

SUPPLEMENT-D: ADDITIONAL TOTAL DIVERSITY OF *ARCHAEA* AND *BACTERIA*

TABLE 37: RELATIVE ABUNDANCE OF ARCHAEA AND BACTERIA FROM ADDITIONAL ASSESSMENT. LONAR 1, LONAR 2 AND LONAR 3 REPRESENT 3 DIFFERENT SAMPLES, AND THE VALUES ARE AVERAGE OF 3 SEPARATE EXPERIMENTS.

Additional total diversity of Archaea							
Order	Sample						
	Lonar 1	Lonar 2	Lonar 3	Average	Standard deviation	Maximum	Minimum
<i>Methanocellales</i>	86.3064	75.3613	82.9268	81.5315	4.5760	86.3064	75.3613
<i>South African Goldmine Gp (SAGMEG)</i>	5.8024	13.9451	8.6721	9.4732	3.3722	13.9451	5.8024
<i>Methanomicrobiales</i>	4.3435	7.7312	3.7553	5.2767	1.7521	7.7312	3.7553
<i>Halobacteriales</i>	2.3873	0.7225	2.4390	1.8496	0.7972	2.4390	0.7225
<i>WCHA1-57</i>	0.0000	0.8671	0.6194	0.4955	0.3647	0.8671	0.0000
<i>ANME-1</i>	0.0663	0.6503	0.4259	0.3808	0.2405	0.6503	0.0663
<i>Thermoplasmatales</i>	0.4642	0.2168	0.1936	0.2915	0.1225	0.4642	0.1936
<i>Marine Benthic Group E</i>	0.2321	0.1445	0.3097	0.2288	0.0675	0.3097	0.1445
<i>Methanosarcinales</i>	0.1326	0.2890	0.1936	0.2051	0.0644	0.2890	0.1326
<i>Archaeoglobales</i>	0.2321	0.0723	0.2710	0.1918	0.0860	0.2710	0.0723
<i>MethanoBacteriales</i>	0.0332	0.0000	0.1936	0.0756	0.0845	0.1936	0.0000
Additional total diversity of Archaea							
Genus	Sample						
	Lonar 1	Lonar 2	Lonar 3	Average	Standard deviation	Maximum	Minimum
<i>Methanosaeta</i>	62.0995	53.1816	64.5794	59.9535	4.8943	64.5794	53.1816
<i>Natronococcus</i>	20.3888	21.1338	17.5878	19.7035	1.5266	21.1338	17.5878
<i>Methanocalculus</i>	8.8802	12.4566	10.5363	10.6244	1.4614	12.4566	8.8802
<i>Methanospirillum</i>	3.4837	3.1238	2.6001	3.0692	0.3628	3.4837	2.6001
<i>Candidatus Nitrososphaera</i>	0.5443	3.2395	0.5990	1.4609	1.2578	3.2395	0.5443
<i>Halobiforma</i>	0.5132	1.1184	0.5173	0.7163	0.2843	1.1184	0.5132
<i>Haloterrigena</i>	0.9953	0.9641	1.0210	0.9935	0.0232	1.0210	0.9641
<i>Methanolobus</i>	0.1555	0.9256	0.2450	0.4420	0.3439	0.9256	0.1555
<i>Methanoculleus</i>	0.1555	0.5785	0.2042	0.3127	0.1890	0.5785	0.1555
<i>Halovivax</i>	0.4666	0.3857	0.2314	0.3612	0.0975	0.4666	0.2314
<i>Candidatus Aenigmarchaeum</i>	0.0311	0.3471	0.1497	0.1760	0.1303	0.3471	0.0311
<i>Natronorubrum</i>	0.1555	0.3471	0.1089	0.2038	0.1031	0.3471	0.1089
<i>Halorubrum</i>	0.3266	0.0771	0.1634	0.1890	0.1034	0.3266	0.0771
<i>Natrialba</i>	0.2955	0.1157	0.1634	0.1915	0.0761	0.2955	0.1157
<i>Methanosarcina</i>	0.2644	0.2314	0.1770	0.2242	0.0360	0.2644	0.1770

<i>Methanobacterium</i>	0.0622	0.2314	0.1225	0.1387	0.0700	0.2314	0.0622
<i>Methanomassiliococcus</i>	0.0933	0.2314	0.1497	0.1581	0.0567	0.2314	0.0933
<i>Natronomonas</i>	0.1711	0.1928	0.0817	0.1485	0.0481	0.1928	0.0817
<i>Halopiger</i>	0.0778	0.1543	0.0272	0.0864	0.0522	0.1543	0.0272
<i>Haloplanus</i>	0.0467	0.1543	0.0681	0.0897	0.0465	0.1543	0.0467
<i>Rice Cluster I</i>	0.0933	0.1543	0.1225	0.1234	0.0249	0.1543	0.0933
<i>Methanolinea</i>	0.1400	0.0000	0.0272	0.0557	0.0606	0.1400	0.0000
<i>Methanococoides</i>	0.0622	0.0000	0.1361	0.0661	0.0556	0.1361	0.0000
<i>Candidatus Methanoperedens</i>	0.0933	0.1157	0.0000	0.0697	0.0501	0.1157	0.0000
<i>Natronolimnobius</i>	0.0311	0.1157	0.0817	0.0762	0.0348	0.1157	0.0311
<i>Halonotius</i>	0.0778	0.0771	0.0408	0.0652	0.0173	0.0778	0.0408
<i>Natrinema</i>	0.0778	0.0386	0.0681	0.0615	0.0167	0.0778	0.0386
<i>Candidatus Halobonum</i>	0.0622	0.0771	0.0000	0.0464	0.0334	0.0771	0.0000
<i>Haladaptatus</i>	0.0000	0.0771	0.0000	0.0257	0.0364	0.0771	0.0000
<i>Halalkalicoccus</i>	0.0000	0.0771	0.0272	0.0348	0.0319	0.0771	0.0000
<i>Archaeoglobus</i>	0.0156	0.0000	0.0681	0.0279	0.0291	0.0681	0.0000
<i>Natronobacterium</i>	0.0622	0.0000	0.0272	0.0298	0.0255	0.0622	0.0000
<i>Salinarchaeum</i>	0.0622	0.0000	0.0136	0.0253	0.0267	0.0622	0.0000
<i>Halostagnicola</i>	0.0000	0.0386	0.0545	0.0310	0.0229	0.0545	0.0000
<i>Halolamina</i>	0.0156	0.0386	0.0000	0.0180	0.0158	0.0386	0.0000

Additional total diversity of Bacteria

Phylum	Sample						
	Lonar 1	Lonar 2	Lonar 3	Average	Standard deviation	Maximum	Minimum
<i>Firmicutes</i>	47.7090	44.5469	42.0954	44.7838	2.2979	47.7090	42.0954
<i>Proteobacteria</i>	13.0820	14.5079	15.2154	14.2684	0.8873	15.2154	13.0820
<i>Chloroflexi</i>	8.4778	8.0018	6.5988	7.6928	0.7976	8.4778	6.5988
<i>Actinobacteria</i>	5.1206	5.5058	5.7929	5.4731	0.2754	5.7929	5.1206
<i>Aminicenantes</i>	4.8919	4.5882	5.7020	5.0607	0.4701	5.7020	4.5882
<i>Gemmatimonadetes</i>	3.2686	4.2028	4.7991	4.0902	0.6299	4.7991	3.2686
<i>Deinococcus-Thermus</i>	2.7448	2.5877	4.3144	3.2156	0.7796	4.3144	2.5877
<i>Bacteroidetes</i>	4.1393	3.9459	3.1146	3.7332	0.4445	4.1393	3.1146
<i>Nitrospirae</i>	1.6528	2.2207	2.5692	2.1476	0.3777	2.5692	1.6528
<i>Acidobacteria</i>	2.3759	2.1198	2.2905	2.2620	0.1065	2.3759	2.1198
<i>Spirochaetae</i>	1.6528	2.1243	2.1632	1.9801	0.2320	2.1632	1.6528
<i>Chlorobi</i>	1.6601	2.1335	2.0360	1.9432	0.2041	2.1335	1.6601
<i>Latescibacteria</i>	1.1732	1.2572	1.1998	1.2100	0.0351	1.2572	1.1732
<i>TA06</i>	0.5534	0.6423	0.4363	0.5440	0.0844	0.6423	0.4363
<i>Atribacteria</i>	0.4279	0.3166	0.3575	0.3673	0.0460	0.4279	0.3166
<i>Thermotogae</i>	0.1697	0.2065	0.1091	0.1617	0.0402	0.2065	0.1091
<i>Synergistetes</i>	0.0885	0.1009	0.1757	0.1217	0.0385	0.1757	0.0885
<i>Planctomycetes</i>	0.0443	0.1285	0.0970	0.0899	0.0347	0.1285	0.0443
<i>Cloacimonetes</i>	0.1181	0.1193	0.1091	0.1155	0.0046	0.1193	0.1091

<i>Armatimonadetes</i>	0.0443	0.0596	0.1091	0.0710	0.0276	0.1091	0.0443
<i>Kazan-3B-09</i>	0.0664	0.0688	0.1091	0.0814	0.0196	0.1091	0.0664
<i>Parcubacteria</i>	0.0664	0.0964	0.1030	0.0886	0.0159	0.1030	0.0664
<i>Tenericutes</i>	0.0959	0.0275	0.0667	0.0634	0.0280	0.0959	0.0275
<i>TM6</i>	0.0295	0.0229	0.0909	0.0478	0.0306	0.0909	0.0229
<i>Elusimicrobia</i>	0.0885	0.0688	0.0545	0.0706	0.0139	0.0885	0.0545
<i>Caldiserica</i>	0.0369	0.0872	0.0606	0.0616	0.0205	0.0872	0.0369
<i>Aerophobetes</i>	0.0221	0.0688	0.0545	0.0485	0.0195	0.0688	0.0221
<i>Cyanobacteria</i>	0.0369	0.0642	0.0303	0.0438	0.0147	0.0642	0.0303
<i>Hydrogenedentes</i>	0.0148	0.0459	0.0242	0.0283	0.0130	0.0459	0.0148
<i>SHA-109</i>	0.0295	0.0229	0.0303	0.0276	0.0033	0.0303	0.0229
<i>Omnitrophica</i>	0.0148	0.0229	0.0061	0.0146	0.0069	0.0229	0.0061
<i>SM2F11</i>	0.0000	0.0229	0.0182	0.0137	0.0099	0.0229	0.0000
<i>Hyd24-12</i>	0.0221	0.0092	0.0061	0.0125	0.0070	0.0221	0.0061
<i>LCP-89</i>	0.0221	0.0092	0.0061	0.0125	0.0070	0.0221	0.0061
<i>Acetothermia</i>	0.0148	0.0184	0.0182	0.0171	0.0017	0.0184	0.0148
<i>JL-ETNP-Z39</i>	0.0000	0.0000	0.0182	0.0061	0.0086	0.0182	0.0000
<i>Fibrobacteres</i>	0.0148	0.0092	0.0000	0.0080	0.0061	0.0148	0.0000
<i>Lentisphaerae</i>	0.0148	0.0046	0.0121	0.0105	0.0043	0.0148	0.0046
<i>WCHB1-60</i>	0.0148	0.0092	0.0000	0.0080	0.0061	0.0148	0.0000
<i>Fusobacteria</i>	0.0000	0.0046	0.0061	0.0035	0.0026	0.0061	0.0000

Additional total diversity of Bacteria

Genus	Sample						
	Lonar 1	Lonar 2	Lonar 3	Average	Standard deviation	Maximum	Minimum
<i>Alkaliphilus</i>	36.1358	30.2659	18.1054	28.1690	7.5087	36.1358	18.1054
<i>Bacillus</i>	4.7050	5.3185	11.3609	7.1281	3.0035	11.3609	4.7050
<i>Truepera</i>	6.4404	6.3946	10.3141	7.7163	1.8370	10.3141	6.3946
<i>Natronincola</i>	9.3714	4.5269	3.1577	5.6853	2.6657	9.3714	3.1577
<i>Anaerobacillus</i>	8.6772	8.7817	8.2204	8.5598	0.2438	8.7817	8.2204
<i>Spirochaeta 2</i>	4.2615	5.6895	6.0237	5.3249	0.7642	6.0237	4.2615
<i>Dethiobacter</i>	4.3965	5.9493	4.9768	5.1075	0.6406	5.9493	4.3965
<i>Geoalkalibacter</i>	2.7767	3.5127	4.7709	3.6868	0.8234	4.7709	2.7767
<i>Desulfonatronum</i>	2.0247	4.4156	3.8270	3.4224	1.0171	4.4156	2.0247
<i>Nitriliruptor</i>	1.3884	2.6592	3.3122	2.4533	0.7988	3.3122	1.3884
<i>Thioalkalivibrio</i>	2.6417	2.5727	2.9175	2.7106	0.1489	2.9175	2.5727
<i>Nitrolancea</i>	1.0798	1.2245	2.4198	1.5747	0.6005	2.4198	1.0798
<i>Desulfatiglans</i>	1.5812	1.7811	1.2700	1.5441	0.2103	1.7811	1.2700
<i>Hyphomicrobium</i>	1.1377	0.4082	0.5148	0.6869	0.3217	1.1377	0.4082
<i>Nitrincola</i>	0.5785	0.9153	0.7036	0.7325	0.1390	0.9153	0.5785
<i>Thiomicrospira</i>	0.3278	0.7916	0.6865	0.6020	0.1985	0.7916	0.3278
<i>Steroidobacter</i>	0.5785	0.5318	0.7894	0.6333	0.1121	0.7894	0.5318
<i>Delftia</i>	0.5399	0.7792	0.6350	0.6514	0.0984	0.7792	0.5399

<i>Euzebya</i>	0.1735	0.4824	0.7208	0.4589	0.2240	0.7208	0.1735
<i>Candidatus Desulforudis</i>	0.1735	0.6803	0.6350	0.4963	0.2289	0.6803	0.1735
<i>Desulfatitalea</i>	0.3085	0.6432	0.5492	0.5003	0.1409	0.6432	0.3085
<i>Candidatus Solibacter</i>	0.5592	0.3834	0.5320	0.4915	0.0773	0.5592	0.3834
<i>Haliangium</i>	0.5592	0.3216	0.4634	0.4480	0.0976	0.5592	0.3216
<i>Tepidamorphus</i>	0.3278	0.5071	0.5492	0.4614	0.0960	0.5492	0.3278
<i>Candidatus Caldatribacterium</i>	0.5206	0.5071	0.4977	0.5085	0.0094	0.5206	0.4977
<i>Exiguobacterium</i>	0.1157	0.1237	0.5148	0.2514	0.1863	0.5148	0.1157
<i>Thermoanaerobaculum</i>	0.3471	0.2968	0.4805	0.3748	0.0775	0.4805	0.2968
<i>MSBL7</i>	0.4242	0.2226	0.3089	0.3186	0.0826	0.4242	0.2226
<i>Desulforhabdus</i>	0.0386	0.4082	0.2574	0.2347	0.1517	0.4082	0.0386
<i>Desulfobacca</i>	0.0964	0.3711	0.2746	0.2474	0.1138	0.3711	0.0964
<i>Brassicibacter</i>	0.1735	0.2721	0.3604	0.2687	0.0763	0.3604	0.1735
<i>Salinarimonas</i>	0.1928	0.2968	0.3604	0.2834	0.0691	0.3604	0.1928
<i>Variibacter</i>	0.3471	0.0866	0.1030	0.1789	0.1191	0.3471	0.0866
<i>OM27 clade</i>	0.1350	0.0742	0.3432	0.1841	0.1152	0.3432	0.0742
<i>Thioalkalispira</i>	0.3278	0.0495	0.1545	0.1772	0.1148	0.3278	0.0495
<i>Candidatus Latescibacter</i>	0.0964	0.0989	0.3261	0.1738	0.1077	0.3261	0.0964
<i>Brevundimonas</i>	0.0964	0.1484	0.3089	0.1846	0.0904	0.3089	0.0964
<i>Thiohalomonas</i>	0.1735	0.1361	0.2917	0.2004	0.0663	0.2917	0.1361
<i>Longispora</i>	0.1543	0.0989	0.2746	0.1759	0.0733	0.2746	0.0989
<i>Clostridium sensu stricto 1</i>	0.2700	0.1608	0.0000	0.1436	0.1109	0.2700	0.0000
<i>Anoxynatronum</i>	0.1157	0.1484	0.2574	0.1738	0.0606	0.2574	0.1157
<i>Clostridium sensu stricto</i>	0.2314	0.0989	0.2574	0.1959	0.0694	0.2574	0.0989
<i>Haloplasma</i>	0.2507	0.0742	0.1888	0.1712	0.0731	0.2507	0.0742
<i>Alkalibacillus</i>	0.0771	0.2474	0.0686	0.1310	0.0823	0.2474	0.0686
<i>Iamia</i>	0.0964	0.1855	0.2403	0.1741	0.0593	0.2403	0.0964
<i>Thalassobacillus</i>	0.0771	0.1979	0.2403	0.1718	0.0691	0.2403	0.0771
<i>Vulgatibacter</i>	0.2314	0.0866	0.2403	0.1861	0.0704	0.2403	0.0866
<i>bacterium enrichment culture clone BA129</i>	0.0964	0.2350	0.1716	0.1677	0.0566	0.2350	0.0964
<i>Acinetobacter</i>	0.1157	0.1979	0.2231	0.1789	0.0459	0.2231	0.1157
<i>SEEP-SRB1</i>	0.0964	0.2226	0.0343	0.1178	0.0783	0.2226	0.0343
<i>Caldicoprobacter</i>	0.1735	0.1608	0.2059	0.1801	0.0190	0.2059	0.1608
<i>Candidatus Cloacamonas</i>	0.0771	0.1979	0.2059	0.1603	0.0589	0.2059	0.0771
<i>Candidatus Contubernalis</i>	0.1350	0.1608	0.2059	0.1672	0.0293	0.2059	0.1350
<i>Candidatus Microthrix</i>	0.1928	0.1484	0.1373	0.1595	0.0240	0.1928	0.1373
<i>Microvirga</i>	0.0000	0.0495	0.1888	0.0794	0.0799	0.1888	0.0000
<i>Enhygromyxa</i>	0.1543	0.1855	0.1030	0.1476	0.0340	0.1855	0.1030
<i>Smithella</i>	0.0771	0.1855	0.0858	0.1162	0.0492	0.1855	0.0771
<i>Clostridium sensu stricto 8</i>	0.1735	0.1484	0.1030	0.1416	0.0292	0.1735	0.1030
<i>Nocardioides</i>	0.0386	0.1608	0.1030	0.1008	0.0499	0.1608	0.0386
<i>Sorangium</i>	0.1350	0.0866	0.1545	0.1253	0.0285	0.1545	0.0866

<i>Moraxella</i>	0.1543	0.0124	0.0515	0.0727	0.0598	0.1543	0.0124
<i>Arthrospira</i>	0.0578	0.1484	0.0343	0.0802	0.0492	0.1484	0.0343
<i>Gaiella</i>	0.0771	0.0124	0.1373	0.0756	0.0510	0.1373	0.0124
<i>Peptoclostridium</i>	0.1350	0.0371	0.1373	0.1031	0.0467	0.1373	0.0371
<i>Microbacterium</i>	0.0964	0.1237	0.0343	0.0848	0.0374	0.1237	0.0343
<i>Desulfosarcina</i>	0.0000	0.0247	0.1201	0.0483	0.0518	0.1201	0.0000
<i>Gelria</i>	0.0386	0.0618	0.1201	0.0735	0.0343	0.1201	0.0386
<i>Halomonas</i>	0.0578	0.0371	0.1201	0.0717	0.0353	0.1201	0.0371
<i>Desulfuromonas</i>	0.1157	0.0989	0.0858	0.1002	0.0122	0.1157	0.0858
<i>Marmoricola</i>	0.1157	0.0742	0.0686	0.0862	0.0210	0.1157	0.0686
<i>Thiohalophilus</i>	0.1157	0.0371	0.0172	0.0567	0.0425	0.1157	0.0172
<i>Desulfonatronobacter</i>	0.0193	0.1113	0.0686	0.0664	0.0376	0.1113	0.0193
<i>Solibacillus</i>	0.0193	0.0989	0.1030	0.0737	0.0385	0.1030	0.0193
<i>Ammonifex</i>	0.0193	0.0989	0.0858	0.0680	0.0349	0.0989	0.0193
<i>Deferrisoma</i>	0.0193	0.0989	0.0343	0.0509	0.0346	0.0989	0.0193
<i>Fastidiosipila</i>	0.0964	0.0989	0.0686	0.0880	0.0137	0.0989	0.0686
<i>Methylnatronum</i>	0.0964	0.0989	0.0686	0.0880	0.0137	0.0989	0.0686
<i>Rhodovibrio</i>	0.0193	0.0989	0.0686	0.0623	0.0328	0.0989	0.0193
<i>Ammoniphilus</i>	0.0964	0.0866	0.0343	0.0724	0.0272	0.0964	0.0343
<i>Luedemannella</i>	0.0964	0.0124	0.0343	0.0477	0.0356	0.0964	0.0124
<i>Desulfovira</i>	0.0000	0.0866	0.0343	0.0403	0.0356	0.0866	0.0000
<i>Gemmobacter</i>	0.0386	0.0866	0.0515	0.0589	0.0203	0.0866	0.0386
<i>Anaeromyxobacter</i>	0.0193	0.0371	0.0858	0.0474	0.0281	0.0858	0.0193
<i>Fodinicola</i>	0.0193	0.0618	0.0858	0.0556	0.0275	0.0858	0.0193
<i>Sporosalibacterium</i>	0.0578	0.0247	0.0858	0.0561	0.0250	0.0858	0.0247
<i>Tindallia</i>	0.0000	0.0371	0.0858	0.0410	0.0351	0.0858	0.0000
<i>Altererythrobacter</i>	0.0771	0.0000	0.0172	0.0314	0.0331	0.0771	0.0000
<i>Hydrogenophaga</i>	0.0771	0.0618	0.0172	0.0520	0.0254	0.0771	0.0172
<i>Agromyces</i>	0.0000	0.0742	0.0172	0.0305	0.0317	0.0742	0.0000
<i>Acidiferrobacter</i>	0.0193	0.0247	0.0686	0.0376	0.0221	0.0686	0.0193
<i>Azospirillum</i>	0.0193	0.0247	0.0686	0.0376	0.0221	0.0686	0.0193
<i>Burkholderia</i>	0.0193	0.0124	0.0686	0.0334	0.0251	0.0686	0.0124
<i>Cupriavidus</i>	0.0386	0.0495	0.0686	0.0522	0.0124	0.0686	0.0386
<i>Escherichia-Shigella</i>	0.0386	0.0000	0.0686	0.0357	0.0281	0.0686	0.0000
<i>Nitrosococcus</i>	0.0386	0.0124	0.0686	0.0399	0.0230	0.0686	0.0124
<i>Piscibacillus</i>	0.0000	0.0000	0.0686	0.0229	0.0324	0.0686	0.0000
<i>Pleomorphomonas</i>	0.0578	0.0371	0.0686	0.0545	0.0131	0.0686	0.0371
<i>Ruminiclostridium</i>	0.0000	0.0000	0.0686	0.0229	0.0324	0.0686	0.0000
<i>Azoarcus</i>	0.0386	0.0618	0.0343	0.0449	0.0121	0.0618	0.0343
<i>Caloranaerobacter</i>	0.0193	0.0618	0.0000	0.0270	0.0258	0.0618	0.0000
<i>Cystobacter</i>	0.0000	0.0618	0.0172	0.0263	0.0261	0.0618	0.0000
<i>Defluviicoccus</i>	0.0000	0.0618	0.0343	0.0321	0.0253	0.0618	0.0000
<i>Lactococcus</i>	0.0000	0.0618	0.0000	0.0206	0.0292	0.0618	0.0000

<i>Mesorhizobium</i>	0.0578	0.0495	0.0515	0.0529	0.0036	0.0578	0.0495
<i>Owenweeksia</i>	0.0578	0.0124	0.0343	0.0348	0.0186	0.0578	0.0124
<i>Pseudomonas</i>	0.0578	0.0495	0.0515	0.0529	0.0036	0.0578	0.0495
<i>Sphaerochaeta</i>	0.0578	0.0124	0.0343	0.0348	0.0186	0.0578	0.0124
<i>Sphingomonas</i>	0.0578	0.0371	0.0515	0.0488	0.0087	0.0578	0.0371
<i>Syntrophus</i>	0.0578	0.0000	0.0000	0.0193	0.0273	0.0578	0.0000
<i>Thalassobaculum</i>	0.0578	0.0000	0.0000	0.0193	0.0273	0.0578	0.0000
<i>Anaerosporbacter</i>	0.0000	0.0000	0.0515	0.0172	0.0243	0.0515	0.0000
<i>Legionella</i>	0.0000	0.0000	0.0515	0.0172	0.0243	0.0515	0.0000
<i>Leptolyngbya</i>	0.0000	0.0000	0.0515	0.0172	0.0243	0.0515	0.0000
<i>Pedomicrobium</i>	0.0193	0.0371	0.0515	0.0360	0.0132	0.0515	0.0193
<i>Succinivibrio</i>	0.0000	0.0000	0.0515	0.0172	0.0243	0.0515	0.0000
<i>Thermincola</i>	0.0386	0.0000	0.0515	0.0300	0.0219	0.0515	0.0000
<i>Corynebacterium 1</i>	0.0000	0.0495	0.0000	0.0165	0.0233	0.0495	0.0000
<i>Desulfispora</i>	0.0000	0.0495	0.0000	0.0165	0.0233	0.0495	0.0000
<i>Erysipelothrix</i>	0.0193	0.0495	0.0000	0.0229	0.0204	0.0495	0.0000
<i>Phaeodactylibacter</i>	0.0000	0.0495	0.0000	0.0165	0.0233	0.0495	0.0000
<i>Amaricoccus</i>	0.0386	0.0000	0.0000	0.0129	0.0182	0.0386	0.0000
<i>Amorphus</i>	0.0386	0.0000	0.0000	0.0129	0.0182	0.0386	0.0000
<i>Desulfomonile</i>	0.0386	0.0124	0.0000	0.0170	0.0161	0.0386	0.0000
<i>GAL15</i>	0.0386	0.0124	0.0172	0.0227	0.0114	0.0386	0.0124
<i>Ornatilinea</i>	0.0386	0.0247	0.0000	0.0211	0.0160	0.0386	0.0000
<i>Pelagibius</i>	0.0386	0.0124	0.0000	0.0170	0.0161	0.0386	0.0000
<i>Pelotomaculum</i>	0.0386	0.0371	0.0343	0.0367	0.0018	0.0386	0.0343
<i>Ruminiclostridium 9</i>	0.0386	0.0000	0.0172	0.0186	0.0158	0.0386	0.0000
<i>Sandaracinus</i>	0.0386	0.0124	0.0172	0.0227	0.0114	0.0386	0.0124
<i>Syntrophomonas</i>	0.0386	0.0247	0.0000	0.0211	0.0160	0.0386	0.0000
<i>Thermus</i>	0.0386	0.0000	0.0343	0.0243	0.0173	0.0386	0.0000
<i>Verrucosispora</i>	0.0386	0.0371	0.0172	0.0309	0.0098	0.0386	0.0172
<i>Dehalobacter</i>	0.0000	0.0371	0.0000	0.0124	0.0175	0.0371	0.0000
<i>Intestinibacter</i>	0.0000	0.0371	0.0000	0.0124	0.0175	0.0371	0.0000
<i>Marinospirillum</i>	0.0193	0.0371	0.0343	0.0302	0.0078	0.0371	0.0193
<i>Microlunatus</i>	0.0000	0.0371	0.0172	0.0181	0.0152	0.0371	0.0000
<i>Ruminococcaceae UCG-014</i>	0.0000	0.0371	0.0343	0.0238	0.0169	0.0371	0.0000
<i>Anaerobacterium</i>	0.0000	0.0000	0.0343	0.0114	0.0162	0.0343	0.0000
<i>Candidatus Competibacter</i>	0.0000	0.0124	0.0343	0.0156	0.0142	0.0343	0.0000
<i>Cellvibrio</i>	0.0000	0.0000	0.0343	0.0114	0.0162	0.0343	0.0000
<i>Christensenellaceae R-7 group</i>	0.0000	0.0000	0.0343	0.0114	0.0162	0.0343	0.0000
<i>Desulfovibrio</i>	0.0000	0.0000	0.0343	0.0114	0.0162	0.0343	0.0000
<i>Desulfuribacillus</i>	0.0000	0.0247	0.0343	0.0197	0.0145	0.0343	0.0000
<i>Desulfurivibrio</i>	0.0193	0.0124	0.0343	0.0220	0.0092	0.0343	0.0124
<i>Jeotgalibacillus</i>	0.0000	0.0000	0.0343	0.0114	0.0162	0.0343	0.0000
<i>Marinobacter</i>	0.0000	0.0000	0.0343	0.0114	0.0162	0.0343	0.0000

<i>Nordella</i>	0.0000	0.0000	0.0343	0.0114	0.0162	0.0343	0.0000
<i>Pelobacter</i>	0.0000	0.0124	0.0343	0.0156	0.0142	0.0343	0.0000
<i>Peredibacter</i>	0.0000	0.0000	0.0343	0.0114	0.0162	0.0343	0.0000
<i>Roseomonas</i>	0.0000	0.0000	0.0343	0.0114	0.0162	0.0343	0.0000
<i>Salinibacter</i>	0.0000	0.0124	0.0343	0.0156	0.0142	0.0343	0.0000
<i>Solirubrobacter</i>	0.0000	0.0000	0.0343	0.0114	0.0162	0.0343	0.0000
<i>Stenotrophomonas</i>	0.0000	0.0247	0.0343	0.0197	0.0145	0.0343	0.0000
<i>Treponema</i>	0.0000	0.0247	0.0343	0.0197	0.0145	0.0343	0.0000
<i>Tumebacillus</i>	0.0193	0.0000	0.0343	0.0179	0.0140	0.0343	0.0000
<i>Actinomycetospora</i>	0.0000	0.0247	0.0000	0.0082	0.0117	0.0247	0.0000
<i>Arthrobacter</i>	0.0000	0.0247	0.0000	0.0082	0.0117	0.0247	0.0000
<i>Bryobacter</i>	0.0000	0.0247	0.0172	0.0140	0.0103	0.0247	0.0000
<i>Candidatus Chloroploca</i>	0.0000	0.0247	0.0000	0.0082	0.0117	0.0247	0.0000
<i>Coxiella</i>	0.0000	0.0247	0.0000	0.0082	0.0117	0.0247	0.0000
<i>Dietzia</i>	0.0000	0.0247	0.0000	0.0082	0.0117	0.0247	0.0000
<i>Lactobacillus</i>	0.0000	0.0247	0.0000	0.0082	0.0117	0.0247	0.0000
<i>Methylobacterium</i>	0.0000	0.0247	0.0000	0.0082	0.0117	0.0247	0.0000
<i>Micrococcus</i>	0.0193	0.0247	0.0172	0.0204	0.0032	0.0247	0.0172
<i>Mycobacterium</i>	0.0000	0.0247	0.0172	0.0140	0.0103	0.0247	0.0000
<i>Novosphingobium</i>	0.0193	0.0247	0.0000	0.0147	0.0106	0.0247	0.0000
<i>NS10 marine group</i>	0.0000	0.0247	0.0000	0.0082	0.0117	0.0247	0.0000
<i>Pelolinea</i>	0.0000	0.0247	0.0172	0.0140	0.0103	0.0247	0.0000
<i>Propionibacterium</i>	0.0000	0.0247	0.0172	0.0140	0.0103	0.0247	0.0000
<i>Proteiniphilum</i>	0.0000	0.0247	0.0172	0.0140	0.0103	0.0247	0.0000
<i>Pseudospirillum</i>	0.0000	0.0247	0.0000	0.0082	0.0117	0.0247	0.0000
<i>Ruminococcaceae UCG-012</i>	0.0000	0.0247	0.0000	0.0082	0.0117	0.0247	0.0000
<i>Subdoligranulum</i>	0.0000	0.0247	0.0000	0.0082	0.0117	0.0247	0.0000
<i>Thermosinus</i>	0.0000	0.0247	0.0000	0.0082	0.0117	0.0247	0.0000
<i>Thiogranum</i>	0.0000	0.0247	0.0172	0.0140	0.0103	0.0247	0.0000
<i>Thiohalospira</i>	0.0000	0.0247	0.0000	0.0082	0.0117	0.0247	0.0000
<i>Urania-1B-19 marine sediment group</i>	0.0000	0.0247	0.0000	0.0082	0.0117	0.0247	0.0000
<i>Virgibacillus</i>	0.0000	0.0247	0.0000	0.0082	0.0117	0.0247	0.0000
<i>Bradyrhizobium</i>	0.0193	0.0124	0.0000	0.0106	0.0080	0.0193	0.0000
<i>Dehalococcoides</i>	0.0193	0.0000	0.0172	0.0121	0.0086	0.0193	0.0000
<i>Insolitispirillum</i>	0.0193	0.0000	0.0172	0.0121	0.0086	0.0193	0.0000
<i>Nitratireductor</i>	0.0193	0.0124	0.0000	0.0106	0.0080	0.0193	0.0000
<i>Rhodomicrobium</i>	0.0193	0.0124	0.0000	0.0106	0.0080	0.0193	0.0000
<i>Syntrophorhabdus</i>	0.0193	0.0124	0.0172	0.0163	0.0029	0.0193	0.0124
<i>Tistrella</i>	0.0193	0.0000	0.0172	0.0121	0.0086	0.0193	0.0000
<i>Kocuria</i>	0.0000	0.0124	0.0172	0.0098	0.0072	0.0172	0.0000
<i>Lachnoclostridium</i>	0.0000	0.0124	0.0172	0.0098	0.0072	0.0172	0.0000