Dr. Michael P. Schön

- I. Berichterstatter: Prof. Dr. rer. nat. J. Kockskämper
- II. Berichterstatter/in:
- III. Berichterstatter/in:

Tag der mündlichen Prüfung:

Inhaltsverzeichnis

1. Einleitung	9
1.1 Anatomie und Funktion des Herzens	9
1.2 Elektrische Erregung der Herzmuskelzelle	10
1.3 Kalziuminduzierte Kalziumfreisetzung	12
1.4 Ca ²⁺ und seine Regulation im Zellkern	15
1.5 Zielsetzung der Arbeit	19
2. Material und Methoden	20
2.1 Isolation der Kaninchenmyozyten	20
2.1.1 Lösungen und Substanzen	20
2.1.1.1 Pufferlösung	20
2.1.1.2 Kollagenaselösung	20
2.1.1.3 Stopplösung	21
2.1.1.4 Albuminlösung	21
2.1.2 Myozytenisolation	21
2.2 Isolation der Mäusemyozyten	22
2.2.1 Lösungen und Substanzen	22
2.2.1.1 Pufferlösung	22
2.2.1.2 Kollagenaselösung	22
2.2.2 Myozytenisolation	22
2.3 Vorbereitung zur Messung	22
2.3.1 Lösungen und Substanzen	22
2.3.1.1 Fluo-4/AM	22

2.3.1.2 Laminin	23
2.3.1.3 Forskolin	23
2.3.2 Ausplattieren der Zellen und Beladung mit Fluo-4/AM	24
2.4 Messapperatur	24
2.5 Durchführung einer Messung	25
2.6 Auswertung	25
2.6.1 Analyse der elektrisch stimulierten [Ca ²⁺]-Transienten	25
2.6.2 Kalibrierung der [Ca ²⁺]-Konzentration aus den	
Fluoreszenzänderungen	26
2.6.3 Statistik	28
3. Ergebnisse	29
3.1 Frequenzabhängige Ca ²⁺ -Änderungen in Kaninchenventrikelmyozyten	29
3.1.1 Frequenzabhängige Änderungen des diastolischen Ca ²⁺	29
3.1.2 Frequenzabhängige Änderungen des systolischen Ca ²⁺	31
3.1.3 Zeit bis zum Erreichen des systolischen maximalen Ca ²⁺	32
3.1.4 Zeitkonstante des Abfalls des Ca ²⁺ -Transienten	32
3.2 Frequenzabhängige Ca ²⁺ -Änderungen in Kaninchenvorhofmyozyten	32
3.2.1 Frequenzanhängige Änderungen des diastolischen Ca ²⁺	33
3.2.2 Frequenzabhängige Änderungen des systolischen Ca ²⁺	33
3.2.3 Zeit bis zum Erreichen des systolischen maximalen Ca^{2+}	35
3.2.4 Zeitkonstante des Abfalls des Ca ²⁺ -Transienten	35
3.3 Frequenzabhängige Ca ²⁺ -Änderungen in Mausventrikelmyozyten	35
3.3.1 Frequenzabhängige Änderungen des diastolischen Ca ²⁺	36
3.3.2 Frequenzabhängige Änderungen der systolischen Kalziumspiegel	36
3.3.3 Zeit bis zum Erreichen des systolischen Ca ²⁺	38
3.3.4 Abfall des Ca ²⁺ Transienten	38
3.4 Ca ²⁺ -Änderungen in Vorhofmyozyten des Kaninchens nach definierter Paus	se
Stimulation	40
3.4.1 Änderung des diastolischen Ca ²⁺ nach der Stimulationspause	40
3.4.2 Änderung des systolischen Ca ²⁺ nach der Stimulationspause	41
3.5 Ca ²⁺ -Änderungen in Ventrikelmyozyten der Maus nach definierter Pause de	r
Stimulation	41
3.5.1 Änderung des diastolischen Ca ²⁺ nach der Stimulationspause	41

3.5.2 Änderung des systolischen Ca ²⁺ nach der Stimulationspause	43
3.6 Änderung des systolischen und diastolischen Ca ²⁺ in Mäusekardiomyozyten	
unter pharmakologischer Beeinflussung durch Forskolin	45
3.6.1 Veränderungen des diastolischen Ca ²⁺ unter Forskolin	46
3.6.2 Veränderungen des systolischen Ca ²⁺ unter Forskolin	46
3.6.3 Zeit bis zum Erreichen des systolischen Ca ²⁺	49
3.6.4 Abfall des Ca ²⁺ -Transienten	49
3.7 Zellkerne und perinukleäre Ca ²⁺ -Speicher in Kardiomyozyten	
des Kaninchens	49
3.7.1 Ausmaße des Zellkerns in Ventrikel- und Vorhofmyozyten des	
Kaninchens	51
3.7.2 Kerntubuli	51
4. Diskussion	53
4.1 Frequenzabhängige Änderungen des Ca ²⁺ -Spiegels	54
4.2 Frequenzabhängige Änderung der Kinetik des Ca ²⁺ -Transienten	56
4.3 Änderungen des Ca ²⁺ -Transienten nach Forskolingabe	58
4.4 Unterschiedliche Regulation des Ca ²⁺ im Kern und im Zytoplasma	59
4.5 Die Kernhülle und die nukleären Tubuli	60
5. Zusammenfassung	62

6. Literaturverzeichnis

64

Abbildungsverzeichnis

1.1 Goldman-Hodgkin-Katz-Gleichung	11
1.2 Schema der T-Tubuli des Sarkolemms und der Lokalisation der	
L-Typ-Kalzium-Kanäle und Ryanodin-Rezeptoren	13
2.1 Auswertung	27
3.1 Frequenzabhängige Änderungen des Ca ²⁺ in Ventrikelmyozyten des Kaninchens	30
3.2 Ergebnisse der frequenzabhängigen Änderungen des Ca ²⁺ in Vorhofmyozyten des	
Kaninchens	34
3.3 Diastolische und systolische frequenzabhängige Ca ²⁺ -Änderungen in	
Ventrikelmyozyten der Maus Teil 1	37
3.4 Diastolische und systolische frequenzabhängige Ca ²⁺ -Änderungen in	
Ventrikelmyozyten der Maus Teil 2	39
3.5 Ca ²⁺ in Vorhofmyozyten des Kaninchens nach einer Stimulationspause	42
3.6 Ca ²⁺ in Ventrikelmyozyten der Maus nach einer Stimulationspause	44
3.7 Ca ²⁺ -Änderungen nach Applikation von Forskolin Teil 1	47
3.8 Ca ²⁺ -Änderungen nach Applikation von Forskolin Teil 2	48
3.9 Färbung der intrazellulären Ca ²⁺ -Speicher der Ventrikel- und Vorhofmyozyten des	
Kaninchens	50
3.10 Anzahl der Kerntubuli	52

Abkürzungsverzeichnis

AMP	Adenosinmonophosphat
ANOVA	analysis of variance
AP-1	activation protein-1
ATF-1	activating transcription factor-1
ATP	Adenosintriphosphat
BDM	2,3-Butandionmonoxim
DNA	Desoxyribonukleinsäure
DREAM	Downstream Regulatory Element Antagonist Modulator
[Ca2+]	Ca ²⁺ -Konzentration
CaM	Calmodulin
СаМК	Ca ²⁺ /CaM-abhängige Proteinkinase
cAMP	Zyklisches Adenosinmonophosphat
CREB	Cyclic-AMP-Response-Element-Binding-Protein
CRM1	chromosomal region maintenance protein 1
DAG	Diacylglycerin
DHPR	Dihydropyridinrezeptor
DMSO	Dimethylsulfoxid
Fluo-4/AM	Fluo-4/Azetoxymethylester
HDAC	Histondeacetylasen
HEPES	2-(4-(2-Hydroxyethyl)-1-piperazin)-Ethansulfonsäure
FKBP12.6	FK506-Bindungsprotein 12.6
IP3	Inositoltrisphosphat
IP3R	Inositoltrisphosphatrezeptor
kDA	Kilo-Dalton
M	mol/l
MEF2	myocyte enhancer factor 2
mRNA	messenger RNA
MW	molecular weight / Molekulargewicht
NCX	Na ⁺ /Ca ²⁺ -Austauscher

NFAT	nuclear factor of activated T-cells					
рН	negativer	dekadischer	Logarithmus	der	Protonen-	
	Konzentration					
PIP2	Phosphatidylinositol-4,5-bisphosphat					
РКА	Proteinkinase A					
PKD	Proteinkinase D					
PLC	Phospholipase C					
RT50	relaxation time 50%					
RYR	Ryanodinrezeptor					
SEM	Standard error of the mean					
SERCA	Ca ²⁺ ATPase des sarkoplasmatischen/endoplasmatischen					
	Retikulums	5				
SRF	serum response factor					
ТТР	Time to peak					

1. Einleitung

1.1 Anatomie und Funktion des Herzens

Dem Herzen ist im Organismus eine wesentliche Rolle zugeordnet. Sein Gewicht beträgt ca. 300g, lokalisiert ist es thorakal im mittleren Mediastinum. Es ist ein großer Muskel, welcher durch ein eigenes aus Bindegewebe bestehendes Skelett, das Herzskelett, gestützt wird. Das Herz funktioniert wie eine Pumpe, welche aus verschiedenen Teilen besteht. Diese Pumpe setzt sich aus 4 Hohlräumen zusammen, welche durch 4 Klappen voneinander getrennt werden. Man teilt das Herz ein in ein rechtes und ein linkes Herz. Beide bestehen aus je einem Vorhof, welcher mit einer Kammer verbunden ist. Das sauerstoffarme Blut gelangt aus dem großen Kreislauf, welcher alle Organe bis auf die Lunge umfasst, über die obere und untere Hohlvene (Vv. cavae superior et inferior) in den rechten Vorhof. Von dort aus gelangt es über eine Herzklappe, die Trikuspidalklappe, in die rechte Herzkammer. An die rechte Herzkammer ist der Pulmonalstamm angeschlossen, der sich in zwei Pulmonalarterien aufspaltet, welche in die Lunge ziehen. Zwischen Pulmonalstamm und rechter Herzkammer befindet sich die Pulmonalklappe. Die rechte Kammer pumpt das Blut über die Lungenarterien in die Lunge, wo das Blut mit Sauerstoff angereichert wird und über die Lungenenvenen in den linken Vorhof gelangt. Dieser ist mit der linken Kammer verbunden, wird von dieser allerdings auch durch eine Herzklappe, die Mitralklappe, getrennt. An die linke Kammer ist die Aorta, die Hauptschlagader, angeschlossen. Auch liegt hier, wie zwischen rechter Kammer und Pulmonalarterie, eine Herzklappe, die Aortenklappe. Die linke Kammer pumpt das mit Sauerstoff gesättigte Blut über die Aorta in den großen Kreislauf. Hierbei sorgen die Herzklappen dafür, dass das Blut immer nur in eine Richtung fließt und verhindern einen Rückstrom in die entgegengesetzte Richtung.

Wenn die beiden Kammern kontrahieren, öffnen sich die Pulmonal- und Aortenklappe, um einen Blutfluss in die Richtung des großen Kreislaufs (Körperkreislauf über die Aorta) und des kleinen Kreislaufs (Lungenkreislauf über Pulmonalarterie) zu gewährleisten. Gleichzeitig schließen sich die Herzklappen zwischen den Kammern und den Vorhöfen (Trikuspidal- und Mitralklappe), damit das Blut nicht von den Kammern in die Vorhöfe gelangt. Während dessen füllen sich die Vorhöfe passiv wieder mit Blut, welches jedoch durch die geschlossenen Klappen vorerst nicht in die Kammern gelangt. Diesen Vorgang nennt man die Systole. Nachdem das Blut aus den Kammern gepumpt wurde, erschlafft das Herz. Pulmonalund Aortenklappe schließen sich, damit das Blut aus den Gefäßen nicht zurück in das Herz strömt. Gleichzeitig öffnen sich die Klappen zwischen Kammern und Vorhöfen, damit das Blut aus den Vorhöfen in die Kammern gelangt. Hierbei erfolgen nur etwa 20% bis 30% der Füllung durch aktive Kontraktion der Vorhöfe, der Rest gelangt passiv in die Kammern. Diesen Vorgang nennt man Diastole.

Modifiziert werden diese Aktionen durch das vegetative Nervensystem. Bei steigender Belastung muss eine Erhöhung des Herzzeitvolumens zur erhöhten Durchblutung der Organe erfolgen. Das vegetative Nervensystem kann in zwei Teile aufgeteilt werden, die als Gegenspieler verstanden werden können. Der Sympathikus erhöht die Herzfrequenz (positivchronotroper Effekt) und steigert die Kraft (positiv-inotroper Effekt), der Parasympathikus wirkt gegenteilig. Die Nervenfasern des Sympathikus, welche das Herz innervieren (Nervi cardiaci), kommen aus den zervikalen Ganglien. Die parasympathischen Fasern entstammen dem Nervus vagus, dem 10. Hirnnerven. Sowohl sympathische als auch parasympathische Fasern innervieren den Sinusknoten, welcher sich in der Wand des rechten Vorhofs in der Nähe der Einmündung der oberen Hohlvene befindet.

1.2 Elektrische Erregung der Herzmuskelzelle

Der Herzmuskel besteht aus Muskelzellen, den Kardiomyozyten. Diese arbeiten im Verbund als funktionelle Einheit. Am Beginn jeder Herzmuskelkontraktion steht die elektrische Erregung der Zelle. Zwischen dem Inneren der Zelle und dem Extrazellulärraum herrscht über der Zellmembran eine Ladungsdifferenz, welche durch eine Konzentrationsdifferenz verschiedener Ionen zwischen diesen beiden Kompartimenten und der selektiven Permeabilität für bestimmte Ionenspezies gewährleistet wird. Man spricht hierbei auch vom Ruhemembranpotenzial. Bei Konzentrationsunterschieden über dieser für Ionen permeablen Membran erfolgt eine Diffusion der Ionen durch die Membran entlang des Konzentrationsgefälles. Gleichzeitig wird aber auch eine elektrische Ladung verschoben. Durch diese Ladungsverschiebung entsteht ein elektrisches Feld, dessen Feldstärke von der über die Membran verschobenen Ladungsmenge abhängt. Das elektrische Feld lässt sich durch eine Potentialdifferenz über der Membran nachweisen. In dem elektrischen Feld wirkt auf die Ionen eine Kraft, die in ihrer Richtung dem Konzentrationsgefälle entgegengesetzt ist und dadurch die Ionen in dem Bestreben, die Membran zu durchtreten, behindert. Die wirkende Kraft ist proportional zur elektrischen Feldstärke. Es stellt sich ein stabiles

elektrische Potential ein, bei dem die auf die Ionen wirkende Kraft gerade so groß ist, dass ein Durchtritt der Ionen durch die Membran entlang des Konzentrationsgefälles verhindert wird. Hier besteht also ein Gleichgewicht eines Konzentrationsgradienten und eines entgegengesetzten elektrischen Gradienten.

Die Permeabilität der Zellmembran ist für die verschiedenen Ionen unterschiedlich groß. Dies wird bei der Berechnung des Membranpotentials nach Goldman, Hodgkin und Katz (Clay 2009) berücksichtigt (Abbildung 1.1). Mit der Goldman-Hodgkin-Katz-Gleichung ergibt sich ein Ruhemembranpotential von ca. -90 mV. Dieser Wert lässt sich auch experimentell nachweisen.

$$U_M = \frac{RT}{F} \cdot \ln \frac{p_{Na} \cdot [Na^+]_a + p_K \cdot [K^+]_a + p_{Cl} \cdot [Cl^-]_i}{p_{Na} \cdot [Na^+]_i + p_K \cdot [K^+]_i + p_{Cl} \cdot [Cl^-]_a}$$

Abbildung 1.1 – Goldman-Hodgkin-Katz-Gleichung. Hierbei handelt es sich um die Gleichung, welche zur Errechnung des Ruhemembranpotentials verwendet wird. R steht hier für die universelle Gaskonstante, T für die absolute Temperatur in Kelvin, F für die Faradaysche Konstante, P für die Permeabilität (leitet sich aus dem Fickschen Diffusionsgesetz ab und ist der Quotient aus der Diffusionskonstanten und der Membrandicke), K für Kalium, Na für Natrium und Cl für Chlorid. Berechnet wird hierbei die Membranspannung in mV.

Vornehmlich verantwortlich ist hierfür das K⁺, dessen Gleichgewichtspotenzial über der Zellmembran in Ruhe bei ca. -90 mV liegt und für das die Membran unter Ruhebedingungen die größte Permeabilität besitzt. Das Ruhemembranpotenzial der Zelle liegt, mit beeinflusst durch die anderen Ionen, bei ca. -85 mV. Die Zellmembran ist mit verschiedenen Kanälen durchsetzt, von denen einige für Ionen spezifisch sind und somit einerseits das Ruhemembranpotenzial aufrechterhalten und andererseits die Depolarisation der Zelle ermöglichen. Im Herzen handelt es sich hierbei hauptsächlich um Na⁺-, K⁺- und Ca²⁺-Kanäle. Trifft die Erregung auf die Zelle, kommt es zur Depolarisation des Membranpotenzials. Ab einem Schwellenwert von ca. -60 mV öffnen sich die spannungsgesteuerten Na⁺-Kanäle, wodurch es entsprechend dem elektrochemischen Gradienten zum Einstrom von Na⁺-Ionen in die Zelle kommt. Das Membranpotenzial kann nun auf einen Wert von ca. +30 mV steigen.

Diese Phase des Aktionspotenzials wird Aufstrich (Phase 0) genannt und dauert ca. 1 Millisekunde (ms). Die Na⁺-Kanäle werden unmittelbar nach diesem schnellen Aufstrich inaktiviert. Durch eine Zunahme der Permeabilität der Zellmembran für K⁺ zu Beginn des Aktionspotenzials(durch die Aktivierung des transienten Auswärtsstroms) wird der K⁺-Ausstrom kurzzeitig gesteigert. Während dieser Zeit fällt das Membranpotential von einer initialen Spitze aus leicht ab, dieser Abschnitt wird Phase 1 genannt. Etwas verzögert gegenüber den Na⁺-Kanälen öffnen sich die Ca²⁺-Kanäle und Ca²⁺-Ionen strömen in die Zelle. Der Ca²⁺-Einstrom wirkt der Repolarisation der Zelle entgegen. Man nennt diese Phase, in der sich das Membranpotential über einen relativ langen Zeitraum (ca. 200-250 ms) nur wenig repolarisiert, die Plateauphase (Phase 2). Während der Plateauphase steigt die Permeabilität der Zellmembran für K⁺ wieder auf Werte etwas über dem Ruhewert an. Die Permeabilität für Ca²⁺ nimmt gleichzeitig ab. Durch den jetzt stark zunehmenden K⁺-Ausstrom repolarisiert sich die Zellmembran (Repolarisationsphase, Phase 3) und es kommt zur Rückkehr zum Ruhemembranpotenzial.

Herzmuskelzellen zeigen eine ausgeprägte Refraktärphase, d. h. eine Phase, in der kein neues Aktionspotential ausgelöst werden kann. Die absolute Refraktärphase beginnt unmittelbar mit dem schnellen Aufstrich des Aktionspotentials. Innerhalb dieser Phase kann, auch durch sehr starke Reize, kein neues Aktionspotential ausgelöst werden. Erst gegen Ende der Repolarisation können in der Amplitude abgeschwächte und zeitlich verkürzte Aktionspotentiale ausgelöst werden. Man nennt diese Phase relative Refraktärphase. Erst nach der relativen Refraktärphase können wieder in Amplitude und Dauer reguläre Aktionspotentiale ausgelöst werden. Ursache für das refraktäre Verhalten der Herzmuskelzelle ist eine anhaltende Inaktivierung des Na⁺-Kanals während der Depolarisationsphase. Erst nach Repolarisation auf Werte kleiner -40 mV setzt die Erholung des Na⁺-Kanals ein.

1.3 Kalziuminduzierte Kalziumfreisetzung

Nach Inaktivierung der spannungsabhängigen Na⁺-Kanäle kommt es zur Öffnung der L-Typ-Ca²⁺-Kanäle (auch Dihydropyridinrezeptoren (DHPRs) genannt). In regelmäßigen Abständen ziehen vom Sarkolemm Einstülpungen in die Tiefe, die sog. T-Tubuli, in diesen befinden sich die DHPRs.

Auf der intrazellulären Seite des Sarkolemms befindet sich nahe den DHPRs das sarkoplasmatische Retikulum, in dessen Membran u.a. die Ryanodinrezeptoren (RyRs) lokalisiert sind (siehe Abbildung 1.2). Nach Bindung von Ca^{2+} an diese Rezeptoren, die Ca^{2+} -permeable Kanäle sind, kommt es zur Ca^{2+} -Freisetzung aus dem sarkoplasmatischem Retikulum, der sog. kalziuminduzierten Kalziumfreisetzung (Bers 2002).

In der Membran des sarkoplasmatischen Retikulums lassen sich Cluster von ca. 100 RyRs finden, denen gegenüber sich Cluster von ca. 10-25 DHPRs befinden (Bers 2002). Diese lokale sarkoplasmatische Kalziumfreisetzungseinheit wird Couplon genannt, jeder Kardiomyozyt besitzt ca. 10.000 dieser Couplons (Franzini-Armstrong et al. 1999).



Abbildung 1.2 – Schema der T-Tubuli des Sarkolemms und der Lokalisation der L-Typ-Kalzium-Kanäle und Ryanodin-Rezeptoren: Zu sehen ist die schematische Darstellung eines T-Tubulus des Sarkolemms. Über den L-Typ-Ca²⁺-Kanal gelangen die Ca²⁺-Ionen während eines Aktionspotenzials nach intrazellulär, wo sie an den Ryanodinrezeptor in der Membran des sarkoplasmatischen Retikulums binden, zu dessen Öffnung führen und dadurch die Freisetzung des dort gespeicherten Ca²⁺ bewirken.

Dies ist für die Kontraktion der Zelle essenziell, da während der Kontraktion ein Großteil des benötigten Ca²⁺ aus den intrazellulären Speichern des sarkoplasmatischen Retikulums stammt, für dessen Freisetzung der RyR hauptsächlich verantwortlich ist (Bers 2002).

Es kommt jedoch nicht zu einer vollständigen Entladung der Ca²⁺-Speicher des sarkoplasmatischen Retikulums, was am ehesten auf eine Inaktivierung der RyRs zurückzuführen ist (Shannon et al. 2003).

Auch in Ruhe besteht eine geringe stochastische Wahrscheinlichkeit einer spontanen Entladung einzelner RyR-Cluster in Form von sog. Ca^{2+} -Sparks (Cheng H et al. 1993). In vielen Studien konnte jedoch beobachtet werden, dass bei einer Reduktion der Ca^{2+} -Beladung der Speicher auf ca. 40-50% der Normalkapazität die Frequenz der Sparks in der Diastole deutlich reduziert ist. Außerdem konnte gezeigt werden, dass in diesem Fall auch ein ansonsten ausreichender Ca^{2+} -Einstrom über die DHPRs keine adäquate Antwort der RyRs nach sich zieht. Dies lässt die Schlussfolgerung zu, dass die Kalziumkonzentration im Lumen des sarkoplasmatischen Retikulums die Ca^{2+} -Freisetzung über die RyRs sowohl in der Diastole als auch im Zuge der kalziuminduzierten Kalziumfreisetzung entscheidend mit reguliert (Bassani et al. 1995; Shannon et al. 2000; Bers 2001; Trafford et al. 2001).

Jedoch findet auch eine direkte Regulierung des RyR statt. Der RyR ist ein Teil eines Multiproteinkomplexes. In diesem Komplex finden sich das FK506-Bindungsprotein 12.6 (FKBP12.6), Calmodulin (CaM), die Proteinkinase A (PKA), die Ca²⁺/CaM abhängige Proteinkinase II (CaMKII), die Proteinphosphatasen PP1 und PPA2, ein Ankerprotein für die PKA (mAKAP) und andere Proteine wie Spinophilin, Calsequestrin und Sorcin (Bers 2004). Für die Entfernung des intrazellulären Ca²⁺ in der Diastole sind im Wesentlichen vier Mechanismen verantwortlich:

- Die sarkolemmale Ca²⁺-Pumpe (Ca²⁺-ATPase), welche unter Energieverbrauch (ATP) das Ca²⁺ nach extrazellulär transportiert.
- Der mitochondriale Ca^{2+} -Uniporter, der Ca^{2+} in die Mitochondrien gelangen lässt.
- Der sarkolemmale Na⁺/ Ca²⁺-Austauscher (NCX), welcher Na⁺ in die Zelle und im Austausch daf
 ür Ca²⁺ aus der Zelle transportiert.
- Die sarkoplasmatische/endoplasmatische Retikulum Ca²⁺-ATPase (SERCA), welche unter Energieverbrauch Ca²⁺ in das sarkoplasmatische Retikulum transportiert.

Bassani et al. (1994) konnten in Kaninchenmyozten (die menschlichen Kardiomyozyten in dieser Hinsicht ähneln) zeigen, dass über die SERCA ca. 70%, über den NCX ca. 28% und über die restlichen Mechanismen ca. 2% des Ca^{2+} in der Diastole abtransportiert werden. Somit wird ein Großteil des Ca^{2+} während der Diastole wieder in die intrazellulären Speicher transportiert.

1.4 Ca²⁺ und seine Regulation im Zellkern

Ca²⁺ übernimmt in der Zelle als Second Messenger eine Vielzahl an Funktionen. So ist es an elektrischer Erregung, Kontraktion, Apoptose, Sekretion und Gentranskription beteiligt (Bers 2008). Hierbei werden durch das Ca²⁺ meist spezifische Ca²⁺-Bindungsproteine aktiviert, wie z.B. CaM oder Troponin C. Dabei werden diese Bindungsproteine häufig durch lokale Ca²⁺-Erhöhungen aktiviert und nicht durch eine globale Ca²⁺-Erhöhung. Das bedeutet, dass es viele verschiedene, unabhängig voneinander ablaufende Ca²⁺-abhängige Prozesse gibt, die einzig durch lokale Ca²⁺-Erhöhungen ablaufen (Bers 2008). In den Mitochondrien z.B. hat Ca²⁺ über eine Aktivierung verschiedener Stoffwechselprozesse eine zentrale Vermittlerrolle im Gleichgewicht zwischen Energiebedarf und Energiebereitstellung (Denton und McCormack 1990; Territo et al. 2000; Bers 2008).

In den Mitochondrien z. B. hat Ca^{2+} über eine Aktivierung verschiedener Stoffwechselprozesse eine zentrale Vermittlerrolle im Gleichgewicht zwischen Energiebedarf und Energiebereitstellung (Denton und McCormack 1990; Territo et al. 2000; Bers 2008).

Diese Arbeit hat es sich zum Ziel gesetzt, vor allem den Zellkern und seine Ca²⁺-Regulierung zu untersuchen. Ca²⁺ hat hier eine Vielzahl von Funktionen. So hat es z.B. einen wesentlichen Einfluss auf die Apoptose und den Zellzyklus (Clapham 1995; Bers 2008). Weiterhin kann es über die Aktivierung von CaM eine Hypertrophie der Zelle bedingen (Gruver et al. 1993). Abhängig von zytosolischem und nukleärem Ca²⁺ ist die Aktivierung des im Zellkern gelegenen Cyclic-AMP-Response-Element-Binding-Proteins (CREB) (Dolmetsch et al. 2001). Auch der im Zellkern gelegene Transkriptionsfaktor Downstream Regulatory Element Antagonist Modulator (DREAM) wird durch nukleäres Ca²⁺ beeinflusst (Cheng HY et al. 2002). Über eine experimentelle, selektive Pufferung des nukleären Ca²⁺ mit Hilfe des Ca²⁺-Bindungsproteins Parvalbumin, das im Zellkern überexprimiert wurde, konnte eine Reduktion der Zellproliferation und Änderung des Zellzyklus beobachtet werden, wohingegen die Überexpression des Parvalbumins im Zytoplasma keinen der oben genannten Effekte zeigte (Rodrigues et al. 2007).

Wie oben erwähnt, ist CaM ein wichtiger Bestandteil des Ca²⁺-Signalweges der Regulation von Transkriptionsfaktoren und der damit verbundenen Hypertrophie des Herzens. CaM-Überexpression führt zur Hypertrophie (Gruver et al. 1993), im Gegensatz dazu verhindert eine verminderte CaM-Expression die Hypertrophie der Herzmuskelzellen (McDonough und Glembotski 1992). In vielen Studien konnte bei Erhöhungen des zytoplasmatischen Ca²⁺ eine Translokation von CaM aus dem Zytosol in den Zellkern beobachtet werden (Mermelstein et al. 2001; Thorogate und Torok 2004; Wu und Bers 2007). Wie das CaM in den Zellkern gelangt, ist bisher noch unklar. Es wird vermutet, dass es im Cotransport mit anderen Proteinen den Zellkern betritt (Thorogate und Torok 2007).

Bisher sind zwei Wege der CaM-induzierten Hypertrophie des Herzens bekannt. Ein wichtiger Ca²⁺-gesteuerter Signalweg läuft über Ca²⁺-Calmodulin-abhängige Proteinkinasen (CaMK). Die CaMK reguliert die Aktivität der Transkriptionsfaktoren *activation protein-1* (AP-1), *activating transcription factor-1* (ATF-1), *serum response factor* (SRF), CREB und des *myocyte enhancer factor 2* (MEF2) (Linseman et al. 2003). Hierbei scheint vor allem die CaM-abhängige Aktivierung von MEF2 einen starken Einfluss auf die Hypertrophie zu haben (Passier et al. 2000). Dabei scheint die Phosphorylierung von MEF2 weniger eine Rolle zu spielen, als die Bindung an Histondeacetylasen (HDAC). HDAC sind für die Transkription wesentliche Proteine. Durch die Deacetylierung des Lysins des N-Terminus der Histone mittels HDAC bekommt das Lysin wieder eine positive Ladung, wodurch sich die Affinität des Histons für das negativ geladene Phosphat-Gerüst der DNA erhöht. Die Transkription der DNA wird durch diese Blockierung herunterreguliert (Brehm et al. 1998).

Die HDAC werden in vier Klassen unterteilt, wovon in den Kardiomyozyten überwiegend die Klasse-II-HDAC (HDAC4, HDAC5, HDAC7 und HDAC9) gebildet werden, welche eine MEF2-Bindungsstelle am N-Terminus haben, die in keiner anderen HDAC zu finden ist (Backs und Olson 2006). Die Klasse II HDAC haben an ihrem N-Terminus zwei Serine, die, wenn sie phosphoryliert werden, an das Chaperon 14-3-3 binden. Dies hat zur Folge, dass der Komplex in seiner Gesamtheit durch das *chromosomal region maintenance protein 1* (CRM1) aus dem Zellkern exportiert wird. Auch wenn die CaMK die MEF2 phosphorylieren kann, so scheint die Phosphorylierung der HDAC ebenfalls durch die CaMK der entscheidende Schritt in diesem Mechanismus zu sein (Linseman et al. 2003; Backs und Olson 2006; Bers 2008). Aus diesem Mechanismus geht die essentielle Bedeutung des Ca²⁺ für die HDAC-MEF2-abhängige Regulation der Transkription hervor.

Ein weiterer Weg zur CaM-induzierten Hypertrophie des Herzens funktioniert über die Ca²⁺-CaM-Calcineurin-NFAT (*nuclear factor of activated T-cells*)-Kaskade. Calcineurin ist eine Phosphatase, welche zwei Untereinheiten (CnA und CnB) hat. CnA enthält die CaM-Bindungs- und Phosphorylierungsstelle, benötigt jedoch CnB, um dann aktiv zu werden (Bers 2008). Calcineurin dephosphoryliert NFAT, wodurch dieses in den Zellkern transportiert wird. Dort kann es zusammen mit dem Zink-Finger-Transkriptionsfaktor GATA4 zur Transkription hypertrophiefördernder Gene führen (Molketin 2004). Eine vermehrte Expression von NFAT und/oder Calcineurin führt zu massiver Hypertrophie und

Herzinsuffizienz (Bers 2008). Calcineurin besitzt eine um ein Vielfaches höhere Affinität zu Ca^{2+} -CaM als die CaMKII. Dies lässt vermuten, dass die Aktivierung der CaMKII eher durch hohe Ca^{2+} -Transienten in der Systole eingeleitet wird, während die Aktivierung von Calcineurin auch bei kleineren Ca^{2+} -Spiegeln in der Diastole abläuft (Dolmetsch et al. 1997). In Kardiomyozyten ist die subzelluläre Regulation dieser Signalwege noch unvollständig verstanden, jedoch steht die wesentliche Rolle des Ca^{2+} in Bezug auf die Regulation der Transkription und den daraus entstehenden Folgen außer Frage.

Morphologisch ist der Zellkern eine Struktur innerhalb der Zelle. Umgeben wird er von einer Kernhülle, welche von den Ausläufern des sarkoplasmatischen Retikulums gebildet wird und welche von Kanälen durchzogen ist (Fricker et al. 1997). Die Kernhülle besteht aus einer äußeren und einer inneren Schicht mit einem dazwischen liegenden Lumen, welches mit dem sarkoplasmatischen Retikulum verbunden ist (Wu und Bers 2006). Innerhalb des Lumens kann Ca²⁺ frei diffundieren. Somit bildet auch die Kernhülle einen Ca²⁺-Speicher, der strukturell und funktionell mit dem sarkoplasmatischen Retikulum verbunden ist (Wu und Bers 2006). In das Innere des Zellkerns ragen Ausläufer der Kernmembran, die das sog. nukleoplasmatische Retikulum bilden und ebenfalls mit den o.g. Rezeptoren ausgestattet sind (Guatimosim et al. 2008).

Wurde in früheren Zeiten noch angenommen, dass das Ca^{2+} nur passiv durch Diffusion durch die Kernporen während der Systole in den Zellkern gelangt (Genka et al. 1999), so konnte vorher die der schon gezeigt werden, dass Membran Kernhülle mit der Phosphatidylinositolphosphatkinase (Cocco et al. 1987; Divecha et al. 1991), der Phospholipase C (PLC) (Martelli et al. 2000; Berridge et al. 2003) und dem Inositoltrisphosphatrezeptor (IP₃R) (Koppler et al. 1993; Mak und Foskett 1994; Malviya 1994; Stehno-Bittel et al. 1995) wichtige Komponenten für eine aktive Ca²⁺-Freisetzung sowohl auf der Außen- wie auch der Innenseite besitzt (Stehno-Bittel et al. 1995). Durch die Bindung spezifischer Liganden an G-Protein-gekoppelte Rezeptoren, kommt es zu einer Aktivierung der PLC. Diese hydrolysiert Phosphatidylinositol-4,5-bisphosphat (PIP₂) zu Inositoltrisphosphat (IP₃) und Diacylglycerol (DAG). DAG wirkt als second messenger und trägt zur Aktivierung der Proteinkinase C bei. Die Proteinkinase C ihrerseits kann durch Enzymphosphorylierung die Genexpression beeinflussen. IP₃ bindet an den IP₃R, welcher ein unspezifischer Kationenkanal des sarkoplasmatischen Retikulums ist, bei dessen Aktivierung Ca²⁺ freigesetzt wird (Krauss 2001).

Von der PLC sind bisher 13 Isoenzyme bekannt, die in 6 Subgruppen unterteilt werden: β , γ , δ , ϵ , η und ζ (Cockcroft 2006), von denen die PLC- β_1 als die im Zellkern dominante Form

betrachtet wird (Faenza et al. 2008; Ye und Ahn 2008). Jedoch scheinen auch die anderen Isoformen nach neueren Studien eine wichtige Rolle zu spielen. So kann z. B. die im Zytoplasma lokalisierte PLC- δ_1 , nachdem sie Ca²⁺-abhängig aktiviert wurde, durch die Kernhülle in den Zellkern translozieren (Okada et al. 2005), um dort die PIP₂-Level, die DNA-Synthese und die Zellproliferation zu regulieren (Stallings et al. 2008).

Untersuchungen haben gezeigt, dass auf der dem Nukleoplasma zugewandten Seite der Kernhülle viele G-Protein-gekoppelte Rezeptoren, wie z.B. für Angiotensin II, Endothelin-1 und Prostaglandine (Coffey et al. 1997; Bkaily et al. 2006), vorhanden sind. Unklar ist bisher, wie und ob diese aktiviert werden. Einige Studien lassen vermuten, dass in Neuronen anhand spezifischer Transporter Neurotransmitter (wie z.B. Glutamat) in den Zellkern gelangen und die dort vorhandenen Rezeptoren aktivieren (Jong et al. 2005).

Weitere Untersuchungen haben gezeigt, dass besonders in der Umgebung des Zellkerns die Dichte der IP₃R am höchsten ist (Shirakawa und Miyazaki 1996; Thomas et al. 2000; Bootman et al. 2001; Vermassen et al. 2003; Higazi et al. 2009). Lange Zeit war klar, dass Ca^{2+} -Freisetzung in der Nähe des Zellkernes Effekte innerhalb desselben zeigte, wie z.B. eine Änderung der Transkription verschiedener Gene (Dolmetsch et al. 1998). Neuere Untersuchungen zeigten, dass durch eine IP3-gesteuerte Ca^{2+} -Freisetzung aus den perinuklären Speichern eine Aktivierung von Calcineurin stattfindet, welches seinerseits NFTA dephosphoryliert und den oben beschriebenen Signalweg einleitet (Higazi et al. 2009), und dass die IP3-gesteuerte nukleäre Ca^{2+} -Freisetzung eine Phosphorylierung von HDAC5 via CaMKII bewirkt (Wu et al. 2006).

In der Membran des Zellkerns wurden weiterhin mit PIP₂ und der PLC wichtige Komponenten des oben genannten Signalweges gefunden (Downes et al. 2005). Vermehrt wurden diese in kleinen Regionen des Zellkernes beobachtet, die man *nuclear speckles* (zu Deutsch etwa "Kernflecken") nennt und von denen man annimmt, dass sie Lagerstätten für prä-mRNA-Splicing-Faktoren sind. Bisher ist noch unklar, welchen Zweck die *nuclear speckles* erfüllen, jedoch weiß man, dass sie an der Produktion von Diacylglycerin und Inositoltrisphosphat zur Kontrolle der RNA-Produktion beteiligt sind (Alcazar-Roman und Wente 2008).

Kockskämper et al. (2008) konnten durch Zufuhr einer niedrigen Endothelin-1-Konzentration eine selektive Erhöhung des nukleären Ca^{2+} -Spiegels in adulten Kardiomyozyten erreichen und somit zum ersten Mal demonstrieren, dass eine nukleäre Regulation des Ca^{2+} unabhängig von der zytoplasmatischen erfolgen kann.

1.5 Zielsetzung der Arbeit

Nach wie vor ist die Ca^{2+} -Regulation im und um den Zellkern nicht hinreichend verstanden. Hat man bisher angenommen, dass das intranukleäre Ca^{2+} alleine passiv durch Diffusion durch die Kernporen reguliert wird, so verdichten sich die Hinweise, dass es auch eine autonome Ca^{2+} -Regulation des Zellkernes geben könnte. Dies könnte in Kardiomyozyten wesentliche Bedeutung für die Regulation der Transkription und die Entstehung von Hypertrophie haben.

Ziel dieser Arbeit war die Charakterisierung des nukleären Ca²⁺-Transienten in elektrisch stimulierten Kardiomyozyten unter verschiedenen physiologischen Bedingungen.

Es sollten folgende Fragen beantwortet werden:

- Kommt es zu einer frequenzabhängigen Änderung des nukleären Ca²⁺-Transienten?
- Kommt es zu einer pausenabhängigen Änderung des nukleären Ca²⁺-Transienten?
- Kommt es zu einer cAMP-abhängigen Änderung des nukleären Ca²⁺-Transienten?
- Zeigt sich eine unterschiedliche Regulation von zytoplasmatischem und nukleärem Ca²⁺-Transienten unter diesen Bedingungen?

Die Erhöhung der intrazellulären cAMP-Konzentration erfolgte mittels Forskolin, welches direkt die Adenylatzyklase aktiviert. Die dadurch verursachte cAMP-Erhöhung führt ihrerseits zur Stimulierung der Proteinkinase A.

2. Material und Methoden

2.1 Isolation der Kaninchenmyozyten

2.1.1 Lösungen und Substanzen

2.1.1.1 Pufferlösung

Als Pufferlösung wurde eine modifizierte Tyrode-Lösung verwendet. Gelöst wurden hier alle Substanzen in Aqua bidest. Die Konzentrationen betrugen 137 mM Natriumchlorid (NaCl), 5,4 mM Kaliumchlorid (KCl), 1,2 mM Magnesiumsulfat (MgSO₄), 20 mM 2-(4-(2-Hydroxyethyl)-1-piperazin)-Ethansulfonsäure (HEPES), 1,2 mM Dinatriumhydrogenphosphat (Na₂HPO₄) und 18 mM D-Glukose. Da diese Pufferlösung in der Regel einen saueren pH besaß, wurde durch Titration von 1 M Natriumhydroxid (NaOH) der pH auf 7,35 angehoben. Es handelte sich hierbei um eine nominell kalziumfreie Tyrodelösung. Nach der Isolation und dem Kalziumaufbau der Zellen wurde eine Tyrodelösung mit 2 mM Kalziumchlorid (CaCl₂) für den weiteren Versuchsablauf verwendet.

2.1.1.2 Kollagenaselösung

Die Enzymlösung sorgte dafür, die extrazellulären Kollagene aufzulösen, um die Myozyten aus dem Zellverband zu lösen. Als Medium dienten hier 80 ml der kalziumfreien Tyrodelösung. Die Konzentrationen der einzelnen Substanzen betrugen 60 mM Taurin (Sigma T9931) (7,5 mg/ml), 7 mM D,L-Glutaminsäure (Sigma G1126) (1,175 mg/ml), 2 mM DL-Carnitin (Sigma C9500) (0,39 mg/ml), 80 mg Kollagenase Typ 2 (Worthington, LS004177) (1 mg/ml), 11 Einheiten Protease XIV (Sigma P5147) (0,03 mg/ml) und 0,025 mM CaCl₂.

2.1.1.3 Stopp-Lösung

Auch hierfür diente die kalziumfreie Tyrodelösung als Grundlage. Die Stopp-Lösung enthielt zusätzlich 0,05 mM CaCl₂, 2% Albumin Fraktion V (Sigma A7517) und 20 mM 2,3-Butandion monoxim (BDM, Sigma B0753).

2.1.1.4 Albuminlösung

Für den letzten Waschgang der Isolation wurde diese Lösung verwendet. Sie bestand aus 500 ml M199-Medium (Sigma M7528), 5 mM Taurin (Sigma T9931) (0,635 mg/ml), 5 mM D, L-Carnitin (Sigma C9500) (1 mg/ml), 5 mM D,L-Kreatin (Sigma 291196) (0,655 mg/ml), 5 ml 100x Penicillin/Streptomyocin (Sigma P4333), 5 ml 2 mM L-Glutamin (PAA M11-004) und 6% Albumin Fraktion V (Sigma A7517) (375 mg/ml).

2.1.2 Myozytenisolation

Nach der Sedierung mit 2,5 ml Trapanal wurde der Brustkorb des Tieres eröffnet und das Herz entnommen.

Nun wurde die Spitze einer Kanüle in das Lumen der Aorta vorgeschoben und die Aorta an der Kanüle festgenäht, um alle Lösungen direkt über das koronare Gefäßsystem in das Herz leiten zu können. Anschließend wurde die Kanüle an der Langendorff-Anlage befestigt.

An dieser Anlage wurden sämtliche Lösungen, welche in das Herz geleitet wurden, vorher auf 37°C erwärmt, mit Sauerstoff begast und dann über die Kanüle retrograd in die Aorta geleitet, um von dort aus in das Koronarsystem zu gelangen.

Zunächst wurde das Herz mit 150-200 ml kalziumhaltiger Tyrodelösung (1 mM CaCl₂) perfundiert. Es erfolgte nach ca. 5 Minuten ein Wechsel auf 400 ml kalziumfreie Tyrodelösung, welche für ca. 10 Minuten perfundiert wurde. Anschließend wurde das Herz mit der Kollagenaselösung perfundiert, was ca. 12-13 Minuten dauerte. Schließlich erfolgte der Wechsel auf die Stopp-Lösung, von der 70 ml durch das Herz geleitet wurden.

Das Herz wurde dann von der Kanüle entfernt und unterhalb der Vorhöfe durchgeschnitten, wodurch Ventrikel und Vorhof getrennt wurden. Um eine Kalziumüberladung zu verhindern, erfolgte ein schrittweiser Kalziumaufbau mit Lösungen aufsteigender Kalziumkonzentration, bis die Kalziumkonzentration der Tyrodelösung 1 mM betrug.

2.2 Isolation der Mäusemyozyten

2.2.1 Lösungen und Substanzen

2.2.1.1 Pufferlösung

Hier wurde die oben genannte Tyrodelösung verwendet, mit dem Unterschied, dass die Konzentration der D-Glukose 10 mM betrug. Auch die Kalziumkonzentration der kalziumhaltigen Tyrodelösung wurde hier reduziert und betrug nun 0,5 mM CaCl₂.

2.2.1.2 Kollagenaselösung

Als Grundlage dienten hier 50 ml Tyrodelösung, die 0,025 mM CaCl₂ enthielt. Hinzu wurden 40 mg Kollagenase Typ 2 (Worthington, LS004177) gegeben (0,8 mg/ml).

2.2.2 Myozytenisolation

In einen Behälter wurden 400 ml Isofluran gegeben, um die Maus darin zu sedieren. Sobald die Maus sediert war, wurde diese mit 250 Einheiten Heparin intraperitoneal antikoaguliert. Anschließend erfolgte nach zervikaler Dislokation die Entnahme des Herzens. Unter dem Mikroskop erfolgte dann die Kanülierung der Aorta. Danach wurde das Herz an die Langendorff-Anlage angeschlossen. Zunächst wurde das Herz für 2 Minuten mit kalziumfreier Tyrodelösung und anschließend für 5 Minuten mit der Kollagenaselösung perfundiert.

Danach wurde das Herz von der Anlage genommen und es begannen die Zellisolierung und der Kalziumaufbau, der mit 0,5 mM CaCl₂-haltiger Tyrodelösung beendet wurde.

2.3 Vorbereitung zur Messung

2.3.1 Lösungen und Substanzen

2.3.1.1 Fluo-4/AM

Es handelte sich bei Fluo-4 um einen Fluoreszenzfarbstoff, mit dessen Hilfe es möglich war, Kalziumkonzentrationen im nano- und mikromolaren Bereich zu messen. Da Ca^{2+} sehr schnell von diesem Farbstoff dissoziiert, war es möglich, Messungen mit hoher zeitlicher Auflösung zu machen. Fluo-4 ist negativ geladen und kann nicht frei durch die Membran der Zelle diffundieren. Zu diesem Zweck erfolgte eine Veresterung des Farbstoffs, was zur Verwendung von nicht- Ca^{2+} -sensitivem Fluo-4/Azetoxymethylester (AM) führte. Fluo-4/AM kann frei durch die Zellmembran diffundieren und wird intrazellulär von unspezifischen Esterasen gespalten, so dass der Farbstoff wieder eine Ladung besitzt und die Zelle nicht mehr verlassen kann. In dieser Form kann Fluo-4 Ca^{2+} binden und fluoreszieren. Verwendet wurde hier 6,25 ml kalziumhaltige Tyrode-Lösung, in welche 50 µg Fluo-4/AM (MW 1096,95, Molecular Probes, F14201) und 20 µl Pluronic (Molecular Probes, P3000MP) gelöst wurden. Dadurch entstand eine 8 µM Fluo-4/AM-Konzentration. Die Lagerung erfolgte bei -20°C.

2.3.1.2 Laminin

Laminin ist ein Protein der Basalmembran, welches die Eigenschaft, besitzt Kollagene, Integrine und Proteoglykane (wie z. B. das Dystroglykan) zu binden (Timpl et al. 1984). Für den Versuch wurden 20 µl aus der mit NaCl versetzten Suspensionslösung des Laminin (Sigma L2020) (1 mg/ml) in 1 ml kalziumfreier Tyrodelösung verdünnt. Im Anschluss wurden Kulturschälchen mit einer geringen Menge dieser Lösung benetzt. Nach ca. 1 Stunde wurde die Laminin-haltige Lösung entfernt und anschließend die Zellsuspension aufgetragen. Dadurch konnten die Zellen am Boden des Kulturschälchens anhaften. Dies hatte den Sinn den Zellverlust durch wiederholte Waschvorgänge vor der Messung zu verringern. Die Lagerung erfolgte bei -65°C.

2.3.1.3 Forskolin

Forskolin ist ein aus dem Harfenstrauch *Coleus forskolii* gewonnenes Diterpen. Bis auf das Isoenzym IX werden alle Adenylatzyklasen vom Forskolin aktiviert, was zu einer Bildung von zyklischem Adenosinmonophosphat (cAMP) aus Adenosintriphosphat (ATP) führt. Hierdurch erfolgt eine Stimulierung der Proteinkinase A. Das für den Versuch verwendete Forskolin (MW 410,5, Sigma, F6886, 044K7042) wurde bei -20°C gelagert. Es wurden 2,1 mg in 510 µl Dimethylsulfoxid (DMSO) gelöst, dies entsprach einer 10-mM-Konzentration.

Am jeweiligen Versuchstag wurden dann 50 μ l dieser Lösung mit 50 ml kalziumhaltiger Tyrodelösung zu einer 10 μ M Lösung verdünnt, welche während der Messung eingesetzt wurde.

2.3.2 Ausplattieren der Zellen und Beladung mit Fluo-4/AM

Nach dem Laminieren der Kulturschälchen wurde die Zellsuspension aufgetragen. Es wurde 60 Minuten gewartet, damit eine möglichst hohe Zahl von Zellen am Boden des Schälchens anhafteten. Da es sich bei Fluo-4/AM um einen fluoreszierenden Farbstoff handelte, wurden alle weiteren Schritte im abgedunkelten Raum durchgeführt. Ein Tropfen der Farbstoff-haltigen Tyrodelösung wurde in Abhängigkeit vom jeweiligen Versuch für 20 Minuten (Messung der [Ca²⁺]-Transienten) oder 40 Minuten (Fotos Färbung der intrazellulären Ca²⁺-Speicher) im Schälchen belassen. Nach Ablauf dieser Zeit wurde mittels einer Pipette die Flüssigkeitssuspension, welche sich im Schälchen befand, entfernt und mit kalziumhaltiger Tyrode-Lösung aufgefüllt. Ein einmaliger Waschvorgang mit kalziumhaltiger Tyrodelösung folgte, um eventuell verbliebene Farbstoffreste aus dem Schälchen zu entfernen. Durchgeführt wurden diese Vorgänge, ebenso wie die folgenden Messungen, bei Raumtemperatur (22-25°C).

2.4 Messapparatur

Für die Messungen wurde ein Konfokalmikroskop der Firma VisiTech International (Sunderland, U.K.) verwendet.

Das verwendete Umkehrmikroskop stammte von der Firma Nikon (Eclipse TE 2000-U). Bei dem Objektiv handelte es sich um ein 40x-Ölimmersions-Objektiv (SFluor 40X/1.30 Oil, Nikon). Da es eine hohe numerische Apertur besaß (N.A. = 1.30), eignete es sich besonders gut für Fluoreszenzmessungen. Die numerische Apertur beschreibt das Vermögen des Objektivs, Licht zu sammeln. Sie bestimmt außerdem das Auflösungsvermögen. Links an das Mikroskop angeschlossen befand sich die konfokale Einheit, an welche ein Argonionen-Laser als Lichtquelle und eine hochempfindliche ICCD (*intensified charge-coupled device*)-Kamera (XR-Mega 10, Stanford Photonics, Palo Alto, U.S.A.) angeschlossen waren. Die Kamera ihrerseits war mit dem Messrechner verbunden, an welchen sie die Bilder übertrug. In der konfokalen Einheit befand sich die sog. Nipkowscheibe. Diese bestand aus zwei Scheiben, welche über eine Achse miteinander verbunden waren. Zwischen den Scheiben befand sich ein dichroischer Spiegel, welcher Licht in Abhängigkeit von seiner Wellenlänge reflektierte oder passieren ließ. Die dem Laser zugewandte Scheibe beinhaltete zahlreiche Mikrolinsen, die andere Scheibe besaß dazu korrespondierende Lochblenden. Über eine Stimulationseinheit (Scientific Instruments, Heidelberg) erfolgte die Erregung der Zellen. Zwei Kabel gingen von dieser Einheit aus und mündeten in Platindrähte, welche im Kulturschälchen platziert wurden. Hierüber erfolgte die elektrische Stimulierung. Für die Versuche mit Forskolin wurden zusätzlich eine Pumpe (MC-360, Schütt Labortechnik, Göttingen) und eine Superfusionsapparatur benötigt. Über die Superfusionsapparatur wurden die Versuchslösungen in das Schälchen geleitet, über die Pumpe erfolgte eine kontinuierliche Absaugung der Lösung in der Kulturschale, um ein Überlaufen zu verhindern.

2.5 Durchführung einer Messung

Zunächst wurde das Kulturschälchen auf dem Mikroskoptisch fixiert. Es erfolgte dann das Platzieren der Platindrähte der Stimulationseinheit innerhalb des Schälchens. Bei eingeschalteter Stimulation wurde eine Zelle ausgewählt, die sich entsprechend der Stimulation rhythmisch kontrahierte und fest am Boden haftete. Über den Laser wurde Licht der Wellenlänge 488 nm in die konfokale Einheit geleitet. Die Mikrolinsen fokussierten das Licht durch die Lochblenden, wodurch eine optimale Lichtausbeute erzielt wurde. Über ein System aus Spiegeln gelangte das Licht zum Kulturschälchen, wo es auf die Zellen traf und den Farbstoff erregte. Das vom fluoreszierenden Farbstoff ausgehende Licht gelangte auf demselben Weg durch die Lochblenden zurück, konnte jedoch, im Gegensatz zu dem Licht des Lasers, auf Grund seiner höheren Wellenlänge den dichroischen Spiegel nicht durchdringen und wurde so in Richtung Kamera reflektiert, welche ihre Daten auf den Messrechner übertrug. Es entstanden hierdurch mit 120 Hz zeitlicher Auflösung aufgenommene 2D-Videos, welche zur Auswertung verwendet wurden.

2.6 Auswertung

2.6.1 Analyse der elektrisch stimulierten [Ca²⁺]-Transienten

Anhand der Bilder (siehe Abbildung 2.1) erfolgte nun die Auswertung. Zu sehen sind eine Zelle und in der Mitte der Zelle der deutlich hervorstechende Zellkern. Um den Zellkern und um die Zelle wurden nun Markierungen gezogen, über welche mittels der zugehörigen

Analysesoftware (Camera Standalone, VisiTech International, Sunderland, U.K.) die Fluoreszenz gemessen wurde. Hierbei wurden Zellkern und Zelle getrennt voneinander beurteilt. Es wurde ebenfalls ein Teil des Hintergrunds markiert und die dort gemessene Hintergrund-Fluoreszenz ermittelt. Dieser Wert wurde von den Zell- und Zellkerndaten subtrahiert, um so die Fluoreszenz zu erhalten, die von der Zelle stammte. Inklusive dieses Schrittes erfolgten alle nun folgenden Auswertungen mit dem Programm Igor Pro (Wavemetrics, Oregon, U.S.A.).

Nachdem die Hintergrundfluoreszenz subtrahiert wurde, wurde die Fluoreszenz der Zelle ohne Stimulation gemessen, d. h. unter Ruhebedingungen (F_{Ruhe} oder F_0). Sämtliche Fluoreszenz-Werte der folgenden Messung wurden durch diesen Wert dividiert, wodurch die gemessene normierte Fluoreszenz zu Beginn jeder Messung 1 betrug (F/F_0). Somit konnte die relative Fluoreszenzänderung während der Messung in einer Zelle und im Vergleich zu anderen Zellen beurteilt werden.

Gemessen wurde die diastolische Fluoreszenz (Wert unmittelbar vor dem Beginn der Systole), der systolische Spitzenwert der Fluoreszenz, die Zeit, welche vom gemessenen diastolischen Wert bis zum systolischen Wert benötigt wurde, die Zeit zum Maximum oder Time to peak (TTP). Außerdem wurde der Abfall der Fluoreszenz mit einer monoexponentiellen Funktion gefittet. Die dabei erhaltene Geschwindigkeitskonstante k_2 wurde in die Zeitkonstante Tau (τ) umgerechnet ($\tau = 1/k_2$). Sämtliche Werte wurden getrennt für Zelle (= Zytoplasma) und Zellkern (= Nukleoplasma) ermittelt.

2.6.2. Kalibrierung der [Ca²⁺]-Konzentration aus den Fluoreszenzänderungen

Auf der Grundlage der von Grynkiewicz et al. (1985) formulierten Methode zur Kalibrierung von fluoreszierenden Ca^{2+} -Farbstoffen konnte eine Formel für die Kalibrierung von $[Ca^{2+}]$ aus der Fluoreszenz von Fluo-4 erstellt werden (Ljubojevic et al. 2011):







Abbildung 2.1 – Auswertung: In 1 ist eine Zelle mit Zellkern in Ruhe gezeigt. Die Markierungen, welche die Zelle (Grün), den Zellkern (Lila) und den Hintergrund (Weiß) umschließen, sind die Messareale, aus welchen das Analyseprogramm die Fluoreszenz ermittelt. In 2 ist eine Auswertung dieser Messdaten zu sehen. Angezeigt wird hier die Fluoreszenzänderung (y-Achse) in Abhängigkeit von der Zeit (x-Achse, in Millisekunden) bei elektrischer Stimulation. Die grüne Spur steht hierbei für die Fluoreszenzänderung der Zelle, die lila Spur für die Fluoreszenzänderung des Zellkerns. Markiert sind die in die Auswertung eingehenden Daten: Der diastolische Kalziumwert und der systolische Spitzenwert.

 $[Ca^{2+}] = K_d * (R * (K_d + R_f * [Ca^{2+}]_{rest}) - (K_d + [Ca^{2+}]_{rest})) / (R_f * (K_d + [Ca^{2+}]_{rest}) - R * (Kd + Rf * [Ca^{2+}]_{rest}))$

Hierbei war R_f die dynamische Breite (*dynamic range*) des Farbstoffs, das ist die maximale Fluoreszenz bei sättigenden Ca²⁺-Konzentrationen dividiert durch die minimale Fluoreszenz in Abwesenheit von Ca²⁺.

 K_d ist die Dissoziationskonstante der Ca^{2+} -Bindung an den Farbstoff. R entspricht der relativen Fluoreszenzänderung (F/F_{Ruhe}). [Ca²⁺]_{Rest} (Zellkern: 91 nM; Zytoplasma: 74 nM), K_d (Zellkern: 1212 nM; Zytoplasma: 1099 nM) und R_f (Zellkern: 71; Zytoplasma: 47) konnten experimentell für die Myozyten der Maus bestimmt werden, wodurch nun in Maus-Ventrikelmyozyten eine Kalibrierung des [Ca²⁺] aus der relativen Fluoreszenzänderung (R) möglich war (Ljubojevic et al. 2011).

2.6.3 Statistik

Aus den Ergebnissen der Messungen wurden die Mittelwerte für die gemessenen Parameter errechnet. Um die Variabilität der Daten zu bestimmen, wurde der mittlere Fehler des Mittelwertes (standard error of the mean, SEM) errechnet. In dieser Arbeit wurden die Ergebnisse als Mittelwert±SEM angegeben. Der Vergleich von Stichproben wurde mittels des Student-t-Tests für zwei verbundene oder für zwei unverbundene Stichproben durchgeführt.

Um zwischen verschiedenen Gruppen Unterschiede statistisch zu belegen, wurde die Varianzanalyse (analysis of variance, ANOVA) durchgeführt, gefolgt von einem Dunnettoder Bonferroni-Test. Als statistisch signifikant wurden Unterschiede mit einer Irrtumswahrscheinlichkeit < 0,05 (P < 0,05) bezeichnet.

3. Ergebnisse

3.1 Frequenzabhängige Ca²⁺-Änderungen in Kaninchenventrikelmyozyten

Abbildung 3.1 zeigt die gesammelten Ergebnisse der frequenzabhängigen Ca²⁺-Änderungen in den Ventrikelmyozyten des Kaninchens.

In Abbildung 3.1A ist anhand einer Beispielmessung der Verlauf des Ca^{2+} -Transienten bei verschiedenen Frequenzen verdeutlicht. Gezeigt werden der Transient des zytoplasmatischen Ca^{2+} und des Ca^{2+} des Zellkerns. Für jede Frequenz wurde ein Transient aus der gleichen Messung ausgewählt und aufgetragen, die jeweilige Frequenz ist über den Spuren zu sehen. Deutlich wird hier, dass der Transient des Ca^{2+} im Zellkern, unabhängig von der Frequenz, später den Höhepunkt erreichte, langsamer abfiel und höhere Werte erreichte, als der Transient des zytoplasmatischen Ca^{2+} . Bei steigender Frequenz stiegen sowohl der diastolische als auch der maximale systolische Ca^{2+} -Wert in beiden Zellkompartimenten.

3.1.1 Frequenzabhängige Änderungen des diastolischen Ca²⁺

In der Abbildung 3.1B ist die Änderung der diastolischen Ca²⁺-Werte in Abhängigkeit von der Frequenz aufgetragen. Gemessen wurde die relative Änderung der Fluoreszenz gegenüber der Ruhefluoreszenz ohne elektrische Stimulation (F/F_{Ruhe}). Die Messungen begannen bei 0,3 Hz und die Stimulationsfrequenz wurde in Schritten von 0,2 Hz bis auf 1.3 Hz gesteigert. Aufgetragen sind die Mittelwerte der relativen Ca²⁺-Änderungen des Zytoplasmas (schwarz) und des Zellkerns (rot). Zu sehen ist, dass sowohl das diastolische Ca²⁺ im Zellkern als auch im Zytoplasma bei steigender Frequenz ebenfalls anstiegen. Im Zytoplasma wurde ein Anstieg von 1,49±0,06 bei 0,3 Hz auf 3,51±0,54 bei 1,3 Hz (P<0,05) beobachtet. Das entspricht etwas mehr als einer Verdoppelung (236%) des Ausgangswertes. Im Zellkern ging der Anstieg im Mittel von 1,56±0,07 bei 0,3 Hz auf 3,95±0,56 bei 1,3 Hz (P<0,05), was etwas mehr als einer Verdoppelung (253%) entspricht.



Abbildung 3.1 – Frequenzabhängige Änderungen des Ca²⁺ in Ventrikelmyozyten des Kaninchens: In A ist anhand einer Beispielmessung der Transientenverlauf bei

verschiedenen Frequenzen gezeigt. Auf der Ordinate ist in A bis C die relative Ca^{2+} -Konzentrationsänderung aufgetragen. Angegeben ist diese in Fluoreszenz (F) über Ruhefluoreszenz (F_{Ruhe}). Der zytoplasmatische Ca^{2+} -Transient ist in Schwarz, der des Zellkerns in Rot aufgetragen. B und C befassen sich mit dem diastolischen und systolischen Ca^{2+} . In D und E ist das Verhältnis von zytoplasmatischem und nukleoplasmatischem Ca^{2+} gezeigt. Die Zeit bis zum maximalen systolischen Ca^{2+} -Wert (TTP=Time to peak) wurde in F und die Zeitkonstante τ , welche den Abfall des systolischen Maximums auf den diastolischen Wert beschreibt, wurde in G dargestellt. Die gezeigten Werte entsprechen den Mittelwerten aller Messungen (n = 6-24). * = P<0,05 versus 0,3 Hz.

Bei 0,3 Hz zeigten beide Kompartimente, Zytoplasma und Zellkern, ähnliche diastolische Ca^{2+} -Konzentrationen, wobei ein stärkerer frequenzabhängiger Anstieg des Ca^{2+} im Zellkern als im Zytoplasma zu vermuten war.

Um dies genauer zu prüfen, wurde das Verhältnis der relativen Fluoreszenz (F/F_{Ruhe}) zwischen Zellkern und Zytoplasma berechnet (Abbildung 3.1D). Es war nur eine geringe Schwankung dieses Verhältnisses zu beobachten. Bei einem Verhältnis von 1,05±0,02 (Zellkern/Zytoplasma) bei 0,3 Hz im Vergleich zu einem Verhältnis von 1,14±0,06 (P>0,05) bei 1,3 Hz wurden keine statistisch signifikanten Unterschiede beobachtet. Somit konnte ein stärkerer Anstieg des diastolischen Ca²⁺ in einem der beiden Kompartimente gegenüber dem anderen nicht nachgewiesen werden.

3.1.2 Frequenzabhängige Änderungen des systolischen Ca²⁺

Abbildung 3.1C gibt die relative Änderung des systolischen Ca^{2+} wieder. Zu beobachten ist auch hier, dass sowohl das Ca^{2+} des Zytoplasmas als auch des Zellkerns bei steigender Frequenz anstiegen.

Betrachtet man die Ergebnisse genauer, so ist eine Änderung des systolischen Ca^{2+} im Zytoplasma von 5,25±0,41 bei 0,3 Hz auf 6,60±1,02 bei 1,3 Hz (P>0,05) zu beobachten. Im Zellkern stieg F/F_{Ruhe} von 6,13±0,50 bei 0,3 Hz auf 7,85±1,30 bei 1,3 Hz (P>0,05) an. In beiden Kompartimenten war dieser Anstieg statistisch nicht signifikant.

Betrachtet man das Verhältnis des Ca^{2+} in beiden Kompartimenten (Abbildung 3.1E), so zeigten sich keine signifikanten Unterschiede bezüglich der Änderungen des systolischen Ca^{2+} bei steigender Frequenz.

Bei 0,3 Hz betrug das Verhältnis 1,16±0,03, bei 1,3 Hz 1,18±0,07 (P>0,05).

3.1.3 Zeit bis zum Erreichen des systolischen maximalen Ca²⁺

Gemessen wurde für jede Frequenz die Zeit, welche der Transient brauchte, um ausgehend vom diastolischen Ca^{2+} zu Beginn der Systole sein Maximum zu erreichen (TTP = *Time to peak*). Abbildung 3.1F zeigt die Mittelwerte der TTP in Abhängigkeit von der Frequenz. Auffällig ist, dass das systolische Maximum bei steigender Frequenz sowohl im Zellkern als auch im Zytoplasma schneller erreicht wurde. So war für das Zytoplasma eine Verringerung der TTP von 491±28 ms bei 0,3 Hz auf 312,17±55 bei 1,3 Hz (P<0,05) und für den Zellkern von 539±27 ms bei 0,3 Hz auf 334±81 ms bei 1,3 Hz (P<0,05) zu beobachten. Diese Zunahme der Anstiegsgeschwindigkeit des Ca^{2+} -Transienten war statistisch signifikant. Deshalb kann gefolgert werden, dass bei steigender Frequenz die TTP sowohl im Zellkern als auch im Zytoplasma fällt.

Berechnet man das Verhältnis der TTP beider Kompartimente (Zellkern/Zytoplasma), so betrug dies bei einer Frequenz von 0,3 Hz 1,12±0,04 und bei 1,3 Hz 1,03±0,07 (P>0,05). Das bedeutet, dass keine Unterschiede zwischen den Änderungen der TTP bei steigender Frequenz zwischen beiden Kompartimenten bestanden.

3.1.4 Zeitkonstante des Abfalls des Ca²⁺-Transienten

Errechnet wurde die Zeitkonstante des Abfalls des Ca²⁺-Transienten. In Abbildung 3.1G ist zu sehen, dass diese Werte nur bis zu einer Frequenz von 0,9 Hz ermittelt wurden, da bei höheren Frequenzen diese nicht mehr fehlerfrei zu ermitteln waren.

Der Zellkern brauchte immer länger als das Zytoplasma, bis das Ca^{2+} auf sein diastolisches Niveau gefallen war. Bei steigender Frequenz konnte in beiden Zellkompartimenten eine kleiner werdende Zeitkonstante ermittelt werden. Im Zytoplasma sank die Zeitkonstante von 470±25 ms bei 0,3 Hz auf 237±24 ms bei 0,9 Hz (P<0,05). Für den Zellkern kam es zu einer Änderung von 527±27 ms bei 0,3 Hz auf 321±43 ms bei 0,9 Hz (P<0,05).

Errechnete man das Verhältnis der Zeitkonstanten von Zellkern und Zytoplasma, so betrug dies 1,14±0,05 bei 0,3 Hz und 1,31±0,03 bei 0,9 Hz (P>0,05).

3.2 Frequenzabhängige Ca²⁺-Änderungen in Kaninchenvorhofmyozyten

In Abbildung 3.2 finden sich die Ergebnisse der frequenzabhängigen Ca²⁺-Änderungen für den Zellkern und das Zytoplasma in Vorhofmyozyten des Kaninchens.

Abbildung 3.2A zeigt eine Beispielmessung. Zu sehen sind hier die Ca²⁺-Transienten des Zellkerns und des Zytoplasmas bei steigenden Frequenzen. Auffällig ist hier, anders als bei den Ventrikelmyozyten, ein besonders starker Anstieg des systolischen Maximums bei einem Frequenzanstieg von 0,3 Hz auf 0,7 Hz.

3.2.1 Frequenzanhängige Änderungen des diastolischen Ca²⁺

In den hier durchgeführten Messungen zeigte sich sowohl im Zytoplasma als auch im Zellkern, analog zu den Ventrikelmyozyten, ein Anstieg des diastolischen Ca^{2+} bei steigender Frequenz (Abbildung 3.2B). Das diastolische Ca^{2+} im Zytoplasma stieg von 1,40±0,08 bei 0,3 Hz auf 3,85±0,15 bei 1,5 Hz an (P<0,05). Im Zellkern stieg das diastolische Ca^{2+} von 1,41±0,08 bei 0,3 Hz auf 5,07±0,66 bei 1,5 Hz an (P<0,05).

Der Quotient von Zellkern und Zytoplasma änderte sich nicht (Abbildung 3.2D). Er betrug 1,03±0,04 bei 0,3 Hz und 1,31±0,15 bei 1,5 Hz (P>0,05).

3.2.2 Frequenzabhängige Änderungen des systolischen Ca²⁺

Ein frequenzabhängiger Anstieg ließ sich auch hier beobachten (Abbildung 3.2C), jedoch war dieser nicht so ausgeprägt wie beim diastolischen Ca²⁺. Im Zytoplasma kam es zu einem Anstieg von $13,98\pm1,74$ bei 0,3 Hz auf $19,26\pm1,79$ bei 1,5 Hz (P>0,05), im Zellkern von $13,03\pm1,89$ bei 0,3 Hz auf $18,29\pm2,3$ bei 1,5 Hz (P>0,05).

Eine statistische Signifikanz konnte hier in Bezug auf die frequenzabhängige Steigerung des systolischen Ca²⁺ weder im Zytoplasma noch im Zellkern nachgewiesen werden.

Nach Berechnung des Verhältnisses des systolischen Ca^{2+} im Zellkern im Vergleich zum Zytoplasma (Abbildung 3.2E) konnte ebenfalls keine Frequenzabhängigkeit nachgewiesen werden (P>0,05).



Abbildung 3.2 – Ergebnisse der frequenzabhängigen Änderungen des Ca^{2+} in Vorhofmyozyten des Kaninchens: A zeigt eine Beispielmessung. In B bis E werden die

Mittelwerte aller erhobenen Daten (n = 4-21) in Abhängigkeit von der Frequenz aufgetragen. B und C beschäftigen sich mit dem diastolischen und systolischen Ca²⁺. In D und E wird das Verhältnis des diastolischen, bzw. systolischen Ca²⁺ des Zellkerns und Zytoplasmas in Abhängigkeit von der Frequenz dargestellt. F gibt die TTP in Abhängigkeit von der Frequenz wieder. Die Zeitkonstante τ wird in Abhängigkeit von der Frequenz in G dargestellt. * = P<0,05 versus 0,3 Hz.

3.2.3 Zeit bis zum Erreichen des systolischen maximalen Ca²⁺

Die Zeit bis zum Erreichen des systolischen Ca^{2+} (TTP) war im Zellkern nicht abhängig von der Frequenz (Abbildung 3.2F). Sie betrug 213±12 ms bei 0,3 Hz und 167±10 ms bei 1,5 Hz (P>0,05).

Ähnlich verhielt es sich im Zytoplasma. TTP betrug hier 141±11 ms bei 0,3 Hz, 168±12 ms bei 0,7 Hz und 135±5 ms bei 1,5 Hz (P>0,05).

3.2.4 Zeitkonstante des Abfalls des Ca²⁺-Transienten

Ähnlich wie bei den Ventrikelmyozyten konnten nur bis 0,9 Hz die Werte für die Zeitkonstante τ fehlerfrei ermittelt werden. Sowohl im Zellkern wie auch im Zytoplasma kam es zu einer frequenzabhängigen Verringerung der Zeitkonstante des Abfalls des Ca²⁺-Transienten (Abbildung 3.2G).

So kam es bei einem Frequenzanstieg von 0,3 Hz auf 0,9 Hz zu einer Reduktion der Zeitkonstanten von 248 ± 14 ms auf 160 ± 6 ms für das Zytoplasma (P<0,05) und von 355 ± 25 ms auf 228 ± 16 ms für den Zellkern (P<0,05).

Die Berechnung des Verhältnisses (Zellkern/Zytoplasma) ergab ähnliche Werte von 1,45±0,07 bei 0,3 Hz und von 1,42±0,06 bei 0,9 Hz (P>0,05).

Abbildung 3.2G zeigt außerdem, dass die Zeitkonstante des Abfalls des Ca²⁺-Transienten im Zellkern deutlich größer war als im Zytoplasma.

3.3 Frequenzabhängige Ca²⁺-Änderungen in Mausventrikelmyozyten

Abbildung 3.3A zeigt eine Beispielmessung von Ca^{2+} -Transienten eines Mausventrikelmyozyten. Die Stimulation wurde beginnend bei 0,5 Hz in 0,5 Hz-Schritten bis 4 Hz erhöht. Wie bei den Kaninchenventrikelmyozyten stiegen in diesem Beispiel das

systolische und diastolische Ca^{2+} bei steigender Frequenz sowohl im Zytoplasma als auch im Zellkern an. Auch schien sich die Kinetik der Ca^{2+} -Transienten frequenzabhängig zu ändern. Im gezeigten Beispiel erreichte das systolische Ca^{2+} im Zytoplasma höhere Werte als im Zellkern, was sich auch bei steigender Frequenz nicht änderte. Dies galt für alle Messungen an Mausventrikelmyozyten.

3.3.1 Frequenzabhängige Änderungen des diastolischen Ca²⁺

Bei steigender Frequenz kam es zu einem Anstieg der diastolischen Ca²⁺-Spiegel (Abbildung 3.3B). Im Zytoplasma betrug der diastolische Ca²⁺-Spiegel 1,21±0,03 bei 0,5 Hz. Es kam zu einem Anstieg auf 3,84±0,29 (P<0,05) bei 4 Hz. Im Zellkern bewegte sich der diastolische Ca²⁺-Spiegel ausgehend von 1,30±0,05 bei 0,5 Hz auf 4,06±0,41 (P<0,05) bei 4 Hz.

Bei den Mausventrikelmyoyzten konnte eine Umrechnung der Fluoreszenzänderungen in Ca^{2+} -Konzentrationen (in nM) erfolgen, da entsprechende Werte aus in-situ-Kalibrierungen vorlagen (Ljubojevic et al. 2011; siehe Seite 26-28). Abbildung 3.3D zeigt, dass es zu einem statistisch signifikanten frequenzabhängigen Anstieg der diastolischen Ca^{2+} -Konzentration kam. Im Zytoplasma stieg die diastolische Ca^{2+} -Konzentration von 92±6 nM bei 0,5 Hz auf 453±69 nM (P<0,05) bei 4 Hz. Im Zellkern erhöhte sich die diastolische Ca^{2+} -Konzentration von 127±7 nM bei 0,5 Hz auf 920±146 nM (P<0,05) bei 4 Hz.

Betrachtet man den Anstieg in beiden Kompartimenten und errechnet das Verhältnis (Nukleus /Zytoplasma), so betrug dies 1,40 \pm 0,04 bei 0,5 Hz und 1,64 \pm 0,21 (P<0,05) bei 4 Hz (Abbildung 3.4A). Dies bedeutet, dass die diastolische Ca²⁺-Konzentration im Zellkern frequenzabhängig stärker anstieg als im Zytoplasma.

3.3.2 Frequenzabhängige Änderungen der systolischen Kalziumspiegel

Auch für das systolische Ca²⁺ ließ sich ein frequenzabhängiger Anstieg beobachten (Abbildung 3.3C). Im Zytoplasma kam es dabei von 4,68±0,26 bei 0,5 Hz zu einem Anstieg auf 7,83±0,70 (P<0,05) bei 4 Hz, im Zellkern ging dieser von 3,85±0,19 bei 0,5 Hz (P<0,05) auf 7,23±0,61 bei 4 Hz (Abbildung 3.3C).


Abbildung 3.3 – Diastolische und systolische frequenzabhängige Ca^{2+} -Änderungen in Ventrikelmyozyten der Maus Teil 1: A zeigt anhand einer Beispielmessung die Ca^{2+} -Transienten bei verschiedenen Frequenzen. B und C zeigen die relativen Ca^{2+} -Änderungen

des diastolischen und systolischen Ca^{2+} über dem Ruhe- Ca^{2+} (F/F_{Ruhe}). In D und E wurden diese Werte in Ca^{2+} -Konzentrationen umgerechnet, die Einheit hier beträgt nanomolar (nM). Gezeigt sind die Mittelwerte der Messungen (n = 10-20). * = P<0,05 versus 0,5 Hz.

Betrachtet man die berechneten Ca²⁺-Konzentrationen (Abbildung 3.3E), so kam es im Zytoplasma zu einem Anstieg von 703 \pm 74 nM bei 0,5 Hz auf 2685 \pm 634 nM (P<0,05) bei 4 Hz. Im Zellkern stieg die systolische Ca²⁺-Konzentration von 560 \pm 45 nM bei 0,5 Hz auf 2111 \pm 403 nM (P<0,05) bei 4 Hz.

Berechnet man auch hier das Verhältnis Nukleus/Zytoplasma (Abbildung 3.4B), so konnte eine Änderung von $0,84\pm0,04$ bei 0,5 Hz auf $0,91\pm0,11$ (P>0,05) bei 4 Hz beobachtet werden. Somit konnte, anders als beim diastolischen Ca²⁺, kein statistisch signifikanter Unterschied im frequenzabhängigen Anstieg des systolischen Ca²⁺ zwischen den beiden Kompartimenten nachgewiesen werden.

3.3.3 Zeit bis zum Erreichen des systolischen Ca²⁺

Im Zytoplasma war die Zeit bis zum Erreichen des systolischen Ca^{2+} (TTP) bei allen gemessenen Frequenzen nahezu konstant (Abbildung 3.4C). Die geringen Unterschiede waren statistisch nicht signifikant (P>0,05). Während die TTP bei 0,5 Hz bei 53±3 ms lag, betrug sie bei 2 Hz 44±3 ms und bei 4 Hz 49±3 ms.

Anders verhielt es sich im Zellkern. Hier fiel die TTP von 108 ± 11 ms bei 0,5 Hz auf 67±5 ms bei 2 Hz ab (P<0,05) und weiter auf 57±8 ms bei 4 Hz ab (P>0,05) (Abbildung 3.4C).

Eine Berechnung des Verhältnisses zwischen Zellkern und Zytoplasma zeigte eine signifikante Änderung von 2,14±0,26 bei 0,5 Hz auf 1,39±0,09 bei 2,5 Hz (P<0,05). Es zeigte sich also, dass die Zeit bis zum Erreichen des systolischen Ca^{2+} im Zellkern zunächst abfiel, jedoch bei höheren Frequenzen annähernd konstant blieb.

3.3.4 Abfall des Ca²⁺-Transienten

Die Zeitkonstante τ des Abfalls des Ca²⁺-Transienten konnte bei der Maus auf Grund der sehr schnellen Kinetik nicht zuverlässig errechnet werden, weshalb hier die Zeit ermittelt wurde, die das systolische Ca²⁺ braucht, um auf 50% seines Ausgangswertes abzufallen (RT50) (Abbildung 3.4D).



Abbildung 3.4 - Diastolische und systolische frequenzabhängige Ca²⁺-Änderungen in Ventrikelmyozyten der Maus Teil 2: In A und B wird das Verhältnis der relativen Ca²⁺-Änderungen zwischen Zellkern und Zytoplasma aufgetragen. C befasst sich mit der TTP, während D den Abfall des Ca²⁺-Transienten zeigt (Relaxion time 50% = RT 50). * = P < 0.05versus 0.5 Hz.

Sowohl im Zytoplasma als auch im Zellkern nahm die RT50 zu Beginn stark ab, um sich dann bei höheren Frequenzen auf einem konstanten Niveau zu stabilisieren. So konnte im Zytoplasma ein Abfall der RT50 von 275 ± 13 ms bei 0,5 Hz auf 90 ± 5 ms (P<0,05) bei 4 Hz beobachtet werden. Im Zellkern fiel die RT50 von 390 ± 25 ms bei 0,5 Hz auf 97 ± 6 ms (P<0,05) bei 4 Hz.

3.4 Ca²⁺-Änderungen in Vorhofmyozyten des Kaninchens nach definierter Pause der Stimulation

Für das Pausenprotokoll wurden der letzte elektrisch stimulierte Ca^{2+} -Transient vor der Pause und die fünfzehn Ca^{2+} -Transienten nach der Stimulationspause ausgewertet, die Stimulationsfrequenz betrug 0,5 Hz. Die Pause selber betrug eine Minute. In Abbildung 3.5A ist dies anhand einer Beispielmessung gezeigt. Der erste Ca^{2+} -Transient in dieser Messung ist der letzte vor der Pause gemessene Ca^{2+} -Transient.

Betrachtet man den ersten Ca^{2+} -Transienten nach der Pause, so fällt auf, dass das systolische Ca^{2+} des Zellkerns und des Zytoplasmas deutlich höher waren als vor der Pause. Im direkt darauf folgenden Transienten fiel das systolische Ca^{2+} in bei beiden Kompartimenten unter das vor der Pause. Dieser Trend setzte sich 7 Transienten lang fort, bevor das systolische Ca^{2+} langsam, dafür aber kontinuierlich, wieder anstieg.

Bei Betrachtung des diastolischen Ca^{2+} fällt auf, dass es direkt nach der Pause, vor dem ersten Transienten, den Ruhewert in beiden Kompartimenten erreicht hatte. Dann stieg es initial an und blieb anschließend nahezu konstant.

3.4.1 Änderung des diastolischen Ca²⁺ nach der Stimulationspause

Am ausgeprägtesten war die Änderung des diastolischen Ca^{2+} beim ersten Transienten nach der Pause. So konnte ein Anstieg des Ca^{2+} von 1,07±0,03 vor dem ersten Stimulus auf 1,40±0,06 zu Beginn des nächsten Stimulus für das Zytoplasma gemessen werden (P<0,05). Im Zellkern stieg das diastolische Ca^{2+} von 1,08±0,02 auf 1,68±0,14 (P<0,05).

Das im weiteren Verlauf gemessene diastolische Ca^{2+} schwankte zwar noch geringfügig, jedoch waren diese Schwankungen im Zytoplasma und im Zellkern nicht statistisch signifikant. Daher kann gefolgert werden, dass das diastolische Ca^{2+} bereits nach zwei Transienten nach der Pause wieder sein normales Niveau erreicht hatte.

Vergleicht man nun noch das Verhalten der beiden Kompartimente, in dem man deren Verhältnis errechnet (Zellkern/Zytoplasma), so konnte kein statistisch signifikanter Unterschied beobachtet werden.

3.4.2 Änderung des systolischen Ca²⁺ nach der Stimulationspause

Anders als für das diastolische Ca²⁺, konnte die größte Änderung des systolischen Ca²⁺ nicht direkt im ersten Stimulus nach der Pause beobachtet werden. Der größte Unterschied lag zwischen dem ersten Stimulus nach der Pause und dem darauf folgenden. Im Zytoplasma sank das systolische Ca²⁺ von 15,42±2,43 im ersten Stimulus auf 9,07±1,16 (P<0,05) im zweiten Stimulus nach der Pause und entsprechend im Zellkern von 15,39±1,99 auf 7,61±0,79 (P<0,05).

Dies bedeutet einen signifikanten Anstieg des Ca^{2+} sowohl im Zellkern, als auch im Zytoplasma nach der Pause. Anhand dieser Daten ließ sich zunächst ein unterschiedlich starker Anstieg des Ca^{2+} im Zellkern gegenüber dem Zytoplasma vermuten, jedoch konnte dies anhand der Berechnung des Verhältnisses zwischen diesen beiden Kompartimenten nicht nachgewiesen werden.

3.5 Ca²⁺-Änderungen in Ventrikelmyozyten der Maus nach definierter Pause der Stimulation

In Mausventrikelmyozyten wurden ebenfalls Messungen des Ca^{2+} -Transienten bei stabiler Frequenz und nach definierter Pause vorgenommen. Die Stimulationsfrequenz betrug 1 Hz. Im gezeigten Beispiel in der Abbildung 3.6A sieht man, dass hier das systolische Ca^{2+} des Zytoplasmas höhere Werte erreichte als das des Zellkerns.

Nach der Pause zeigte sich ein Anstieg von diastolischem und systolischem Ca²⁺ beim ersten stimulierten Ca²⁺-Transienten. Bereits beim zweiten Transienten fielen diese Werte auf ein Niveau ab, welches unterhalb desjenigen vor der Pause lag. Dieser Abfall dauerte nur 3 Schläge an, es kam dann wieder zu einem kontinuierlichen Anstieg, bis das Ca²⁺ sich in beiden Kompartimenten fast dem Ausgangswert vor der Pause näherte.

3.5.1 Änderung des diastolischen Ca²⁺ nach der Stimulationspause

Abbildung 3.6B zeigt, wie bei dem Kaninchen, unmittelbar vor dem ersten Transienten nach der Pause einen relativen Ca^{2+} -Wert, der mit 1,04±0,10 im Zytoplasma und 1,07±0,20 im Zellkern fast dem Ruhewert ohne Stimulation entsprach. Mit Beginn der Stimulation stieg der diastolische Wert initial auf 1,48±0,07 im Zytoplasma (P<0,05) und auf 1,96±0,10 im Zellkern (P<0,05) an.



Abbildung 3.5 – Ca^{2+} in Vorhofmyozyten des Kaninchens nach einer Stimulationspause: In A ist eine Beispielmessung zu sehen. Der erste Transient in der Beispielmessung, sowie der

erste Punkt in den folgenden Grafiken, wurde vor der Pause gemessen. Alle folgenden Transienten sind direkt nach der Pause gemessen. B zeigt die diastolischen Ca^{2+} -Änderungen, C die systolischen Ca^{2+} -Änderungen. In D und E wird das Verhältnis der relativen Ca^{2+} -Änderungen der Diastole (D) und Systole (E) gezeigt. Aufgetragen sind die Mittelwerte aller Messungen (n = 9). * = P<0,05 Kontrolle versus erster Postpause-Transient; ** = P<0,05 erster Postpause-Transient versus zweiter Postpause-Transient.

Berechnet man die Ca²⁺-Konzentration (Abbildung 3.6D), so betrug diese unmittelbar vor der Pause 78 \pm 1 nM im Zytosol und 99 \pm 2 nM im Zellkern. Zu Beginn der Stimulation stieg sie auf 128 \pm 8 nM im Zytosol (P<0,05) und auf 218 \pm 14 nM im Zellkern (P<0,05).

Somit war sowohl für die relative Fluoreszenzänderung als auch für die Ca²⁺-Konzentration in der Diastole ein signifikanter Anstieg im Zytoplasma und im Zellkern nach der Pause zu verzeichnen.

Anschließend fiel die relative Fluoreszenzänderung im Zytoplasma direkt nach dem ersten Anstieg auf 1,30 \pm 0,05 (P<0,05) und im Zellkern auf 1,65 \pm 0,08 (P<0,05). Für die berechnete diastolische Ca²⁺-Konzentration betrug der entsprechende Wert im Zytoplasma 107 \pm 6 nM (P<0,05) und im Zellkern 174 \pm 11 nM (P<0,05).

Anschließend näherte sich das diastolische Ca²⁺ wieder dem Wert vor der Pause an. Dies galt für Zellkern und Zytoplasma.

Das Verhältnis des diastolischen Ca^{2+} zwischen Zellkern und Zytoplasma ist in Abbildung 3.6F dargestellt. Hier ergaben sich statistisch signifikanten Änderungen nach der Stimulationspause. Somit konnte eine unterschiedliche Konzentrationsänderung des diastolischen Ca^{2+} zwischen Zellkern und Zytoplasma nachgewiesen werden.

3.5.2 Änderung des systolischen Ca²⁺ nach der Stimulationspause

Im Zytoplasma war ein Anstieg des systolischen Ca^{2+} von 4,64±0,27 vor der Pause auf 7,53±0,32 nach der Pause (P<0,05) und im Zellkern von 3,74±0,22 vor der Pause auf 6,51±0,32 nach der Pause (P<0,05) (Abbildung 3.6C) zu verzeichnen. Für die systolische Ca^{2+} -Konzentration ging der Anstieg im Zytoplasma von 699±83 nM vor der Pause auf 2021±241 nM (P<0,05). Im Zellkern kam es zu einem Anstieg von 546±62 nM vor der Pause auf 1533±178 nM nach der Pause (P<0,05) (Abbildung 3.6E).

Dies bedeutete einen statistisch signifikanten Anstieg des systolischen Ca^{2+} für den ersten Ca^{2+} -Transienten nach der Pause in beiden Kompartimenten.



Abbildung 3.6 - Ca^{2+} in Ventrikelmyozyten der Maus nach einer Stimulationspause: A zeigt eine Beispielmessung. B und C beschreiben die Änderungen des Ca^{2+} , wobei hier die

relative Änderung F/F_{Ruhe} gemessen wurde (n = 17). In D und E wurde dies mit den errechneten Konzentrationen aufgetragen, F und G zeigen das Verhältnis zwischen Zellkern und Zytoplasma. * = P<0,05 Kontrolle versus erster Postpause-Transient; ** = P<0,05 erster Postpause-Transient versus zweiter Postpause-Transient.

Im zweiten Transienten nach der Pause zeigte sich, analog zum diastolischen Ca^{2+} , ein Abfall des systolischen Ca^{2+} . Im Zytoplasma sank das Ca^{2+} auf 6,80±0,26 (P<0,05), im Zellkern auf 5,72±0,23 (P<0,05). Die Ca²⁺-Konzentration (Abbildung 3.6E) sank im Zytoplasma auf 1480±145 nM (P<0,05) und im Zellkern auf 1108±83 nM (P<0,05).

Dieser Abfall des systolischen Ca^{2+} setzte sich über mehrere Transienten fort, bis gegen Ende der Messung wieder Werte erreicht wurden wie vor der Pause.

Das Verhältnis des systolischen Ca²⁺ für Zellkern und Zytoplasma war annähernd konstant (Abbildung 3.6G).

3.6 Änderung des systolischen und diastolischen Ca²⁺ in Mäusekardiomyozyten unter pharmakologischer Beeinflussung durch Forskolin

Zur Beantwortung der Frage nach einer pharmakologischen Beeinflussung der Ca²⁺-Homöostase im Zytoplasma und im Zellkern erfolgten Messungen mit Forskolin. Dieses aktiviert die Adenylatcyclase direkt, welche die Umwandlung von ATP in cAMP katalysiert. In Abbildung 3.7A ist eine Originalmessung gezeigt. Unter kontinuierlicher elektrischer Stimulation erfolgte die Messung der Ca²⁺-Transienten im Minutentakt über fünf Minuten. Dem voran ging eine Kontrollmessung ohne Forskolin.

Im gezeigten Beispiel ist zu sehen, dass es in der ersten Messung, eine Minute nach Beginn der kontinuierlichen Applikation von Forskolin, zu einem Anstieg des systolischen Ca^{2+} im Zellkern und im Zytoplasma kam. Dieser Anstieg war in der ersten Messung am ausgeprägtesten. In den folgenden Messungen stieg das systolische Ca^{2+} kaum noch, und es blieb auf einem konstanten Niveau.

Das diastolische Ca²⁺ schien in dieser Messung keine Veränderungen unter der Gabe von Forskolin zu erfahren, dies galt für Zellkern und Zytoplasma.

3.6.1 Veränderungen des diastolischen Ca²⁺ unter Forskolin

Anhand von Abbildung 3.7B scheint es, als ob es eine Minute nach der Applikation von Forskolin zu einem Abfall des diastolischen Ca^{2+} in beiden Kompartimenten kam. Dieser bewegte sich für das Zytoplasma von 1,21±0,05 ausgehend vor der Forskolinapplikation auf 1,13±0,05 eine Minute nach der Applikation von Forskolin (P>0,05). Für den Zellkern änderte sich das diastolische Ca^{2+} von 1,34±0,06 auf 1,18±0,04 (P>0,05). Beide Änderungen waren jedoch statistisch nicht signifikant.

Berechnet man die Konzentration des diastolischen Ca^{2+} , so bewegte sich die Änderung im Mittel im Zytoplasma von 97,19±5,63 nM auf 87,84±5,11 nM (P>0,05). Im Zellkern bewegte sich diese Änderung des diastolischen Ca^{2+} von 132,90±8,19 nM auf 113,05±4,29 nM (P<0,05) (Abbildung 3.7D). In den folgenden Messungen schien es weder im Zellkern noch im Zytoplasma eine große Variation des diastolischen Ca^{2+} zu geben.

Auch wenn man eine Änderung des diastolischen Ca^{2+} nach der Applikation von Forskolin vermutete, so war eine statistische Signifikanz der relativen und kalibrierten Ca^{2+} -Änderungen hier weder für den Zellkern noch für das Zytoplasma gegeben.

3.6.2 Veränderungen des systolischen Ca²⁺ unter Forskolin

Ein ausgeprägter Anstieg des systolischen Ca^{2+} ließ sich in der ersten Messung nach Applikation von Forskolin im Zellkern und im Zytoplasma nachweisen. So fand im Zytoplasma ein Anstieg von 4,92±0,39 vor der Applikation von Forskolin auf 7,13±0,47 nach der Applikation statt (P<0,05) (Abbildung 3.7C). Im Zellkern bewegte sich die Änderung von 4,27±0,32 vor auf 6,17±0,38 eine Minute nach Applikation von Forskolin (P<0,05). Berechnet man die Konzentration des systolischen Ca^{2+} (Abbildung 3.7E), so kam es zu einem Anstieg im Zytoplasma von 776,19±113,27 nM vor auf 1795,01±325,25 nM in der ersten Messung nach der Applikation von Forskolin (P<0,05). Im Zellkern war eine Änderung von 667,21±81,77 nM vor auf 1324,21±158,39 nM nach Applikation von Forskolin zu verzeichnen (P<0,05). Somit konnte sowohl für die relative Ca^{2+} -Änderung (F/FRuhe) als auch für die errechnete Ca^{2+} -Konzentration eine statistisch signifikante Änderung nach Forskolinapplikation nachgewiesen werden.

In den folgenden Minuten war kein signifikanter Unterschied des systolischen Ca^{2+} im Zellkern und im Zytoplasma zu verzeichnen.



Abbildung 3.7 – Ca²⁺-Änderungen nach Applikation von Forskolin Teil 1: A zeigt eine Beispielmessung. Der erste Transient steht für die Kontrollmessung vor Forskolinapplikation.

B zeigt das gemessene diastolische Ca^{2+} , während C das systolische Ca^{2+} zeigt. In D ist das kalibrierte diastolische Ca^{2+} und in E das systolische Ca^{2+} aufgetragen (n = 10). * = P<0,05 Kontrolle versus 1-5 Minuten nach Forskolinapplikation.



Abbildung 3.8 – Ca^{2+} -Änderungen nach Applikation von Forskolin Teil 2: A zeigt das Verhältnis der relativen diastolischen Ca^{2+} -Werte (F/F_{Ruhe}) zwischen Zellkern und Zytoplasma, B das Verhältnis des systolischen Ca^{2+} zwischen Zellkern und Zytoplasma. C

(TTP) und D (RT50) befassen sich mit der Kinetik der Ca^{2+} -Transienten. * = P < 0.05Kontrolle versus 1-5 Minuten nach Forskolinapplikation.

Um zu analysieren, ob die Änderungen des systolischen Ca^{2+} zwischen Zellkern und Zytoplasma variieren, wurde auch hier das entsprechende Verhältnis errechnet (Abbildung 3.8B). Es zeigten sich nur geringe, statistisch nicht signifikante Änderungen. Somit konnte kein durch Forskolin verursachter Unterschied zwischen Zellkern und Zytoplasma bezüglich des Verhaltens der Änderungen des systolischen Ca^{2+} beobachtet werden.

3.6.3 Zeit bis zum Erreichen des systolischen Ca²⁺

Die Zeit bis zum Erreichen des systolischen maximalen Ca^{2+} (TTP) schien nach Applikation von Forskolin nur gering zu variieren. Die größte zu verzeichnende Änderung gab es im Zellkern zwischen der Kontrolle und der ersten Messung nach Forskolin-Applikation. So fiel die TTP von 68±6 ms auf 61±3 ms (P>0,05). Dieser Unterschied war jedoch statistisch nicht signifkant, was auch für alle anderen Änderungen der TTP in Zellkern und Zytoplasma gilt. Somit konnte keine durch Forskolin bedingte Änderung der TTP beobachtet werden (Abbildung 3.8C).

3.6.4 Abfall des Ca²⁺-Transienten

Die RT50 schien durch Forskolin eine Beeinflussung erfahren zu haben (Abbildung 3.8D). So fiel sie im Zytoplasma von 137±13 ms vor auf 87±4 ms in der ersten Messung nach Forskolingabe (P<0,05). Im Zellkern fiel sie von 198±15 ms vor auf 127±9 ms nach der ersten Minute nach Forskolingabe (P<0,05). In den folgenden Minuten kam es zu keiner weiteren statistisch signifikanten Änderung der RT50 im Zellkern oder Zytoplasma. Die RT50 wurde somit unter Forskolin sowohl im Zytoplasma als auch im Zellkern reduziert. Ein Unterschied dieses Effekts zwischen Zellkern und Zytoplasma konnte nicht nachgewiesen werden.

3.7 Zellkerne und perinukleäre Ca²⁺-Speicher in Kardiomyozyten des Kaninchens

Ein weiterer Aspekt dieser Arbeit waren Aufnahmen von Zellkernen in Ventrikelmyozyten und Vorhofmyozyten des Kaninchens zur Charakterisierung der perinukleären Ca²⁺-Speicher.



Abbildung 3.9 – Färbung der intrazellulären Ca²⁺-Speicher der Ventrikel- und Vorhofmyozyten des Kaninchens: In A ist eine Beispielmessung gezeigt. Dabei sind die

Bilder fortlaufend nach dem Alphabet gekennzeichnet. B und C zeigen die Maße der Zellkerne der Ventrikel- (n = 35) und Vorhofmyozyten (n = 11). In D ist ein einzelnes Bild aus A vergrößert dargestellt.

In Abbildung 3.9A ist eine Beispielmessung eines Vorhofmyozyten des Kaninchens gezeigt. Die Zelle wurde nach Beladung (40 min) mit dem Farbstoff Fluo-4 in regelmäßigen Abständen photographiert. Der Abstand zwischen zwei Bildern betrug 1µm.

In Abbildung 3.9D ist ein vergrößertes Bild der Zelle aus Abbildung 3.9A gezeigt. Es handelt sich dabei um eine konfokale Aufnahme der Zelle, in welcher sich im Zentrum eine ovale Struktur, der Zellkern, befindet. In der Zelle ist ein gitterförmiges Netz erkennbar. Hierbei handelt es sich um das sarkoplasmatische Retikulum. Dieses reicht von der Zellmembran bis zur Kernhülle. Von der Kernhülle ausgehend ragen einige Einstülpungen in den Zellkern. Diese nukleären Tubuli scheinen den Zellkern nicht oder nur selten komplett zu durchziehen.

3.7.1 Ausmaße des Zellkerns in Ventrikel- und Vorhofmyozyten des Kaninchens

In Abbildung 3.9B sind die Mittelwerte der Kernmaße der Ventrikelmyozyten dargestellt. Hierbei wurden Länge, Höhe und Breite des Zellkerns ausgemessen. Die Kerne waren $6,8\pm0,2\ \mu\text{m}$ hoch, $10,7\pm2,9\ \mu\text{m}$ lang und $4,7\pm0,2\ \mu\text{m}$ breit. Vergleicht man diese Werte mit den Kernmaßen der Vorhofmyozyten ($7,2\pm0,5\ \mu\text{m}$ hoch, $11,2\pm0,6\ \mu\text{m}$ lang und $4,1\pm0,3\ \mu\text{m}$ breit), so gibt es keine signifikanten Unterschiede. Der einzige Unterschied zwischen Ventrikel- und Vorhofmyozyten bestand darin, dass Ventrikelmyozyten zwei, Vorhofmyozyten jedoch nur einen Kern besaßen.

3.7.2 Kerntubuli

Anhand der Aufnahmen des Zellkernes konnten die Einstülpungen der Kernhülle in den Zellkern ausgezählt werden. Die Anzahl dieser Tubuli in Ventrikelmyozyten und Vorhofmyozyten schien sich voneinander zu unterscheiden. So betrug die Anzahl der Tubuli in Vorhofmyozyten $3,9\pm0,4$ und in Ventrikelmyozyten $7,1\pm0,4$ (P<0,05) (Abbildung 3.10).



Abbildung 3.10 – Anzahl der Kerntubuli: Die Anzahl der Kerntubuli war in Ventrikelmyozyten größer als in Vorhofmyozyten. * P < 0,05 versus Vorhof.

4. Diskussion

In dieser Arbeit wurden mittels 2D-Konfokalmikroskopie und dem Ca²⁺-sensitiven Farbstoff Ca²⁺-Transienten stimulierte in Fluo-4 elektrisch Kardiomyozyten untersucht. Frequenzabhängige Änderungen sowie Änderungen nach Applikation des direkten Adenylatzyklase-Aktivators Forskolin wurden charakterisiert. Im Mittelpunkt dieser Arbeit standen vor allem der Zellkern und seine Ca²⁺-Regulation. Im Zellkern können durch Ca²⁺ wichtige Prozesse wie Apoptose, Zellzyklus und Gentranskription beeinflusst werden (Clapham 1995; Wu et al. 2006; Bers 2008). Bisher wurde angenommen, dass der Ca²⁺-Einstrom in den Zellkern passiv durch die Kernporen erfolgt (Genka et al. 1999). In den letzten Jahren fanden sich jedoch zunehmend Hinweise für eine eigene, aktive Regulation des nukleären Ca2+. So konnten im Kern Ca2+-Bindungsproteine (z.B. CaM), Ca2+-abhängige Enzyme (z.B. CaMKII) und in der Kernmembran Ca²⁺-Kanäle (z.B. IP₃R) und die SERCA nachgewiesen werden (Badminton et al. 1996; Bootman et al. 2000; Echevarria et al. 2003; Gerasimenko O. und Gerasimenko J. 2004).

Die wichtigsten Ergebnisse dieser Arbeit sind zusammengefasst:

- Eine Steigerung der Stimulationsfrequenz führte in Kardiomyozyten der Maus und des Kaninchens zu einer Steigerung des diastolischen Ca²⁺, in den Mausmyozyten auch zur Steigerung des systolischen Ca²⁺. Dies galt für Zytoplasma und Zellkern.
- Bei steigender Frequenz veränderte sich auch die Kinetik der Ca²⁺-Transienten. In Vorhof- und Ventrikelmyozyten kam es zu einem schnelleren Abfall des Ca²⁺-Transienten, in den Ventrikelmyozyten sank zudem die TTP. Dies galt ebenfalls für Zytoplasma und Zellkern.
- Unter Forskolin kam es zu einem Anstieg des systolischen Ca²⁺, das diastolische Ca²⁺ erfuhr im Zytoplasma keine Veränderungen, im Zellkern zeigte sich ein Abfall des diastolischen Ca²⁺.
- Die TTP war unter Forskolin unverändert, die RT50 nahm unter Forskolin ab.
- Frequenzabhängig kam es in den Ventrikelmyozyten der Maus im Zellkern zu einem stärkeren Anstieg des diastolischen Ca²⁺ als im Zytoplasma, ebenso nahm die RT50 im Zellkern bis zu einer Frequenz von 2 Hz schneller ab, als im Zytoplasma.

4.1 Frequenzabhängige Änderungen des Ca²⁺-Spiegels

Mit Hilfe der 2D-Konfokalmikroskopie und dem Ca²⁺-sensitiven Fluoreszenzfarbstoff Fluo-4 wurden zytoplasmatische und nukleäre Ca²⁺-Transienten in elektrisch stimulierten Myozyten gemessen. Unter Stimulation zeigte sich in den Messungen, dass es bei steigender Frequenz zu einem Anstieg des diastolischen Ca²⁺ kam. Dies traf für die Ventrikelmyozyten der Maus und des Kaninchens sowie für die Vorhofmyozyten des Kaninchens zu. So kam es in den Myozyten des Kaninchens bei einer Steigerung der Stimulationsfrequenz von 0,3 Hz auf 1,3 Hz ungefähr zu einer Verdoppelung des diastolischen Ca²⁺ in Zytoplasma und Zellkern. In den Myozyten der Maus kam es bei einer Steigerung der Stimulationsfrequenz von 0,5 Hz auf 4 Hz zu einer Vervierfachung der diastolischen Ca²⁺-Konzentration im Zytoplasma und zu einer Verachtfachung im Zellkern. Unterschiede wurden auch bezüglich des systolischen Ca²⁺ beobachtet. So kam es in den Zellen des Kaninchens zu keinem signifikanten, frequenzabhängigen Anstieg des systolischen Ca²⁺. In den Zellen der Maus konnte jedoch eine starke Steigerung des systolischen Ca²⁺ beobachtet werden, die im Zytoplasma und Zellkern etwa gleich groß war.

Der unterschiedlich starke Anstieg der diastolischen Ca^{2+} -Konzentration zwischen Zellkern und Zytoplasma in den Maus-Ventrikelmyozyten lässt sich am ehesten mit der unterschiedlichen Kinetik der Ca^{2+} -Transienten dieser beiden Kompartimente erklären. Da der Abfall des Ca^{2+} im Zellkern im Wesentlichen durch die passive Diffusion durch die Kernporen erfolgt, sinkt das systolische Ca^{2+} hier langsamer ab. In der Folge kommt es bei steigenden Frequenzen durch diese verlangsamte Kinetik zu einem stärkeren Anstieg des diastolischen Ca^{2+} im Zellkern als im Zytoplasma.

Die frequenzabhängige Erhöhung des systolischen Ca^{2+} in Maus-Ventrikelmyozyten war im Zellkern und Zytoplasma etwa gleich groß. Dies deutet darauf hin, dass das systolische Ca^{2+} im Kern dem systolischen Ca^{2+} im Zytoplasma folgt bzw. von diesem bestimmt wird. Die systolische Erhöhung im Zytoplasma führt durch Diffusion des Ca^{2+} durch die Kernporen zu einer nachfolgenden Erhöhung im Kern. In Kaninchen-Myozyten wurde keine frequenzabhängige Erhöhung des systolischen Ca^{2+} beobachtet. Dass dies hier nicht beobachtet wurde, kann unter anderem daran liegen, dass die Stimulationsfrequenz während der Messungen deutlich unterhalb der physiologischen Herzfrequenz des Kaninchens lag und systolische Ca^{2+} -Änderungen erst bei höheren Frequenzen zu erwarten sind. Da die Zellen in vitro unter Stimulation mit höheren Frequenzen zu Arrhythmien neigten, konnte dies hier nicht weiter untersucht werden.

Ein andauernder Anstieg des diastolischen Ca^{2+} , wie hier beobachtet, ist entscheidend für die Genese der Herzinsuffizienz. So tragen erhöhte diastolische Ca²⁺-Spiegel zur Entwicklung der Hypertrophie des Herzens und damit zum Fortschreiten der Herzinsuffizienz bei (Zhang und Brown 2004; Backs und Olson 2006; Little et al. 2009). Unter Berücksichtigung der Ergebnisse dieser Arbeit ist besonders die Tachykardie-induzierte Kardiomoypathie, kurz Tachykardiomyopathie, von Interesse. So kommt es durch tachykarde Herzrhythmusstörungen (z.B. Vorhofflimmern) zu einer ventrikulären Dysfunktion, welche bei Normalisierung der Herzfrequenz reversibel ist (Ramesh Iyer 2008). Kommt es über längere Zeit hinweg zu dauerhaften oder langen Intervallen von tachykarden Herzrhythmusstörungen, so kann sich eine Tachykardiomyopathie ausbilden. Wichtig ist, dass die Entwicklung einer Tachykardiomyopathie vom Intervall und von der Dauer der tachykarden Phasen Menschen abhängt, sprich: mit anhaltender tachykarder Herzrhythmusstörung entwickeln schneller eine Tachykardiomyopathie als jene, die diese Rhythmusstörungen nur intermittierend ausbilden (Quiniou et al. 2000; Shinbane et al. 1997). Hierbei scheint eine Herzfrequenz von über 100/min die Voraussetzung zu sein (Umana et al. 2003). Dabei sind die Pathomechanismen auf zellulärer Ebene noch unvollständig verstanden. Eine Möglichkeit, den Pathomechanismus zu erklären, wäre die in dieser Arbeit beobachtete frequenzabhängige Steigerung des diastolischen Ca^{2+} . Wie bereits erwähnt, kommt es Ca^{2+} abhängig zu einer Aktivierung von Signalkaskaden, die zur vermehrten Expression von Herzinsuffizienz fördernden Proteinen führen. Deshalb kann eine langanhaltende Frequenzsteigerung zu erhöhten Ca²⁺-Spiegeln, besonders auch im Zellkern, führen, was die Ausbildung einer Tachykardiomyopathie bedingen kann.

Eine frequenzabhängige Erhöhung der Ca²⁺-Spiegel führt zu einer verstärkten Aktivierung der Ca²⁺-Bindungsproteine. Eine wichtige Rolle scheinen die bereits beschriebenen Signalkaskaden über CaM-CaMKII-HDAC und CaM-Calcineurin-NFAT zu spielen. So zeigten Bossuyt et al. (2008), dass eine verstärkte Aktivierung der CaMKII und der Proteinkinase D (PKD) ursächlich oder verstärkend auf die Ausbildung einer Herzinsuffizienz wirken kann, eine Blockierung dieser Enzyme verhindert die Ausbildung.

Bezüglich der Regulierung des NFAT scheint es Unterschiede zwischen Ventrikel- und Vorhofymyozyten zu geben. NFAT wird in vier Isoenzyme unterteilt, welche im Herzen gebildet werden (Rinne et al. 2010). Diese Isoenzyme befinden sich in unterschiedlichen Kompartimenten der Zelle und scheinen unterschiedlich reguliert zu werden. So befindet sich NFATc1 überwiegend im Zellkern, bei Hemmung von Calcineurin und Senkung der Ca²⁺-Spiegel kommt es zu einem verstärkten Export aus dem Zellkern (Rinne et al. 2010), was ebenfalls eine Abhängigkeit von frequenzbedingten Ca²⁺-Änderungen bedeutet. Im Gegensatz dazu befindet sich NFATc3 überwiegend im Zytoplasma, kann jedoch durch eine Angiotensin II- und Endothelin-1-Stimulierung in den Zellkern überführt werden, wobei dies nur in Vorhofmyzoyten zu beobachten war, nicht jedoch in Ventrikelmyozyten (Rinne et al. 2010). Dies lässt vermuten, dass die Regulation der NFAT-Isoformen sich zwischen Ventrikel- und Vorhofmyozyten unterscheidet, wobei die wichtigsten regulierenden Mechanismen das intrazelluläre Calcineurin-aktivierende Ca²⁺, aber auch die im Zellkern lokalisierten Kinasen und der Kernexport sind.

Hieraus wird klar, dass die beobachtete frequenzabhängige Erhöhung des diastolischen Ca²⁺ essentiell in die Transkription und die Funktion der Zelle eingreifen und somit pathophysiologische Mechanismen triggern kann.

4.2 Frequenzabhängige Änderung der Kinetik des Ca²⁺-Transienten

Bei steigender Frequenz kam es zu einer Änderung der Kinetik des Ca²⁺-Transienten. In den Ventrikelmyozyten des Kaninchens kam es sowohl im Zellkern wie auch im Zytoplasma zu einer Reduktion der TTP um ca. 25% bei einem Anstieg der Frequenz von 0,3 Hz auf 1,3 Hz. In der Maus waren es bei einem Frequenzanstieg von 0,5 Hz auf 4 Hz im Zytoplasma ca. 5%, im Zellkern jedoch fast 45%. Hier konnte in der Maus ein signifikanter Unterschied zwischen Zellkern und Zytoplasma beobachtet werden.

Betrachtet man den Abfall des Ca^{2+} -Transienten, so kam es zu einer Reduktion der Zeitkonstanten τ im Kaninchenventrikel von ca. 50% im Zytoplasma und von ca. 40% im Zellkern, im Kaninchenvorhof waren es ca. 40% im Zytoplasma und ca. 40% im Zellkern. Für den Mausventrikel verringerte sich die RT50 im Zellkern um ca. 70%, im Zytoplasma um 65%. Somit kam es in allen untersuchten Zelltypen sowohl im Zellkern als auch im Zytoplasma zu einem schnelleren Abfall des Ca²⁺-Transienten.

Prinzipiell ist der Ca²⁺-Transient des Zellkerns langsamer als der des Zytoplasmas. Eine Ursache hierfür könnte in der Funktion der Kernporen liegen. Diese sind Proteinkomplexe in deren Mitte ein zylinderförmiger Kanal liegt (Stoffler et al. 2006). Dieser Kanal ist durchlässig für Moleküle von einer Größe von bis zu 9 nm. Er erlaubt Ionen, Metaboliten, Nukleinsäuren und Proteinen den passiven Transport durch Diffusion (Lee MA et al. 1998). Proteine mit einer Größe von mehr als ~50 kDa müssen energieabhängig durch den Kanal

hindurch transportiert werden, wie z.B. NFAT (Hallhuber et al. 2006). Der Kanal selber kann durch Bindung spezifischer Proteine an dafür vorgesehenen Bindungsstellen seine Struktur ändern und sich verschließen, wobei nachgewiesen wurde, dass trotz des Verschlusses weiterhin kleine Moleküle diffundieren können (Kramer et al. 2007). Dies deutet auf kleinere Ionenkanäle in der Peripherie des Kernporenkomplexes hin (Shahin et al. 2001). Danker et al. (2001) zeigten, dass die Kernporen unter physiologischen Bedingungen dauerhaft aktiv sind, eine Modulation durch Erhöhung von ATP oder Verminderung des zytoplasmatischen Ca²⁺ zeigte eine verminderte Durchlässigkeit der Kernporen (Shahin et al. 2001), jedoch gibt es auch Beobachtungen einer Beeinflussung der Kernporen durch nukleäres Ca²⁺. So konnten Wei et al. (2003) nachweisen, dass es nach Reduktion von nukleären Ca²⁺ zu keiner Änderung des Diffusionsverhaltens spezifischer Proteine über die Kernporen kam. Andere Beobachtungen zeigten eine Veränderung der Permeabilität nach Änderung des zytoplasmatischen Ca²⁺, nicht jedoch nach Änderungen des nukleären Ca²⁺ (O'Brien et al. 2007). Trotz dieser unterschiedlichen Beobachtungen können die Studien einen Hinweis auf eine Ca²⁺-abhängige Modulation der Durchlässigkeit der Kernporen bestätigen (Bootman et al. 2009).

Als Sensor für das intranukläre Ca^{2+} wird das Membranprotein gp210 betrachtet, welches in das Lumen des Zellkerns ragt und dort die Ca^{2+} -Konzentration misst. Dabei kommuniziert es mit den Kernporen (Greber et al. 1990). Derzeit ist noch ungeklärt, ob und wie Ca^{2+} die Kernporen beeinflusst, ob das intranukleäre oder das zytoplasmatische Ca^{2+} (oder beide) einen Einfluss haben. Jedoch liegt die Vermutung nahe, dass durch Ca^{2+} eine entscheidende Regulierung der Durchlässigkeit der Kernporen erfolgt (Bootman et al. 2009).

Da der nukleäre Ca^{2+} -Transient durch Diffusion von Ca^{2+} aus dem Zytoplasma durch die Kernporen zu Stande kommt, zeigt er gegenüber dem zytoplasmatischem Ca^{2+} -Transienten eine verzögerte Kinetik.

Eine weitere Erklärung für den verzögerten Abfall des Ca²⁺-Transienten liegt in einem Fehlen der Ca²⁺-ATPasen auf der Innenseite der Kernhülle (Humbert et al. 1996), weshalb schnelle Ca²⁺-Abfälle, im Gegensatz zum Zytoplasma, nur verzögert im Zellkern auftreten. Jedoch gibt es, bis auf die TTP in den Mausmyozyten, keine Unterschiede zwischen den beiden Kompartimenten in der frequenzbedingten Änderung der Kinetik der Ca²⁺-Transienten. Der Ca²⁺-Abtransport im Zytoplasma erfolgt im Wesentlichen durch die SERCA, welche das Ca²⁺ in die intrazellulären Speicher, das sarkoplasmatische Retikulum, transportiert. Bisher ist unklar, wie dies im Zellkern geschieht, jedoch wurde auch hier die SERCA nachgewiesen, allerdings nur auf der äußeren Kernhülle. Vermutlich muss also das Ca²⁺ zunächst durch die

Kernporen aus dem Zellkern heraus diffundieren und wird erst dann von der SERCA in die Kernhülle transportiert.

4.3 Änderungen des Ca²⁺-Transienten nach Forskolingabe

Forskolin führt über die Aktivierung der Adenylatcyclase zur Bildung von cAMP, welches seinerseits die PKA aktiviert. Die PKA besteht aus zwei katalytischen Untereinheiten (C-Untereinheiten) und zwei regulatorischen Untereinheiten (R-Untereinheiten). Bei Anstieg der cAMP-Konzentration bindet dieses an den R-Untereinheiten, wodurch diese abdissoziieren und die C-Untereinheiten aktiv werden (Cox und Taylor 1994). Die PKA erfüllt in der Zelle eine Vielzahl von Funktionen, unter anderem phosphoryliert sie CREB, reguliert den Fettstoffwechsel und hat Einfluss aus Zellwachstum und Zelldifferenzierung. Zwei weitere für diese Arbeit wichtige Funktionen sind:

- Die Regulation der DHPRs (Kamp und Hell 2000).
- Die Phosphorylierung von Phospholamban, was zu einer Stimulierung der SERCA führt (Masterson et al. 2011).

Hierdurch wird klar, dass die PKA in Kardiomyozyten eine wichtige Rolle in der Regulation und Funktion des Ca^{2+} übernimmt. Physiologisch kommt es in der Herzmuskelzelle durch β adrenerge Stimulation zur Erhöhung der cAMP-Spiegel, wodurch Forskolin in dieser Messreihe eine β -adrenerge Stimulation unter Versuchsbedingungen simulierte.

Forskolin wurde unter andauernder elektrischer Stimulation mit einer Frequenz von 1 Hz kontinuierlich appliziert. Als Ergebnis zeigte sich eine Zunahme des systolischen Ca^{2+} bei gleichbleibendem diastolischen Ca^{2+} .

Die Kinetik des Ca²⁺-Transienten erfuhr unter Forskolin ebenfalls eine Änderung. Während die TTP keine signifikanten Änderungen erfuhr, kam es unter Forskolin zu einem Abfall der RT50 sowohl im Zellkern als auch im Zytoplasma. Ein statistisch signifikanter Unterschied zwischen der RT50 des Zellkerns und des Zytoplasmas ließ sich nicht feststellen.

Unter Forskolin kam es zu einer signifikanten Erhöhung der systolischen Ca^{2+} -Konzentration und Verringerung der RT50 sowohl im Zytoplasma als auch im Zellkern. Dieser Effekt zeigt eine β -adrenerg gesteuerte, PKA-vermittelte Regulation der Ca^{2+} -Homöstase in den Kardiomyozyten. Im Zytoplasma kann der Anstieg des systolischen Ca^{2+} durch eine verstärkte Aktivierung der DHPRs und einer daraus resultierenden verstärkten Ca^{2+} induzierten Ca^{2+} -Freisetzung aus dem SR erklärt werden. Der Abfall der RT50 im Zytoplasma lässt sich durch die verstärkte Aktivität der SERCA aufgrund der Phosphorylierung von Phospholamban erklären.

Bezüglich des Zellkerns rückt vor allem die Diskussion von zwei möglichen Mechanismen der cAMP-vermittelten Änderung des Ca²⁺-Transienten in den Mittelpunkt. So kann auf der einen Seite eine passive Regulation des nukleären Ca²⁺ durch das zytoplasmatische Ca²⁺ erfolgen. Durch den Anstieg des Ca²⁺ im Zytoplasma in der Systole kommt es zu einer passiv vom Ca²⁺-Konzentrationsunterschied gesteuerten Diffusion des Ca²⁺ in den Zellkern, was die verzögerte Erhöhung des systolischen Ca²⁺ im Zellkern erklärt. Umgekehrt kann dies auch den verzögerten Abfall des Ca²⁺-Transienten im Zellkern erklären. Unter diesen Bedingungen diffundiert Ca²⁺, seinem Konzentrationsgradienten folgend, aus dem Zellkern heraus. Auf der anderen Seite kann eine durch β-adrenerge Stimulation veränderte aktive Ca²⁺-Regulation des Zellkerns oder eine Änderung der Permeabilität der Kernporen nicht ausgeschlossen werden, auch wenn diese Arbeit keine Hinweise auf einen solchen Mechanismus geliefert hat.

4.4 Unterschiedliche Regulation des Ca²⁺ im Kern und im Zytoplasma

Bei der frequenzabhängigen Messung des Ca²⁺-Transienten konnten in den Myozyten des Kaninchens keine Unterschiede zwischen Zellkern und Zytoplasma gefunden werden. Anders verhielt es sich bei der Maus. Hier zeigte sich frequenzabhängig ein stärkerer Anstieg des diastolischen Ca²⁺ im Zellkern als im Zytoplasma, weiterhin fiel die RT50 im Zellkern bis zu einer Frequenz von 2 Hz statistisch signifikant stärker ab als im Zytoplasma.

Eine mögliche Ursache für diesen Unterschied können die niedrigen Frequenzen (0,3 bis 1,3 Hz) sein, mit welchen die Myozyten des Kaninchens stimuliert wurden. Da die Myozyten des Kaninchens unter den in den Messungen gegebenen Umständen bei höheren Frequenzen schnell zu Alternans und Arrhythmien neigten, konnten aber nur relativ niedrige Frequenzen untersucht werden. Unter physiologischen Bedingungen erreicht das Kaninchen (ebenso wie die Maus) deutlich höhere Frequenzen, weshalb auch dort bei höheren Frequenzen ein statistisch signifikanter unterschiedlich starker Anstieg des diastolischen Ca²⁺, sowie eine veränderte Kinetik vermutet werden kann.

Unter Forskolin kam es zu keinem unterschiedlichen Verhalten der Ca²⁺-Änderungen im Zellkern und Zytoplasma, das systolische Ca²⁺ stieg im Zytoplasma und im Zellkern etwa gleich stark an. Auch in der Postpausenmessung zeigte sich kein unterschiedliches Verhalten der Ca²⁺-Konzentrationen des Zellkerns und des Zytoplasmas, alle Ca²⁺-Änderungen waren in beiden Kompartimenten stets fast gleich stark ausgeprägt.

Eine Erklärung für die übermäßig starke Steigerung des diastolischen Ca^{2+} im Zellkern kann in der Kinetik des Ca^{2+} -Transienten angenommen werden. Das Kern- Ca^{2+} erreicht im Gegensatz zum Ca^{2+} des Zytoplasmas verzögert seinen systolischen Wert und es fällt auch verzögert wieder auf den diastolischen Wert ab. Dies liegt daran, dass das Ca^{2+} im Zytoplasma erst passiv durch die Kernporen in den Zellkern diffundieren muss, während es im Zytoplasma aus dem sarkoplasmatischen Retikulum direkt freigesetzt wird. Während ein Abtransport des Ca^{2+} aus Zytoplasma in der Diastole aktiv durch den NCX und die SERCA erfolgt, muss das Ca^{2+} des Zellkerns erst wieder durch die Kernporen aus dem Zellkern heraus diffundieren, um anschließend über die SERCA in die Kernporen aus dem Zellkern heraus diffundieren, um anschließend über die steigender Frequenz hat die Zelle nun weniger Zeit, das Ca^{2+} in seine Speicher oder nach extrazellulär zu befördern, weshalb sich der diastolische Ca^{2+} -Spiegel frequenzabhängig erhöht. Im Zellkern ist dieser Effekt ausgeprägter, da das Ca^{2+} zunächst noch durch die Kernporen zurück ins Zytoplasma diffundieren muss.

Die passive Diffusion des Ca^{2+} durch die Kernporen scheint der entscheidende Mechanismus für die Ca^{2+} -Regulation der Kerne der Kardiomyozyten zu sein. Durch das konstante Verhältnis zwischen dem systolischen Ca^{2+} des Zellkerns und des Zytoplasmas bei unterschiedlichen Frequenzen, nach Forskolinapplikation und im Postpausenprotokoll kann eine wesentliche Abhängigkeit des nukleären Ca^{2+} vom zytoplasmatischen Ca^{2+} beschrieben werden. Dies bedeutet, dass das nukleäre Ca^{2+} in sehr weiten Bereichen von Ca^{2+} -Konzentrationen durch passive Diffusion durch die Kernporen vom zytoplasmatischen Ca^{2+} bestimmt wird.

4.5 Die Kernhülle und die nukleären Tubuli

In dieser Arbeit wurden von der Kernhülle ausgehende Einstülpungen in den Zellkern beobachtet. Diese werden als nukleäre Tubuli bezeichnet. Auf der dem Nukleoplasma zugewandten Seite der Tubuli befinden sich Ca²⁺-freisetzende Kanäle (Echevarria et al. 2003; Lui et al. 2003; Lee RK et al. 2006; Schermelleh et al. 2008). Die nukleären Tubuli wurden zwar in einer Vielzahl von Zellen beobachtet, jedoch scheinen sie nicht in allen Zelltypen vorzukommen und auch nicht in allen Zelltypen gleich ausgeprägt zu sein (Bezin et al. 2008). Aus bisher unbekannten Gründen können diese Ausprägungen von kleinen Ausstülpungen bis hin zu komplexen Netzwerken reichen, wobei die Tubuli häufig in der Nähe von Nucleoli lokalisiert sind (Fricker et al. 1997).

Die Kerntubuli sind Invaginationen der Doppelmembran der Kernhülle (Lui et al. 2003), wobei die Kernhülle selber durch die Verbindung mit dem sarkoplasmatischen Retikulum ebenfalls ein Speicher für Ca^{2+} ist (Wu et al. 2006).

Auch wenn bisher unter physiologischen Bedingungen noch keine aktive Freisetzung von Ca^{2+} aus den Kerntubuli in das Nukleoplasma nachgewiesen werden konnte, so konnte unter experimentellen Bedingungen eine Endothelin-1-vermittelte Ca^{2+} -Freisetzung aus den perinukleären Ca^{2+} -Speichern nachgewiesen werden (Kockskämper et al. 2008).

Die hier gemachten Aufnahmen bestätigen die Beobachtungen eines ausgeprägten Netzwerkes von Tubuli im Zellkern der Vorhof- und Ventrikelmyozyten, welches zum Teil den Kern durchzieht. Welche Funktion diese Tubuli haben und ob eine aktive Ca^{2+} -Freisetzung, bei bewiesenem Vorhandensein von dafür notwendigen Strukturen, möglich ist, ist derzeit noch Gegenstand intensiver Forschung. Denkbar ist aber, dass die Tubuli einen wichtigen Beitrag zur lokalen Regulation von Ca^{2+} im Zellkern von Kardiomyozyten leisten. So konnten an der Außenhülle der Kernhülle IP₃Rs nachgewiesen werden, welche in enger räumlicher Beziehung zu den T-Tubuli standen, einer Quelle von IP₃ und Ca²⁺ (Escobar et al. 2011).

5. Zusammenfassung

 Ca^{2+} ist für Herzmuskelzellen von essenzieller Bedeutung. Nicht nur für die Kontraktion der Herzmuskelzelle ist es entscheidend, es reguliert auch u.a. die Transkription im Zellkern und ist damit an der Entstehung der Hypertrophie des Herzens beteiligt. Die Regulation des Ca^{2+} im Zellkern von Kardiomyozyten ist bisher jedoch nur unvollständig verstanden.

In dieser Arbeit ging es um die Charakterisierung der Regulation des nukleären Ca^{2+} in Kardiomyozyten. Mit dem Ca^{2+} -sensitiven fluoreszierenden Farbstoff Fluo-4 und der 2D-Konfokalmikroskopie wurden Messungen elektrisch stimulierter Ca^{2+} -Transienten im Zytoplasma und Zellkern von Kardiomyozyten (Kaninchen, Maus) durchgeführt. Es wurden Änderungen der Ca^{2+} -Transienten nach Änderungen der Stimulationsfrequenz, nach pharmakologischer Beeinflussung mit Forskolin und nach einer definierten Pause der Stimulation registriert. Weiterhin konnte nach längerer Beladung der Zellen mit dem Farbstoff Fluo-4 eine Anfärbung der Kernhülle und der nukleären Tubuli zur Charakterisierung der perinukleären Ca^{2+} -Speicher erreicht werden.

Wichtig für die Untersuchungen waren vor allem die unterschiedlichen Eigenschaften des Ca²⁺-Transienten im Zellkern und im Zytoplasma. Der Transient des Zellkerns stieg in der Systole langsamer an und erreichte folglich später als der Transient des Zytoplasmas seinen systolischen Wert, der jedoch stets geringer war als der des Zytoplasmas. Weiterhin war der Abfall des Ca²⁺-Transienten im Zellkern langsamer als im Zytoplasma.

In den Messungen zur Frequenzabhängigkeit des Ca²⁺-Transienten (0,3-1,3 Hz in Kaninchen-Vorhof- und Ventrikelmyozyten; 0,5 bis 4 Hz in Maus-Ventrikelmyozyten) zeigte sich in allen Zellen ein frequenzabhängiger Anstieg des diastolischen Ca²⁺ im Zellkern und im Zytoplasma. Das systolische Ca²⁺ stieg im Zellkern und im Zytoplasma frequenzabhängig nur in den Mausmyozyten an. In allen Zellen wurde bei steigender Frequenz in beiden Kompartimenten ein schnellerer Abfall des Ca²⁺-Transienten beobachtet, die Zeit bis zum Erreichen des systolischen Ca²⁺ (TTP) war in den Ventrikelmyozyten in beiden Kompartimenten verkürzt. Unterschiede zwischen Zellkern und Zytoplasma zeigten sich im diastolischen Ca²⁺ und in der Kinetik des Ca²⁺-Transienten der Ventrikelmyozyten der Maus. Das diastolische Ca²⁺ stieg im Zellkern frequenzabhängig stärker an als im Zytoplasma. Die TTP sank im Zellkern zu Beginn stärker ab als im Zytoplasma, im Zellkern fiel die RT50 zu Beginn stärker als im Zytoplasma. In der Postpausenmessung zeigte sich im ersten Transienten nach der Pause ein signifikanter Anstieg des diastolischen Ca^{2+} im Vergleich zur Kontrollmessung bei kontinuierlicher Stimulation. Im Verlauf sank das diastolische Ca^{2+} bei laufender Stimulation dann wieder, bis auf seinen für die gewählte Frequenz ermittelten Normalwert. Das systolische Ca^{2+} stieg in den Ventrikelmyozyten der Maus im ersten Transienten nach der Pause an und fiel im nächsten Transienten stark ab, um dann im Verlauf wieder bis zum frequenzabhängigen Normalwert anzusteigen. In den Vorhofmyozyten des Kaninchens konnte der Anstieg nicht beobachtet werden, jedoch waren der Initiale Abfall im zweiten Transienten nach der Pause und der folgende Anstieg des systolischen Transienten hier ebenfalls zu beobachten. Alle beschriebenen Änderungen ließen sich im Zellkern und im Zytoplasma gleichermaßen ohne signifikanten Unterschied zwischen den Kompartimenten beobachten.

Nach Applikation von Forkolin zeigte sich ein Anstieg des systolischen Ca^{2+} im Zellkern und im Zytoplasma, das diastolische Ca^{2+} blieb unverändert. Die RT50 fiel nach Forskolingabe in beiden Kompartimenten signifikant ab, während die TTP etwa gleich blieb. Die Forskolinwirkungen waren im Zellkern und Zytoplasma gleich groß.

Nach Anfärbung der intrazellulären Ca²⁺-Speicher, darunter die Kernhülle, zeigte sich, dass die Kerne der Vorhof- und Ventrikelmyozyten gleich groß waren und dass die Kernhüllen als Ca²⁺-Speicher fungierten. In beiden Zelltypen wurden Tubuli beobachtet, die in den Kern hineinragten oder diesen ganz durchquerten. Unterschiede zwischen Ventrikel- und Vorhofmyozyten zeigten sich in der Anzahl der Tubuli. So wurden in den Ventrikelymozyten deutlich mehr Tubuli pro Zellkern gefunden.

Unter Berücksichtigung aller Ergebnisse lassen sich wichtige Kernaussagen zusammenfassen: Die Regulation des nukleären Ca^{2+} scheint im Wesentlichen vom zytoplasmatischen Ca^{2+} abzuhängen, das passiv durch Diffusion über die Kernporen in den Zellkern gelangt. Dies gilt für einen weiten Bereich systolischer Ca^{2+} -Konzentrationen, wie sie nach Änderungen der Stimulationsfrequenz erreicht wurden. Auch nach Stimulation des cAMP-PKA-Signalweges durch Forskolin scheint die Ca^{2+} -Konzentration des Zellkerns hauptsächlich passiv durch Diffusion über die Kernporen reguliert zu werden. Hinweise auf eine zusätzliche aktive Freisetzung des Ca^{2+} im Zellkern konnten nicht gefunden werden. Die Kernhülle fungiert als Ca^{2+} -Speicher und besitzt Tubuli, die in den Kern hineinragen. Die Tubuli könnten an der lokalen Ca^{2+} -Regulation des Zellkerns beteiligt sein.

6. Literaturverzeichnis

Alcazar-Roman AR, Wente SR (2008): Inositol polyphosphates: a new frontier for regulating gene expression. Chromosoma <u>117</u>, 1-13.

Backs J, Olson EN (2006): Control of cardiac growth by histone acetylation/deacetylation. Circ Res <u>98</u>, 15–24

Badminton MN, Campbell AK, Rembold CM (1996): Differential regulation of nuclear and cytosolic Ca2+ in HeLa cells. J Biol Chem <u>271</u>, 31210–31214.

Bassani JW, Bassani RA, Bers DM (1994): Relaxation in rabbit and rat cardiac cells: speciesdependent differences in cellular mechanisms. J Physiol <u>476</u>, 279–293.

Bassani JW, Yuan W, Bers DM (1995): Fractional SR Ca release is regulated by trigger Ca and SR Ca content in cardiac myocytes. Am J Physiol <u>268</u>, C1313–C1319.

Berridge MJ, Bootman MD, Roderick HL (2003): Calcium signalling: dynamics, homeostasis and remodelling. Nat Rev Mol Cell Biol <u>4(7)</u>, 517–529.

Bers DM: Excitation-Contraction Coupling and Cardiac Contractile Force. 2nd ed; Kluwer Academic Publishers, Dordrecht 2001.

Bers DM (2002): Cardiac excitation-contraction coupling. Nature 415, 198-205.

Bers DM (2004): Macromolecular complexes regulating ryanodine receptor function. J Mol Cell Cardiol <u>37</u>, 417–429.

Bers DM (2008): Calcium cycling and signaling in cardiac myocytes. Annu Rev Physiol <u>70</u>, 23-49.

Bezin S, Fossier P, Cancela JM (2008): Nucleoplasmic reticulum is not essential in nuclear calcium signalling mediated by cyclic ADPribose in primary neurons. Pflugers Arch <u>456</u>, 581-586

Bkaily G, Nader M, Avedanian L, Choufani S, Jacques D, D'Orleans-Juste P, Gobeil F, Chemtob S, Al-Khoury J (2006): G-protein-coupled receptors, channels, and Na+-H+ exchanger in nuclear membranes of heart, hepatic, vascular endothelial, and smooth muscle cells. Can J Physiol Pharmacol <u>84</u>, 431-441.

Bootman MD, Thomas D, Tovey SC, Berridge MJ, Lipp P (2000): Nuclear calcium signalling. Cell Mol Life Sci <u>57</u>, 371–378.

Bootman, MD, Collins, TJ, Peppiatt CM, Prothero LS, MacKenzie L, De Smet P, Travers M, Tovey SC, Seo JT, Berridge MJ et al. (2001): Calcium signalling-an overview. Semin Cell Dev Biol <u>12(1)</u>, 3-10.

Bootman MD, Fearnley C, Smyrnias I, MacDonald F, Roderick HL (2009): An update on nuclear calcium signalling. J Cell Sci <u>122(Pt 14)</u>:2337-50.

Bossuyt J, Helmstadter K, Wu X, Clements-Jewery H, Haworth RS, Avkiran M, Martin JL, Pogwizd SM, Bers DM (2008): Ca2+/calmodulin-dependent protein kinase IIdelta and protein kinase D overexpression reinforce the histone deacetylase 5 redistribution in heart failure. Circ Res <u>102(6)</u>, 695-702.

Brehm A, Miska EA, McCance DJ, Reid JL, Bannister AJ, Kouzarides T (1998): Retinoblastoma protein recruits histone deacetylase to repress transcription. Nature <u>391(6667)</u>, 597-601.

Cheng H, Lederer WJ, Cannell MB (1993): Calcium sparks: elementary events underlying excitation–contraction coupling in heart muscle. Science <u>262</u>, 740–4.

Cheng HY, Pitcher GM, Laviolette SR, Whishaw IQ, Tong KI, Kockeritz LK, Wada T, Joza NA, Crackower M, Goncalves J et al. (2002): DREAM is a critical transcriptional repressor for pain modulation. Cell <u>108</u>, 31-43.

65

Clapham DE (1995): Calcium signaling. Cell 80(2), 259–268.

Clay JR (2009): Determining k channel activation curves from k channel currents often requires the goldman-hodgkin-katz equation. Front Cell Neurosci <u>3</u>, 20.

Cocco L, Gilmour RS, Ognibene A, Letcher AJ, Manzoli FA und Irvine RF (1987): Synthesis of polyphosphoinositides in nuclei of Friend cells. Evidence for polyphosphoinositide metabolism inside the nucleus which changes with cell differentiation. Biochem J <u>248(3)</u>, 765–770.

Cockcroft S (2006): The latest phospholipase C, PLCeta, is implicated in neuronal function. Trends Biochem Sci <u>31</u>, 4-7.

Coffey RJ, Hawkey CJ, Damstrup L, Graves-Deal R, Daniel VC, Dempsey PJ, Chinery R, Kirkland SC, DuBois RN, Jetton TL et al. (1997): Epidermal growth factor receptor activation induces nuclear targeting of cyclooxygenase-2, basolateral release of prostaglandins, and mitogenesis in polarizing colon cancer cells. Proc Natl Acad Sci USA <u>94(2)</u>, 657-662.

Cox S, Taylor SS (1994): Holoenzyme interaction sites in the cAMP-dependent protein kinase. Histidine 87 in the catalytic subunit complements serine 99 in the type I regulatory subunit. J Biol Chem <u>269(36)</u>, 22614-22.

Danker T, Shahin V, Schlune A, Schafer C, Oberleithner H (2001): Electrophoretic plugging of nuclear pores by using the nuclear hourglass technique. J Membr Biol <u>184</u>, 91-99.

Denton RM, McCormack JG (1990): Ca2+ as a second messenger within mitochondria of the heart and other tissues. Annu Rev Physiol <u>52</u>, 451–66.

Divecha N, Banfic H, Irvine RF (1991): The polyphosphoinositide cycle exists in the nuclei of Swiss 3T3 cells under the control of a receptor (for IGF-I) in the plasma 82 membrane, and stimulation of the cycle increases nuclear diacylglycerol and apparently induces translocation of protein kinase C to the nucleus. EMBO J <u>10(11)</u>, 3207–3214.

Dolmetsch RE, Lewis RS, Goodnow CC, Healy JI (1997): Differential activation of transcription factors induced by Ca2+ response amplitude and duration. Nature <u>386</u>, 855–58.

Dolmetsch RE, Xu K, Lewis RS (1998): Calcium oscillations increase the efficiency and specificity of gene expression. Nature <u>392</u>, 933-936.

Dolmetsch RE, Pajvani U, Fife K, Spotts JM, Greenberg ME (2001): Signaling to the nucleus by an L-type calcium channel-calmodulin complex through the MAP kinase pathway. Science 294, 333-339.

Downes CP, Gray A, Lucocq JM (2005): Probing phosphoinositide functions in signaling and membrane trafficking. Trends Cell Biol <u>15</u>, 259-268.

Echevarria W, Leite MF, Guerra MT, Zipfel WR, Nathanson MH (2003): Regulation of calcium signals in the nucleus by a nucleoplasmic reticulum. Nat Cell Biol 5, 440–446.

Escobar M, Cardenas C, Colavita K, Petrenko NB, Franzini-Armstrong C (2011): Structural evidence for perinuclear calcium microdomains in cardiac myocytes. J Mol Cell Cardiol 50(3), 451-9.

Faenza I, Bregoli L, Ramazzotti G, Gaboardi G, Follo MY, Mongiorgi S, Billi AM, Manzoli L, Martelli AM, Cocco, L (2008): Nuclear phospholipase C beta1 and cellular differentiation. Front Biosci <u>13</u>, 2452-2463.

Franzini-Armstrong C, Protasi F, Ramesh V (1999): Shape, size, and distribution of Ca2+ release units and couplons in skeletal and cardiac muscles. Biophys J <u>77</u>, 1528–39.

Fricker M, Hollinshead M, White N, Vaux D (1997): Interphase Nuclei of Many Mammalian Cell Types Contain Deep, Dynamic, Tubular Membrane-bound Invaginations of the Nuclear Envelope. J Cell Biol <u>136(3)</u>, 531-44.

Genka C, Ishida H, Ichimori K, Hirota Y, Tanaami T, Nakazawa H (1999): Visualization of biphasic Ca2+ diffusion from cytosol to nucleus in contracting adult rat cardiac myocytes with an ultra-fast confocal imaging system. Cell Calcium <u>25(3)</u>, 199-208.

Gerasimenko O, Gerasimenko J (2004): New aspects of nuclear calcium signalling. J Cell Sci <u>117</u>, 3087–3094.

Greber UF, Senior A, Gerace L (1990): A major glycoprotein of the nuclear porecomplex is a membrane-spanning polypeptide with a large lumenal domain and a small cytoplasmic tail. EMBO J <u>9</u>, 1495-1502.

Gruver CL, DeMayo F, Goldstein MA, Means AR (1993): Targeted developmental overexpression of calmodulin induces proliferative and hypertrophic growth of cardiomyocytes in transgenic mice. Endocrinology <u>33</u>, 376–88.

Grynkiewicz G, Poenie M, and Tsien RY (1985): A new generation of Ca2+ indicators with greatly improved fluorescence properties. J Biol Chem <u>260</u>, 3440–3450.

Guatimosim S, Amaya MJ, Guerra MT, Aguiar CJ, Goes AM, Gómez-Viquez NL, Rodrigues MA, Gomes DA, Martins-Cruz J, Lederer WJ, Leite MF (2008): Nuclear Ca2+ regulates cardiomyocyte function. Cell Calcium <u>44(2)</u>, 230-42.

Hallhuber M, Burkard N, Wu R, Buch MH, Engelhardt S, Hein L, Neyses L, Schuh K, Ritter O (2006): Inhibition of nuclear import of calcineurin prevents myocardial hypertrophy. Circ Res <u>99</u>, 626-635.

Higazi DR, Fearnley CJ, Drawnel FM, Talasila A, Corps EM, Ritter O, McDonald F, Mikoshiba K, Bootman MD, Roderick HL (2009): Endothelin-1-stimulated InsP3-induced Ca2+ release is a nexus for hypertrophic signaling in cardiac myocytes. Mol Cell <u>33</u>, 472-482.

Humbert JP, Matter N, Artault JC, Köppler P, Malviya AN (1996): Inositol 1,4,5trisphosphate receptor is located to the inner nuclear membrane vindicating regulation of nuclear calcium signaling by inositol 1,4,5-trisphosphate. Discrete distribution of inositol phosphate receptors to inner and outer nuclear membranes. J Biol Chem <u>271(1)</u>, 478-85. Jong YJ, Kumar V, Kingston AE, Romano C, O'Malley KL (2005): Functional metabotropic glutamate receptors on nuclei from brain and primary cultured striatal neurons: role of transporters in delivering ligand. J Biol Chem <u>280</u>, 30469-30480.

Kamp TJ, Hell JW (2000): Regulation of cardiac L-type calcium channels by protein kinase A and protein kinase C. Circ Res <u>87(12)</u>, 1095-102.

Kockskämper J, Seidlmeyer L, Walther S, Hellenkamp K, Meier LS, Pieske B (2008): Endothelin-1 enhances nuclear Ca2+ transients in atrial myocytes through Ins(1,4,5)P3dependent Ca2+ release from perinuclear Ca2+ stores. J Cell Sci <u>121(Pt 2)</u>, 186-95.

Koppler P, Matter N, Malviya AN (1993): Evidence for stereospecific inositol 1,3,4,5-[3H]tetrakisphosphate binding sites on rat liver nuclei. Delineating inositol 1,3,4,5tetrakisphosphate interaction in nuclear calcium signaling process. J Biol Chem <u>268(35)</u>, 26248–26252.

Kramer A, Ludwig Y, Shahin V, Oberleithner H (2007): A pathway separate from the central channel through the nuclear pore complex for inorganic ions and small macromolecules. J Biol Chem <u>282</u>, 31437-31443.

Krauss G: Biochemistry of Signal Transduction and Regulation. 2. veränderte Auflage; Wiley-VCH Verlag GmbH & Co. KGaA, Weinheim 2001.

Lee MA, Dunn RC, Clapham DE, Stehno-Bittel L (1998): Calcium regulation of nuclear pore permeability. Cell Calcium <u>23</u>, 91-101.

Lee RK, Lui PP, Ngan EK, Lui JC, Suen YK, Chan F, Kong SK. (2006): The nuclear tubular invaginations are dynamic structures inside the nucleus of HeLa cells. Can J Physiol Pharmacol <u>84</u>, 477-486.

Linseman DA, Bartley CM, Le SS, Laessig TA, Bouchard RJ, Meintzer MK, Li M, Heidenreich KA (2003): Inactivation of the myocyte enhancer factor-2 repressor histone deacetylase-5 by endogenous Ca2+/calmodulin-dependent kinase II promotes depolarization-mediated cerebellar granule neuron survival. J Biol Chem <u>278</u>, 41472–81.

Little GH, Saw A, Bai Y, Dow J, Marjoram P, Simkhovich B, Leeka J, Kedes L, Kloner RA, Poizat C (2009): Critical role of nuclear calcium/calmodulin-dependent protein kinase IIdeltaB in cardiomyocyte survival in cardiomyopathy. J Biol Chem <u>284</u>, 24857–24868.

Ljubojevic S, Walther S, Asgarzoei M, Sedej S, Pieske B, Kockskämper J (2011): In Situ Calibration of Nucleoplasmic versus Cytoplasmic Ca2+ Concentration in Adult Cardiomyocytes. Biophys J <u>100(10)</u>, 2356-66.

Lui PP, Chan FL, Suen YK, Kwok TT, Kong SK (2003): The nucleus of HeLa cells contains tubular structures for Ca2+ signaling with the involvement of mitochondria. Biochem Biophys Res Commun <u>308</u>, 826-833.

Mak DO, Foskett JK (1994): Single-channel inositol 1,4,5-trisphosphate receptor currents revealed by patch clamp of isolated Xenopus oocyte nuclei. J Biol Chem <u>269(47)</u>, 29375–29378.

Malviya AN (1994): The nuclear inositol 1,4,5-trisphosphate and inositol 1,3,4,5-tetrakisphosphate receptors. Cell Calcium 16(4), 301–313.

Martelli AM, Billi AM, Manzoli L, Faenza I, Aluigi M, Falconi M, Pol AD, Gilmour RS, Cocco L (2000): Insulin selectively stimulates nuclear phosphoinositide-specific phospholipase C (PI-PLC) beta1 activity through a mitogen-activated protein (MAP) kinase dependent serine phosphorylation. FEBS Lett 486(3), 230–236.

Masterson LR, Yu T, Shi L, Wang Y, Gustavsson M, Mueller MM, Veglia G (2011): cAMPdependent protein kinase A selects the excited state of the membrane substrate phospholamban. J Mol Biol <u>412(2)</u>, 155-64.

McDonough PM, Glembotski CC (1992): Induction of natriuretic factor and myosin light chain-2 gene expression in cultured ventricular myocytes by electrical stimulation. J Biol Chem <u>267</u>, 11665–68.

Mermelstein PG, Deisseroth K, Dasgupta N, Isaksen AL, Tsien RW (2001): Calmodulin priming: nuclear translocation of a calmodulin complex and the memory of prior neuronal activity. Proc Natl Acad Sci USA <u>98</u>, 15342-15347.

Molkentin JD (2004): Calcineurin-NFAT signaling regulates the cardiac hypertrophic response in coordination with the MAPKs. Cardiovasc Res <u>63</u>, 467–75.

O'Brien EM, Gomes DA, Sehgal S, Nathanson MH (2007): Hormonal regulation of nuclear permeability. J Biol Chem <u>282</u>, 4210-4217.

Okada M, Ishimoto T, Naito Y, Hirata H, Yagisawa H (2005): Phospholipase Cdelta1 associates with importin beta1 and translocates into the nucleus in a Ca2+- dependent manner. FEBS Lett <u>579</u>, 4949-4954.

Passier R, Zeng H, Frey N, Naya FJ, Nicol RL, McKinsey TA, Overbeek P, Richardson JA, Grant SR, Olson EN (2000): CaM kinase signaling induces cardiac hypertrophy and activates the MEF2 transcription factor in vivo. J Clin Invest <u>105</u>, 1395–1406.

Quiniou G, Chevalier JM, Barbou F, Bire F, Clementy J (2000): Tachycardia-induced cardiomyopathy, unusual and reversible cause of left ventricular dysfunction: Report of 9 cases. Ann Cardiol Angeiol (Paris) <u>49(5)</u>, 301–308.

Ramesh Iyer V (2008): Ventricular Dysfunction: Tachycardia induced Cardiomyopathy. Indian Pacing Electrophysiol J <u>8(Suppl. 1)</u>, S122-S129.

Rinne A, Kapur N, Molkentin JD, Pogwizd SM, Bers DM, Banach K, Blatter LA (2010): Isoform- and tissue-specific regulation of the Ca(2+)-sensitive transcription factor NFAT in cardiac myocytes and heart failure. Am J Physiol Heart Circ Physiol <u>298(6)</u>, H2001-9.

Rodrigues MA, Gomes DA, Leite MF, Grant W, Zhang L, Lam W, Cheng YC, Bennett AM, Nathanson MH (2007): Nucleoplasmic calcium is required for cell proliferation. J Biol Chem <u>282</u>, 17061-17068.

Schermelleh L, Carlton PM, Haase S, Shao L, Winoto L, Kner P, Burke B, Cardoso MC, Agard DA, Gustafsson MG et al. (2008): Subdiffraction multicolor imaging of the nuclear periphery with 3D structured illumination microscopy. Science <u>320</u>, 1332-1336.

Shahin V, Danker T, Enss K, Ossig R, Oberleithner H (2001): Evidence for Ca2+- and ATP-sensitive peripheral channels in nuclear pore complexes. FASEB J <u>15</u>, 1895-1901.

Shannon TR, Ginsburg KS, Bers DM (2000): Potentiation of fractional SR Ca release by total and free intra-SR Ca concentration. Biophys J <u>78</u>, 334–343.

Shannon TR, Guo T, Bers DM (2003): Ca2+ scraps: local depletions of free [Ca2+] in cardiac sarcoplasmic reticulum during contractions leave substantial Ca2+ reserve. Circ Res <u>93(1)</u>, 40-5.

Shinbane JS,Wood MA, Jensen DN, Ellenbogen KA, Fitzpatrick AP, Scheinman MM (1997): Tachycardia-induced cardiomyopathy: A review of animal models and clinical studies. J Am Coll Cardiol <u>29(4)</u>, 709–715.

Shirakawa H, Miyazaki S (1996): Spatiotemporal analysis of calcium dynamics in the nucleus of hamster oocytes. J Physiol <u>494</u>, 29-40.

Stallings JD, Zeng YX, Narvaez F, Rebecchi MJ (2008): Phospholipase Cdelta1 expression is linked to proliferation, DNA synthesis, and cyclin E levels. J Biol Chem <u>283</u>, 13992-14001.

Stehno-Bittel L, Lückhoff A, Clapham DE (1995): Calcium release from the nucleus by InsP3 receptor channels. Neuron <u>14(1)</u>, 163–167.

Stoffler D, Schwarz-Herion K, Aebi U, Fahrenkrog B (2006): Getting across the nuclear pore complex: new insights into nucleocytoplasmic transport. Can J Physiol Pharmacol <u>84</u>, 499-507.

Territo PR, Mootha VK, French SA, Balaban RS (2000): Ca(2+) activation of heart mitochondrial oxidative phosphorylation: role of F(0)/F(1)-ATPase. Am J Physiol Cell Physiol <u>278</u>, C423–35.

72
Thomas D, Lipp P, Tovey SC, Berridge MJ, Li W, Tsien RY, Bootman MD (2000): Microscopic properties of elementary Ca2+ release sites in non-excitable cells. Curr Biol <u>10</u>, 8-15.

Thorogate R, Torok K (2004): Ca2+-dependent and -independent mechanisms of calmodulin nuclear translocation. J Cell Sci <u>117</u>, 5923-5936.

Thorogate R, Torok K (2007): Role of Ca2+ activation and bilobal structure of calmodulin in nuclear and nucleolar localization. Biochem J <u>402</u>, 71-80.

Timpl R, Fujiwara S, Dziadek M, Aumailley M, Weber S, Engel J (1984): Laminin, proteoglycan, nidogen and collagen IV: structural models and molecular interactions. Ciba Found Symp <u>108</u>, 25-43.

Trafford AW, Diaz ME, Eisner DA (2001): Coordinated control of cell Ca2+ loading and triggered release from the sarcoplasmic reticulum underlies the rapid inotropic response to increased L-type Ca2+ current. Circ Res <u>88</u>, 195–201.

Umana E, Solares AC, Alpert MA (2003): Tachycardia-Induced Cardiomyopathy. Am J Med <u>114</u>, 51–55.

Vermassen E, Van Acker K, Annaert WG, Himpens B, Callewaert G, Missiaen L, De Smedt H, Parys JB (2003): Microtubule-dependent redistribution of the type-1 inositol 1,4,5-trisphosphate receptor in A7r5 smooth muscle cells. J Cell Sci <u>116</u>, 1269-1277.

Wei X, Henke VG, Strubing C, Brown EB, Clapham DE (2003): Realtime imaging of nuclear permeation by EGFP in single intact cells. Biophys J <u>84</u>, 1317-1327.

Wu X, Bers DM (2006): Sarcoplasmic reticulum and nuclear envelope are one highly interconnected Ca2+ store throughout cardiac myocyte. Circ Res <u>99(3)</u>, 283–291.

Wu X, Bers DM (2007): Free and bound intracellular calmodulin measurements in cardiac myocytes. Cell Calcium <u>41</u>, 353-364.

73

Wu X, Zhang T, Bossuyt J, Li X, McKinsey TA, Dedman JR, Olson EN, Chen J, Brown JH, Bers DM (2006): Local InsP3-dependent perinuclear Ca2+ signaling in cardiac myocyte excitation-transcription coupling. J Clin Invest <u>116(3)</u>, 675-82.

Ye K, Ahn JY (2008): Nuclear phosphoinositide signaling. Front Biosci 13, 540-548.

Zhang T, Brown JH (2004): Role of Ca2+/calmodulin-dependent protein kinase II in cardiac hypertrophy and heart failure. Cardiovasc Res <u>63</u>, 476–486.

Teilveröffentlichung der Dissertation

Ljubojevic S, Walther S, Asgarzoei M, Sedej S, Pieske B, Kockskämper J (2011): In Situ Calibration of Nucleoplasmic versus Cytoplasmic Ca2+ Concentration in Adult Cardiomyocytes. Biophys J <u>100(10)</u>, 2356-66.

Danksagung

Prof. Dr. rer. nat. Jens Kockskämper danke ich vielmals für die sehr gute und kompetente Betreuung sowie die Geduld, welche er bei jeder meiner Fragen und den Korrekturen dieser Arbeit hatte. Dank seiner fachlich und menschlich kompetenten Führung konnte diese Arbeit abgeschlossen werden.

Der gesamten Arbeitsgruppe von Prof. Dr. med. Pieske danke ich für die stets freundlichen und kompetenten Ratschläge und Gespräche.

Meiner Mitdoktorandin Shelia Khan danke ich für die Hilfe bei der Einarbeitung in die Methodik und die stets freundliche und bemühte Art.

Curriculum Vitae

Ich wurde am 27.06.1981 als erster von drei Söhnen von Malek Mohammad Asgarzoei und Maleka Besmellah in Kabul (Afghanistan) geboren. Im Februar 1982 flüchteten meine Eltern mit mir vor dem Einmarsch der Sowjetunion nach Deutschland.

Von 1987 bis 1991 besuchte ich die Lohberg-Grundschule in Göttingen, im Anschluss besuchte ich die Berthold-Brecht-Orientierungsstufe in Göttingen von 1991 bis 1993.

Es folgte der Besuch des Hainberggymnasiums in Göttingen von 1993 bis zum Erhalt der allgemeinen Hochschulreife 2000.

Im Dezember 2000 begann ich meinen Zivildienst im Universitäts-Klinikum Göttingen in der Pflege. Zum Wintersemester 2001 konnte ich dann mit dem Medizinstudium in Göttingen beginnen, welches ich erfolgreich im Juni 2009 abschließen konnte. Während dieser Zeit begann ich im September 2006 mit meiner Doktorarbeit in der Kardiologie.

Seit 2009 bin ich im Klinikum Bielefeld als Assistenzarzt in der Kardiologie und internistischen Intensivmedizin beschäftigt.